

ポスター発表

1日目(12/13)

蛋白質 B) 構造・機能相関

- 1P001 メタノール代謝酵母 *Pichia pastoris* によるイヌミルクリゾチーム発現系の構築
秋枝 大介、相沢 智康、安井 雅範、野中 康宏、渡部 正博、山本 宏子、出村 誠、河野 敬一、新田 勝利 (北大理生物科学科)
- 1P002 新規転写制御蛋白質 FMBP-1 のドメイン構造と機能
松本 大祐¹、八巻 健¹、川口 恭輔¹、山本 宏子¹、熊木 康裕¹、相沢 智康¹、滝谷 重治²、出村 誠¹、新田 勝利¹ (¹ 北大・院理・生物科学、² 北大・先端研)
- 1P003 抗菌ペプチド ASABF 変異体を用いた立体構造と活性の解析
中野 学¹、相沢 智康¹、三浦 和紀²、星野 宏和¹、宮澤 光博³、加藤 祐輔³、熊木 康裕¹、出村 誠¹、津田 栄²、河野 敬一¹、新田 勝利¹ (¹ 北大院理、² 産業技術総合研、³ 農業生物資源研)
- 1P004 カルシトニンにおけるアミロイド線維形成部位と活性部位の分離
内藤 晶¹、上平 美弥²、藤田 秀樹¹、遠藤 弘史¹、伊藤 有希¹、西村 勝之¹ (¹ 横浜国大・大学院・工学研究院、² オックスフォード大・生化学)
- 1P005 固体 NMR による β -オピオイド受容体 ECL-II とダイノルフィンとの相互作用解析
宮森 丈敬¹、西村 勝之¹、吉良 敦史²、内藤 晶¹ (¹ 横国大院・工、² (株) アルバック)
- 1P006 固体 NMR によるグルカゴンの自己集合と脂質二重膜に働く相互作用の解析
藤田 英樹¹、菊地 章恵²、西村 勝之³、内藤 晶³ (¹ 横浜国大院・工学府、² 兵庫県立大学院・理、³ 横浜国大院・工学研究院)
- 1P007 安定同位体標識法を用いた (6-4)photolyase の NMR 解析
加藤 暁¹、上田 卓見^{1,2}、藤堂 剛³、寺沢 宏明¹、嶋田 一夫^{1,4} (¹ 東大・院薬系、² JBIRC, JBIC、³ 京大・放生研、⁴ BIRC, AIST)
- 1P008 フラグメントが形成するアミロイド線維の構造解析
岩田 健太郎¹、藤原 敏道¹、松木 陽^{1,2}、阿久津 秀雄¹、内木 宏延^{2,3,4}、後藤 裕児^{1,2,4} (¹ 阪大・蛋白研、² JST、³ 福井大・医、⁴ CREST)
- 1P009 NMR によるプロテインジスルフィドイソメラーゼのマルチドメイン構造と機能発現の連関の解析
中野 路子^{1,2}、山口 芳樹^{1,2}、村上 千穂¹、原田 拓志¹、栗本 英治^{1,2}、浅見 修³、梶野 勉³、稲葉 謙次⁴、加藤 晃一^{1,2} (¹ 名市大院薬、² CREST, JST、³ 豊田中研、⁴ 京大ウイルス研)
- 1P010 古細菌由来プレフォルディンとシャペロニンの相互作用の NMR 解析
西洋平¹、栗本 英治¹、山口 芳樹¹、座古 保²、吉田 尊雄²、養王田 正文²、加藤 晃一¹ (¹ 名市大・院薬・生命分子構造学、² 東京農工大・生命工学)
- 1P011 SPR センサーを用いた超好熱菌由来シャペロニンとプレフォルディンとの相互作用解析
座古 保^{1,2}、吉田 尊雄¹、神前 太郎¹、村瀬 陽介¹、井出 直希¹、飯塚 令¹、船津 高志²、養王田 正文¹ (¹ 東京農工大・工・生命工、² 東大院・薬学系)
- 1P012 超好熱菌由来シャペロニンのプレフォルディンとの相互作用部位の解析
村瀬 陽介、座古 保、井出 直希、吉田 尊雄、飯塚 令、養王田 正文 (東京農工大・工・生命工学)
- 1P013 超好熱性古細菌シャペロニン II 変異体の基質融合型構造の解析
伊丹 啓祐¹、古谷 昌弘²、丸山 正³、安永 卓生⁴ (¹ 九工大院・情報工・情報科学、² 積水化学、³ JAMSTEC、⁴ 九工大・情報工・生命)
- 1P014 グループ II 型シャペロニンにおける Helical protrusion の役割
飯塚 令¹、吉田 尊雄¹、座古 保¹、伊野部 智由²、桑島 邦博²、養王田 正文¹ (¹ 東京農工大・工、² 東大院・理)
- 1P015 MHC クラス I と CLIP の結合様式
竹川 邦子¹、中川 将利¹、堤 遊³、石村 美雪²、森井 尚之²、中西 洋志²、東 隆親¹、小園 晴生¹ (¹ 東京理科大・生命研、² 産総研・分子細胞、³ 産総研・生物情報解析センター)
- 1P016 溶液中における抗原結合からみた抗体分子の柔軟性の研究
西尾 享子¹、織田 昌幸²、中川 将利¹、佐川 琢麻¹、東 隆親¹ (¹ 東京理科大・生命研・生命情報、² 京都府立大・院農)

1P017 マウス抗 NP 抗体の抗原結合による抗体定常部の構造変化

佐川 琢麻¹、織田 昌幸²、森井 尚之³、小園 晴生¹、東 隆親¹ (¹ 東京理科大・生命研、² 京都府大・院農、³ 産総研・生物機能工学)

1P018 Fc alpha/mu レセプターと抗体の結合における認識部位の解明

石川 勝美¹、中川 将利¹、渋谷 彰²、東 隆親¹ (¹ 東京理科大・生命研、² 筑波大・基礎医・免疫)

1P019 X 線溶液散乱測定によるアダプター蛋白質 GGA(VHS-GAT) の溶液構造の解析

上久保 裕生¹、村崎 康浩¹、川崎 政人²、加藤 龍一²、中山 和久³、若槻 壮市²、片岡 幹雄¹ (¹ 奈良先端大・物質、² 高エネ機構・構造生物セ、³ 京大・薬)

1P020 GGA 蛋白質 2 量体形成における VHS ドメインの関与

村崎 康浩¹、上久保 裕生¹、川崎 政人²、加藤 龍一²、中山 和久²、若槻 壮市²、片岡 幹雄¹ (¹ 奈良先端大・物質、² 高エネ研・物構研・構造生物グループ、³ 京大・薬)

1P021 Hrs-UIM の 2 つのユビキチン結合部位

平野 聡¹、川崎 政人¹、宇良 秀明¹、加藤 龍一¹、Stenmark Harald²、若槻 壮市¹ (¹ KEK・物構研・構造生物、² Dept. of Biochem., Inst. for Cancer Research, the Norwegian Radium Hospital)

1P022 *Candida albicans* 由来 UDP-*N*-acetylglucosamine pyrophosphorylase の結晶構造と反応機構

圓山 大介¹、西谷 優一¹、野中 剛¹、喜田 昭子¹、深海 隆明²、曾我部 智²、三尾 俊之²、岡部 尚文²、岡部 とし子³、三木 邦夫^{1,4} (¹ 京大・院理・化学、² 中外製薬・鎌倉研、³ 横浜市大・医、⁴ 理研・播磨)

1P023 KP-43 プロテアーゼの結晶構造と subtilisin の酸化による基質特異性変化

野中 剛¹、藤橋 雅宏¹、喜田 昭子¹、佐伯 勝久²、伊藤 進³、堀越 弘毅³、三木 邦夫^{1,4} (¹ 京大・院理、² 花王・生科研、³ 海洋研究開発機構、⁴ 理研・播磨)

1P024 *N*-acetylglucosaminophosphate mutase(*Candida albicans* 由来) の結晶構造

西谷 優一¹、圓山 大介¹、野中 剛¹、喜田 昭子¹、深海 隆明²、曾我部 智²、三尾 俊之²、岡部 尚文²、岡部 とし子³、三木 邦夫^{1,4} (¹ 京大・院理・化学、² 中外製薬・鎌倉研、³ 横浜市大・医、⁴ 理研・播磨)

1P025 藍色細菌の時計タンパク質 KaiA の構造と機能の解明

宇津巻 竜也¹、藤田 真康¹、中津 亨²、林 史夫¹、柴田 洋之³、伊藤 典代¹、加藤 博章²、石浦 正寛¹ (¹ 名大・遺伝子、² 京大院・薬、³ 理研)

1P026 藍色細菌の時計タンパク質 KaiB の X 線結晶構造解析及び機能領域の探索

岩瀬 亮^{1,2}、今田 勝巳^{3,4}、林 史夫^{1,5}、宇津巻 竜也^{1,5}、古川 進朗^{3,4}、難波 啓一^{3,4}、石浦 正寛^{1,2,5} (¹ 名大・遺伝子・ゲノム、² 名大院・理・生命、³ 阪大院・生命機能、⁴ ICORP・超分子ナノマシン、⁵ 生研センター)

1P027 T4 ファージ基盤蛋白質 gp10 と gp11 の蛋白質間相互作用

中尾 朋子¹、Ali Said¹、金丸 周司²、有坂 文雄² (¹ 東工大院・生命理工・生命情報、² 生物プロセス)

1P028 Protein-protein interactions between gp13, a neck protein, and the connector, gp15, of bacteriophage T4

Akhter Tahmina、趙 麗、金丸 周司、有坂 文雄 (東工大院・生命理工・生物プロセス)

1P029 アクチンは動的多形をとる

小塚 淳¹、横田 浩章²、石井 由晴³、柳田 敏雄^{1,3,4} (¹ 阪大院・基礎工・システム人間、² ECOLE NORMALE SUPERIEURE, LPS、³ 科技振・ソフトナノマシンプロジェクト、⁴ 阪大院・生命機能・ナノ生体)

1P030 高感度分子間力顕微鏡により検出された細胞間接着分子の新しい分子認識メカニズム

塚崎 克和¹、喜多村 和郎²、清水 一也³、岩根 敦子¹、高井 義美³、柳田 敏雄¹ (¹ 阪大院・生命、² ロンドン大・ウォルフソン生物医学、³ 阪大院・医学)

1P031 1 分子 FRET 計測の標準化

須河 光弘¹、新井 由之²、岩根 敦子¹、柳田 敏雄^{1,3} (¹ 阪大院・生命機能・ナノ生体、² 阪大院・基礎工・システム人間系、³ JST・CREST)

1P032 蛍光タンパク質の結晶構造に基づく蛍光特性の解明

福村 栄維子^{1,2}、菊地 晶裕²、唐澤 智司³、宮脇 敦史³、城 宜嗣² (¹ 兵庫県立大院・理、² 理研・播磨、³ 理研・脳センター)

1P033 蛍光相互相関分光法による非筋細胞ミオシン II アイソフォームのフィラメント形成の解析

三橋 万梨子¹、坂田 啓司²、金城 政孝³、高橋 正行¹、矢澤 道生¹ (¹ 北大院・理・化学、² 研究成果活用プラザ北海道、³ 北大・電子研・超分子分光)

1P034 クロマグロヘモグロビンの X 線結晶構造解析：ルート効果に関する構造学的知見

横山 武司¹、Chong Khoon.Tee²、宮崎 源太郎²、森本 英樹²、Shih Daniel³、雲財 悟¹、Tame Jeremy.R.H¹、
朴 三用¹ (¹ 横浜市大・総合理学・生体超分子、² 阪大・基礎工・システム、³ 台北医科・分生)

1P035 環状蛋白質の新しい作製方法とその応用

高橋 尚、曾田 裕行、謝 秋宏、竹縄 辰行、巖倉 正寛 (産総研・生物機能)

1P036 *Thermotoga maritima* 由来アスパルターゼ様遺伝子産物のクローニングとその性質

西田 憲一、坂根 勲、本郷 邦広、溝端 知宏、河田 康志 (鳥取大・工・生物応用、鳥取大院・医・機能再生)

1P037 赤外分光法によるアカザラナイトロポニン C 変異体 (E142D) と金属イオンとの相互作用に関する研究

奈良 雅之¹、湯本 史明²、永田 宏次²、田之倉 優²、鍵 裕之³、尾島 孝男⁴、西田 清義⁴ (¹ 東医歯大・教養・
化学、² 東大院・農学系・応生化、³ 東大院・理学系・地殻化学、⁴ 北大・水産)

1P038 質量分析法によるジヒドロ葉酸還元酵素 42 位変異体の H/D 交換の研究

陰野 美由紀¹、山本 竜也²、大前 英司¹、巖倉 正寛³、月向 邦彦¹ (¹ 広大院・理、² 広大・QuLiS、³ 産総研)

1P039 マルトヘキサオース生成アミラーゼのマルトヘキサオース複合体の結晶構造

金井 隆太¹、羽賀 敬子²、秋葉 俊彦¹、山根 國男³、原田 一明¹ (¹ 産総研・生物情報、² 筑波大・生物、³ 食
総研)

1P040 リボソーム不活化蛋白質活性部位近傍のコンフォメーションと蛍光減衰特性

福永 幸裕¹、西本 悦子¹、山下 勝美³、渡邊 啓一²、山下 昭二¹ (¹ 九大院・植物資源、² 佐賀大・農、³ NEC ソ
フト)

1P041 転写因子 CREB の CRE 配列認識機構におけるマグネシウムイオンの役割

塩満 栄司¹、小田井 圭²、杉本 徹³、伊藤 悦朗¹ (¹ 北大・院理・生物、² 湘北短大・情報メディア、³ 関東学院
大・工)

1P042 グルカンスクラーゼ (Glucosyltransferase-I) におけるドメイン間相互作用：C 端系統的欠損体の酵素化学お
よび物理化学的性質

貞兼 孝幸¹、小松 英幸²、皿井 明倫²、児玉 孝雄² (¹ 九工大院・情報科学・生命、² 九工大・情報工・生命)

1P043 Barnase-Barstar 複合体の X 線結晶構造解析 Barstar Asp39 Ala の変異による解離平衡定数の著しい上昇と、
構造との相関

浦久保 良昭¹、伊倉 貞吉^{2,3}、伊藤 暢聡⁴ (¹ 東京医歯大 院生命情報、² 東京医歯大 院疾患生命、³ JST さ
きがけ、⁴ 東京医歯大 院疾患生命)

1P044 蛋白質相互作用界面でのアミノ酸残基置換がもたらす相互作用変化の定量的予測

伊倉 貞吉^{1,2} (¹ 東京医歯大院・疾患生命、² JST・「さきがけ」)

1P045 原子局所環境の物理化学的特徴を利用したタンパク質表面領域間類似性検出法の開発

葉袋 良一^{1,2}、松尾 洋^{1,2} (¹ 理研 G S C、² 横浜市大総合理学)

1P046 量子化学計算による蛋白質の in silico 機能予測の探索 II

福島 健太郎¹、和田 光人²、櫻井 実¹ (¹ 東工大・バイオ基盤センター、² セレスター)

1P047 蛋白質の高精度ループモデリング

渡辺 幸久^{1,2}、福西 快文²、中村 春木^{2,3} (¹ JBIC・生物情報解析研究センター、² 産総研・生物情報解析研究セ
ンター、³ 阪大・蛋白研)

1P048 Brownian Dynamics シミュレーションソフトウェアの開発：Kir チャネル分子における残基置換効果解明への
応用

高橋 卓也¹、中村 春木² (¹ 立命・情報理工・生命、² 阪大・蛋白研)

1P049 サポートベクターマシーンによるタンパク質間相互作用部位の予測

石垣 勝章、石田 貴士、寺田 透、中村 周吾、清水 謙多郎 (東大院・農・応生工)

1P050 タンパク質会合状態の決定因子：配列、構造、機能からの考察

西 羽美¹、太田 元規² (¹ 東工大院・生命理工、² 東工大・学国情セ)

1P051 Off-lattice Janus-type Go モデルによるモーター蛋白質構造変化の分子動力学計算

中村 寛則、林田 平、高野 光則 (早大・理工・物理)

1P052 空間制限分子動力学法を用いた電子顕微鏡 3 次元像からの原子モデル構築に向けて

野田 和弘¹、安永 卓生² (¹ 九工大院・情報工・情報科学、² 九工大・情報工・生命情報)

1P053 分子動力学計算によるプロテオーム構造分析：タンパク質間相互作用モデル化研究

二木 紀行¹、白水 美香子²、末永 敦¹、沖本 憲明¹、成見 哲¹、戎崎 俊一³、横山 茂之²、泰地 真弘人¹、小長

谷 明彦¹ (¹ 理研 GSC ゲノム情報 G、² 理研 GSC タンパク質 G、³ 理研 計算宇宙物理)

1P054 タンパク質と水分子の共同運動に関する研究

沖本 憲明¹、中村 卓²、末永 敦¹、二木 紀之¹、平野 秀典³、泰地 真弘人¹、小長谷 明彦¹、山口 勇²、戎崎 俊一³ (¹ 理研・GSC、² 理研・PSC、³ 理研・和光)

1P055 塩素イオンチャネル ClC の分子動力学シミュレーション

末永 敦¹、後藤 邦彦²、Yeh Jay²、泰地 真弘人¹、外山 聡³、竹内 英夫³、Son Mingyu⁴、高山 和喜⁴、岩本 正敏⁵、佐藤 郁郎⁶、榎橋 敏夫²、小長谷 明彦¹ (¹ 理研・GSC、ゲノム情報、² ノースウェスタン大・分子薬理、³ 東北大・薬学、⁴ 東北大・工、⁵ 東北学院大、⁶ 宮城県ガンセンター)

1P056 分子動力学シミュレーションによる細菌べん毛繊維の超らせん構造変化

北尾 彰朗¹、米倉 功治^{2,4}、眞木 さおり^{3,4}、Samatey FadelA³、今田 勝巳^{2,3}、難波 啓一^{2,3}、郷 信広^{5,6} (¹ 東大・分生研、² 阪大院・生命機能、³ JST・ICORP・超分子ナノマシン、⁴ UCSF・Dept. of Biology、⁵ 原研、⁶ 奈良先端大)

1P057 線形応答理論による蛋白質立体構造変化の記述：内部座標系

大森 聡、池口 満徳、木寺 詔紀 (横浜市大・院総合理)

1P058 MutT の構造変化と基質認識の関連

樋口 真理子¹、石田 恒¹、北尾 彰朗²、山縣 ゆり子³、郷 信広^{1,4} (¹ 原研・中性子利用研究センター、² 東大・分生研、³ 熊本大院・薬、⁴ 奈良先端大・情報科学)

1P059 糖結合のためのタンパク質典型構造の抽出

塩生 くらら、白井 剛 (BERI)

蛋白質 D) 機能 (反応機構、生物活性など)

1P060 昆虫外皮由来新規サイトカインの単離・精製と解析

仲戸川 真一¹、織田 康則²、相沢 智康¹、出村 誠¹、早川 洋一²、新田 勝利¹ (¹ 北大・院・理、² 佐賀大・農)

1P061 高圧蛍光法を用いた amyloid 様繊維の解離プロセス

Abdul Raziq Abdul Latif¹、橘 秀樹²、赤坂 一之¹ (¹ 近大・生物理工、² 神戸大)

1P062 アミロイド タンパク質 GM1 ガングリオシド間相互作用の可視化

若林 真樹、松崎 勝巳 (京大院・薬学研究科)

1P063 Protein disulfide isomerase によるインシュリンのジスルフィド結合の還元反応と凝集体形成反応の速度論的相関

前田 良輔¹、竹田 直弘¹、阿度 和克¹、堀部 智久³、菊池 正和²、谷口 吉弘¹ (¹ 立命館大・理工、² 立命館大・情報理工、³ La Trobe Univ.)

1P064 PDI の構造とそのインシュリン還元反応に及ぼす温度効果

阿度 和克¹、前田 良輔¹、堀部 智久³、菊池 正和²、竹田 直弘¹、谷口 吉弘¹ (¹ 立命館大・理工、² 立命館大・情報理工、³ La Trobe Univ.)

1P065 シャペロニン GroEL の C 末端欠損変異体の機能解析

三浦 貴宏¹、座古 保²、上野 太郎²、船津 高志^{1,2} (¹ 早大院・生命理工、² 東大・薬)

1P066 大腸菌 AAA プロテアーゼ FtsH による基質タンパク質のアンフォールディング機構

奥野 貴士、福永 里美、山中 邦俊、小椋 光 (熊本大・発生研・細胞複製)

1P067 チロシン含有オリゴペプチドによる金属タンパク質の還元反応

廣田 俊¹、奥村 久野²、近藤 崇代¹、舟崎 紀昭¹、渡辺 芳人² (¹ 京都薬大・薬、² 名大院・理・化学)

1P068 多波長観測 bicinchoninic acid 法を用いた糖加水分解酵素活性の高感度測定

相馬 聡、Nurul Karim、有川 浩史、城所 俊一 (長岡技科大生物系)

1P069 3- β -Hydroxysteroid dehydrogenase の補酵素結合に関する遷移相速度論および熱力学解析

片岡 佐智予¹、植田 成²、今村 茂行²、大西 正健¹、石蔭 純男¹、佐上 郁子¹、織田 昌幸¹ (¹ 京都府大・院農、² 旭化成ファーマ)

1P070 Green Fluorescent Protein (GFP) ラベル化技術を用いた不凍タンパク質-氷結晶相互作用様式の検出

三浦 和紀¹、津田 栄^{1,2} (¹ 産総研・ゲノムファクトリー、² 北大院・理)

1P071 蛍光ラベルの手法を用いた不凍タンパク質-氷結晶相互作用様式の観測

吉田 敬幸¹、三浦 和紀²、田中 正太郎³、津田 栄^{2,4} (¹ 北大・理・生物科学、² 産総研・ゲノムファクトリー、³ 九大院・システム生命科学、⁴ 北大院・理)

1P072 放電プラズマにより生成したクラスターイオンによる細菌不活化機構の解析

西川 和男¹、八木 久晴¹、馬場 藍¹、I. Digel²、T. Demirci²、G.M. Artmann² (¹ シャープ株 電化開 C、²University of Applied Sciences Aachen)

1P073 カルモジュリンにおけるカルシウム結合反応：タンパク質とカルシウムイオンの水和構造の変化

小林 千草、高田 彰二 (神大・理・化学)

1P074 ATPに依存的な蛋白質のアンフォールディングとトランスロケーション：ミニマルモデルによるシミュレーション

竹内 晋司¹、古賀 信康¹、高田 彰二^{1,2} (¹ 神戸大自然科学、² 科技団、さきがけ21)

1P075 Poisson-Boltzmann モデルを用いたドッキングシミュレーション

鷲尾 巧、福西 広晃、高田 俊和、徳島 大介、 島田 次郎 (日本電気(株)基礎・環境研)

1P076 密度汎関数法のフラビン酵素への適用

玉置 治彦¹、田中 丈幸²、佐藤 恭介³、瀬戸山 千秋¹、二科 安三³、徳岡 啓司⁴、佐藤 敦子⁴、宮原 郁子⁴、広津 建⁴、志賀 潔³、三浦 洸¹ (¹ 熊大院・医薬・分子酵素、² 神戸大・院自・生命科学、³ 熊大院・医薬・分子生理、⁴ 阪市大院・理・構造生物)

蛋白質 E) 計測・解析の方法論

1P077 SAAP 力場の開発：側鎖に回転自由度を持つアミノ酸の単一アミノ酸ポテンシャルの作成

吉田 大介、政次 健志、岩岡 道夫 (東海大・理・化)

1P078 Tsallis Dynamics の構造サンプリング性能の検証

堀江 将¹、福田 育夫¹、中村 春木² (¹ JBIC・生物情報解析研究センター、² 阪大蛋白研)

1P079 HIV-1 protease と阻害剤を用いた in silico screening 法の評価

野村 淳磨、櫻井 実 (東工大院・バイオ基盤センター)

1P080 分子シミュレーションで探る蛋白質中性子非弾性散乱実験の可能性

城地 保昌¹、北尾 彰朗¹、郷 信広^{2,3} (¹ 東大・分生研、² 原研・NSRC、³ 奈良先端大)

1P081 QM/MM シミュレーションの開発と性能評価

米澤 康滋¹、高田 俊和²、中田 一人³、佐久間 俊広⁴、中村 春木¹ (¹ 阪大・蛋白研、² NEC 基礎研、³ NEC ソフト、⁴ NEC 情報システムズ)

1P082 高速多重極法での圧力テンソルと擬二次元周期系への展開

網崎 孝志、藤原 伸一 (鳥取大・医・保健)

1P083 交差飽和法の理論的背景

松本 昌彦^{1,2}、嶋田 一夫^{1,3} (¹ 東大・院薬系、² JBIRC, JBIC、³ BIRC, AIST)

1P084 NOESY-HSQC スペクトルの back-calculation

池谷 鉄兵¹、伊藤 隆²、清水 謙多郎³、野口 保¹ (¹ 産総研・生命情報、² 理研・遺伝生化学、³ 東大院・農・応用生命工学)

1P085 ラベルしたタンパクのエキサイマー蛍光観察に FDCD(蛍光検出円二色性)法を導入してタンパクの構造変化を観測する方法

一海 孝光¹、嶋田 勝彦² (¹ 愛知県芸大、教養教育、² 名古屋市大、芸工)

1P086 真空紫外円二色性によるタンパク質の熱・低温変性の解析

松尾 光一¹、櫻田 芳恵¹、米原 隆太¹、片岡 幹雄²、月向 邦彦^{1,3} (¹ 広大院理、² 奈良先端大、³ 広大放射光)

1P087 真空紫外円二色性分散計によるタンパク質の二次構造解析

米原 隆太¹、松尾 光一¹、櫻田 芳恵¹、月向 邦彦^{1,2} (¹ 広大院・理、² 広大・放射光)

1P088 ナノ開口を用いた弱い生体分子間相互作用の1分子検出

上野 太郎¹、谷井 孝至²、島本 直伸²、三宅 丈雄²、大泊 巖²、庄子 習一²、船津 高志¹ (¹ 東大・薬、² 早大・理工・電生)

1P089 蛍光相関分光法を用いた抗原抗体反応解析

坂田 啓司¹、森岡 弘志²、金城 政孝³、田村 守³ (¹ 科学技術振興機構・研究成果活用プラザ北海道・生体一分子計測、² 北大院・薬・構造生物、³ 北大・電子研・超分子分光)

1P090 蛍光相関分光法を用いた牛プリオン蛋白質の検出

藤井 文彦¹、坂田 啓司¹、上野 雅由²、柳谷 孝幸³、田村 守⁴、金城 政孝⁴ (¹ JST・プラザ北海道、² 富士レピオ・帯研、³ 富士レピオ・中研、⁴ 北大・電子研・超分子)

1P091 時間分割蛍光法による蛋白質結晶化機構の解明

西本 悦子¹、新貝 敦²、山下 勝美²、山下 昭二¹ (¹ 九大院・農・植物資源、² NECソフト(株))

1P092 AFM による汎用的生体分子間相互作用力測定法の開発

関口 博史¹、荒川 秀雄²、猪飼 篤³、大谷 敏郎¹ (¹ 食総研・食品工・計測工学、² 物材機構・ナノマテ研・バイオナノマテリアル、³ 東工大・生命理工・分子生命科学)

1P093 基質鎖長による酵素-基質複合体の相互作用力変化

鈴木 武博、張 元偉、古山 種俊、栗原 和

1P094 転写因子タンパク質と DNA の相互作用のコロイドプローブ AFM による評価：塩基配列依存性

清水 裕一郎¹、鈴木 武博¹、藤田 昌也²、栗原 和枝¹ (¹ 東北大・多元研、² 国立遺伝研)

1P095 Ca²⁺ によるカルモデュリン構造変化のメカノケミカルな検出と解析

最上 要¹、山形 豊²、加瀬 広¹ (¹ (株)フューエンス、² 理研・素形材)

1P096 Growing Neural Gas Network による蛋白質電顕画像の高精度分類法

小椋 俊彦、佐藤 主税 (産総研・脳神経情報)

1P097 非対称蛋白質電子顕微鏡画像からの効果的 3 次元再構成アルゴリズムの開発

植山 崇¹、安永 卓生² (¹ 九工大院・情報工・情報科学、² 九工大・情報工・生命)

1P098 電子顕微鏡によるタンパク質分子像の画像処理

上野 豊¹、山本 真照²、川崎 一則¹、高橋 勝利¹、佐藤 主税¹ (¹ 産総研、² 奈良先端・情報)

膜蛋白質

1P099 エチレンセンサータンパク質 ETR1 の大腸菌における発現系構築に向けた膜内配向性解析

兼本 真友子^{1,2}、中村 寛夫^{1,2}、城 宜嗣^{1,2} (¹ 横市大院・総合理、² 理研)

1P100 MBD1-MBD とメチル化 DNA における相互作用の動的解析

猪股 晃介¹、大木 出²、下竹 敦哉³、藤原 健一朗¹、栃尾 豪人¹、白川 昌宏¹ (¹ 横浜市大・総合理、² 生物分子工学研究所、³ 奈良先端大・バイオ)

1P101 ウシ心筋 NADH-ubiquinone oxidoreductase (複合体 I) 標品の安定性

中坪 良平、杉山 英久、寺田 浩人、杉村 高志、中島 由美子、伊藤-新澤 恭子、吉川 信也 (兵庫県立大院・理)

1P102 ウシ心筋ミトコンドリア呼吸鎖複合体に特異的に結合する脂質

寺田 浩人¹、山崎 明子¹、杉村 高志¹、伊藤-新澤 恭子¹、蓼原 吉輝¹、花田 真¹、青山 浩²、月原 富武³、吉川 信也¹ (¹ 兵庫県立大院・理、² 理研播磨、³ 阪大・蛋白研)

1P103 ミトコンドリア呼吸鎖複合体 I の共鳴ラマンスペクトルによる測定

杉山 英久、小倉 尚志、中坪 良平、寺田 浩人、伊藤 新澤 恭子、吉川 信也 (兵庫県立大院・理)

1P104 電子分光クライオ電子顕微鏡法を用いた呼吸鎖酸化酵素と基質シトクロム c との結合部位の解明

蠣久 大輔¹、藤島 寛¹、坂本 順司²、安永 卓生² (¹ 九工大院・情報工・情報科学、² 九工大・情報工・生命)

1P105 カルシウムポンプのプロトン対抗輸送とカルシウム結合サイト付近の酸性残基のプロトン化率

宮下 尚之¹、杉田 有治¹、池口 満徳²、豊島 近¹ (¹ 東大分生研、² 横市大)

1P106 分子動力学シミュレーションによる Aquaporin-1 の水透過機構の解析

橋戸 公則、池口 満徳、木寺 詔紀 (横浜市大・院総合理・生体超分子)

1P107 Rhodopsin の分子動力学シミュレーション

渡邊 融、池口 満徳、木寺 詔紀 (横浜市大院・総合理学)

1P108 リン脂質二重膜に埋め込まれたハロロドプシンのダイナミクス

林 宗弘¹、宮川 裕樹¹、篠田 渉²、櫻井 実¹ (¹ 東工大院・バイオ基盤、² 産総研・計算科学)

1P109 アルカリ条件下におけるバクテリオロドプシン基底状態のレチナル異性化状態と光退色現象

横山 泰範¹、中野 辰彦²、園山 正史¹、美宅 成樹¹ (¹ 名大・院工・応用物理、² サーモエレクトロン(株))

1P110 バクテリオオプシン変性状態からのバクテリオロドプシンの再生実験

杉山 浩之¹、園山 正史¹、G.D. Ghimire²、美宅 成樹¹ (¹ 名大院・工・応用物理、² 東京農工大・工・生命工学)

1P111 バクテリオロドプシンと類似蛋白質の構造比較

吉村 恵子¹、江波 信生¹、奥村 英夫¹、村上 緑¹、井原 邦夫²、神山 勉¹ (¹ 名大院・理・物理、² 名大・遺伝子実験施設)

- 1P112 界面活性剤 Triton X-100 がファラオニスハロロドプシンのシッフ塩基結合、2次元結晶構造に与える影響に関して
佐々木 貴規、出村 誠、相沢 智康、新田 勝利 (北大院理)
- 1P113 ファラオニスハロロドプシンの Arg-Thr と Lys-Thr の役割
佐藤 麻希¹、久保 恵美¹、相沢 智康¹、加茂 直樹²、新田 勝利¹、出村 誠¹ (¹北大院・理、²北大院・薬)
- 1P114 安定性の異なる水溶性タンパク質と膜との相互作用の分光学的解析
泉川 直重¹、錦織 伸吾¹、萩原 義久²、湯元 昇²、白木 賢太郎³、高木 昌宏¹ (¹北陸先端大・材料、²産総研・関西セ、³筑波大・物理工)
- 1P115 膜貫通ヘリックスの脂質間移行熱力学量の計測
小倉 まい、矢野 義明、松崎 勝巳 (京大院・薬学研究科)
- 1P116 拡張アンサンブルシミュレーションによる膜タンパク質立体構造の自己形成
小久保 裕功¹、岡本 祐幸^{1,2} (¹分子研・理論系、²総研大)
- 1P117 溶液NMRを用いたフォボロドプシントランスドューサー (*pHtrII*) のシグナル伝達機構の解析
福岡 優太¹、奥田 秀泰¹、須藤 雄気²、山火 正毅²、三島 正規¹、加茂 直樹²、児嶋 長次郎¹ (¹奈良先端大・バイオ、²北大・院薬)
- 1P118 固体 NMR によるリン脂質二重膜結合マストパラン X の構造解析
戸所 泰人¹、湯面 郁子¹、Shin-Won Kang²、Jan-Su Park²、河野 俊之³、若松 馨⁴、藤原 敏道¹、阿久津 秀雄¹ (¹阪大蛋白研、²プサン大化、³三菱生命科学研、⁴群馬大工)
- 1P119 光合成光捕集膜タンパク質の立体構造解析
大友 征宇、後閑 和孝、小林 正幸、野澤 庸則 (東北大院・工・バイオ工学)

電子状態

- 1P120 紫外共鳴ラマン分光法によるシトクロム c 酸化酵素 CuB サイトモデル錯体の研究
長野 恭朋¹、北川 禎三¹、劉 勁 剛²、成田 吉徳² (¹岡崎総合バイオ・生体分子、²九大先導研)
- 1P121 ミジンコ (*Daphnia magna*) 耐久卵の ESR 測定
坂田 真信¹、川崎 たまみ¹、渋谷 俊道²、高田 篤¹、吉村 英恭³、並木 秀男¹ (¹早大・院理工・生命理工、²早大・物性計測センターラボ、³明大・理工・物理)

水・水和 / 電解質

- 1P122 ミオシンの凝固剤グルコン酸塩の水との弱い相互作用
田村 陽次郎¹、大井 淳史² (¹鈴鹿高専・物理、²三重大・生資)
- 1P123 マルチチャンネル赤外線顕微鏡を用いたネムリユスリカの乾燥耐性メカニズムに関する物理化学的研究
赤尾 賢一¹、小勝負 純¹、古木 隆生²、渡邊 匡彦³、奥田 隆³、櫻井 実⁴ (¹日本分光、²神奈川産総研、³(独)農業生物資源研究所、⁴東工大・バイオ研究基盤支援総合センター)
- 1P124 荷電した鎖状高分子周りのハイパーモパイル水の誘電特性
宮崎 崇¹、三浦 靖弘¹、斎藤 静香¹、鈴木 誠^{1,2}、鈴木 洋介² (¹東北大院工、²キーコム株式会社)
- 1P125 尿素分子の周りに発見されたハイパーモパイル水の誘電物性
國母 大翼、宮崎 崇、鈴木 誠 (東北大院工)
- 1P126 水・有機物質混合溶液中での蛋白質の会合体形成機構
高橋 紀傑¹、富澤 忠²、関 安孝¹、曾田 邦嗣¹ (¹長岡技科大・生物系、²理研・ゲノム科学総合研究センター)
- 1P127 溶媒接触表面積を用いた近似による溶媒和自由エネルギー計算に用いるパラメータの決定
白尾 紘祥¹、大巖 慶¹、升屋 正人² (¹鹿児島大院・理工・情報工、²鹿児島大・学術情報基盤センター)
- 1P128 3次元 RISM 方程式による DNA の水和の解析
丸山 豊¹、andriy Kovalenko²、平田 文男¹ (¹分子研、²アルバータ大 NINT)
- 1P129 疎水表面の水分子の数密度への水分子モデルの違いの影響の計算
平田 祐一郎、入佐 正幸 (九工大・情報工・生命情報)
- 1P130 水クラスタ中の水分子の分極特性
太田 幸憲、松本 博希、関 安孝、曾田 邦嗣 (長岡技科大・生物系)

発生・分化

1P131 PC12 細胞における 5-HT₃ 受容体を介した突起伸展促進効果

本間 耕平¹、北村 美一郎¹、小川 宏人²、岡 浩太郎¹ (¹慶大院・基礎理工・生命理工、²埼玉医大・生物)

1P132 NeuroD2 による ES 細胞の神経分化

杉本 安隆、古野 忠秀、中西 守 (名市大院薬)

1P133 脂肪細胞への分化と一細胞レベルでの形態・構造変化との関係

永山 昌史¹、内田 努¹、平 敏夫²、星 卓也²、郷原 一寿¹ (¹北大・院工・量子物理、²セルインスティテュート)

1P134 Network motif による遺伝子発現調節

藤本 仰一¹、石原 秀至¹、柴田 達夫² (¹東大院・総合文化、²広大院・数理分子生命)

1P135 真性体および組換え体 -ラクトアルブミンのアンフォールディング解析：N 末端メチオニン残基の影響

笠口 友隆¹、池口 満徳²、佐伯 喜美子¹、木寺 詔紀²、桑島 邦博¹ (¹東大院・理学系・物理、²横市大院・総合理・生体超分子)

筋肉 (筋蛋白・収縮)

1P136 有紋筋 twitchin は静止状態の actin filament と myosin filament の相互作用を調節する

筒井 康貴¹、吉雄 麻喜²、大岩 和弘^{1,2}、山田 章² (¹兵庫県立大・院理・生命、²関西先端研・生体物性)

1P137 Dictyostelium Discoidium による mutant actin の精製と機能評価

三浦 洋敬¹、小口 祐伴¹、石渡 信一² (¹早大院・理工・生命理工、²早大理工・物理)

1P138 ウサギ骨格筋ミオシンの重鎖 A B の構造

井上 明男 (阪大院・理・生物)

1P139 ミオシンホスファターゼを阻害するタンパク質 CPI-17 の構造基盤

大木 進野¹、江藤 真澄²、横田 恭宣¹、松澤 史子³ (¹北陸先端大学院大、²バージニア大、³セレスターレキシコサイエンシズ)

1P140 単リン酸化平滑筋ヘビームロミシンの非対称な光架橋

竹谷 浩介¹、高橋 正行¹、加藤 剛志²、矢沢 道生¹ (¹北大院・理・化学、²旭川医・生化学)

1P141 二枚貝閉殻筋のキャッチ状態における actin-activated Mg-ATPase 活性

山田 章、吉雄 麻喜、大岩 和弘 (情報通信研・関西・生体物性)

1P142 貝類筋肉 (貝柱筋、牽引筋等) の Ca 制御機構の分類

矢沢 洋一 (北海道教育大・教育)

1P143 線虫体壁筋型トロポニン C のサイト IV Ca²⁺ 結合とトロポニン I 結合は個体発生に必須である

高谷 智英¹、寺見 浩美¹、宗田 充宏²、飯尾 隆義²、香川 弘昭¹ (¹岡大院・自然科学、²名大院・理・物理)

1P144 Tn 球状領域結合部位に変異を入れた Tm の性質

佐久間 紹子、志鷹 裕司、木邑 智恵子、崎山 慶太、三木 正雄 (福井大・工)

1P145 Trifluoperazine と結合したヒト心筋 TnC 調節ドメインの結晶構造

武田 壮一^{1,2}、五十嵐 智子¹、大石 裕子¹、盛 英三¹ (¹国楯セ・研・心臓生理、²理研・播磨・構造生物化学)

1P146 アクチンフィラメント分子内構造変化の蛍光イメージング

下澤 東吾¹、石渡 信一² (¹早大院・理工・生命理工、²早大・理工・物理)

1P147 新規二価性スピラベル剤を用いたトロポニン C の動的構造解析

中村 志芳^{1,3}、茶谷 俊介²、植木 正二¹、山本 行男²、荒田 敏昭¹ (¹阪大院・理・生物科学、²京大院・人間・環境、³ERATO 前田プロジェクト)

1P148 トロポニンのアクチン結合の構造的基盤

村上 健次¹、湯本 史明^{2,3}、大木 進野⁴、安永 卓生⁵、田之倉 優²、若林 健之¹ (¹帝京大・理工系・バイオサイエンス、²東大院・農学系、³慈恵医大、⁴北陸先端大・ナノマテリアル、⁵九工大・情報工学・生物化学システム工学)

1P149 細いフィラメント再構成系でのトロポニン I 制御領域の ESR 解析

相原 朋樹¹、植田 啓介¹、中村 志芳¹、植木 正二¹、木邑 智恵子²、三木 正雄²、荒田 敏昭² (¹阪大院・理学・生物科学、²福井大・工)

1P150 筋原線維の水の束縛力

木村 雅子、大野 哲生、千葉 允、山口 眞紀、竹森 重 (慈恵医大・生理 1)

- 1P151 トロポニン T の Ca^{2+} 調節作用における C 端領域の機能解析
小田 洋士、木邑 智恵子、三木 正雄 (福井大・工)
- 1P152 化学架橋トロポミオシンによる滑り運動の抑制 2
中川 真一、本多 元、羽鳥 晋由、松野 孝一郎 (長岡技大・生物系)
- 1P153 時間分割蛍光エネルギー移動法による D234Tm で再構成した細いフィラメント上の構造的な動きの速度論
志鷹 裕司、木邑 智恵子、三木 正雄 (福井大・工)
- 1P154 アクチン-トロポニンは HMM との結合を阻害する
水野 裕昭、羽鳥 晋由、本多 元、松野 孝一郎 (長岡技大院・生物系)
- 1P155 蛍光エネルギー移動法による細いフィラメント上でのトロポニン T とトロポミオシン間の距離の解析
木邑 智恵子、三木 正雄 (福井大・工)
- 1P156 トロポニン I 断片を用いて再構成した細いフィラメントの運動
船本 祐作、水野 裕昭、本多 元、羽鳥 晋由、松野 孝一郎 (長岡技科大・生物系)
- 1P157 DSC 測定により見られたトロポミオシンのトロポニン球状領域結合部位内の変異の影響
崎山 慶太、志鷹 裕司、佐久間 紹子、三木 正雄 (福井大・工)
- 1P158 蛍光顕微鏡を用いたアクチンの折りたたみ機構の解析
岡谷 実季¹、山岸 舞¹、船津 高志^{1,2} (¹早大、²東大・薬)
- 1P159 熱パルスによって駆動するアクチン繊維
倉富 敏史^{1,2}、川口 友彰¹、羽鳥 晋由^{1,2}、本多 元^{1,2}、松野 孝一郎¹ (¹長岡技科大・生物、²ソフトナノ)
- 1P160 光ピンセットを使った骨格筋筋原線維の表面破断によるサルコメア分子構築の解析
竹之内 富士子、大槻 美里、宮代 大輔、国岡 由紀、山田 武範 (東京理科大・理・物理)
- 1P161 ADP 光遊離にともなうアクト-平滑筋 S1 複合体の構造変化の超高速時分割 X 線回折
若山 純一¹、田村 巧¹、井上 勝晶²、八木 直人²、岩本 裕之² (¹理研播磨研・前田構造生物化学、²SPring-8・JASRI)
- 1P162 車軸藻ミオシン上でのアクチン繊維の方向性をもったゆらぎ
羽鳥 晋由¹、桶野 雄輔¹、本多 元¹、嶋田 勝彦²、松野 孝一郎¹ (¹長岡技科大・生物、²名市大・芸工)
- 1P163 心筋 SPOC と心拍との相関を規定する因子
佐々木 大輔¹、石渡 信一² (¹早大院・生命理工、²早大・物理)
- 1P164 アクチンフィラメント上で見る HMM の結合状態
田口 洋介、羽鳥 晋由、本多 元、松野 孝一郎 (長岡技科大・生物系)
- 1P165 筋収縮系自励振動 (SPOC) における外力刺激応答のサルコメア長依存性
島本 勇太¹、鈴木 団¹、安田 賢二³、石渡 信一^{1,2} (¹早大・院・生命理工、²早大・理工・物理、³東大・院・総合文化)
- 1P166 近接したアクチン 2 分子間に働く排除体積起因の平均力の計算
嶋田 良美、入佐 正幸 (九工大・情報工・生命情報)
- 1P167 ヒト筋肉アクチン発現系の構築
岩佐 充貞¹、佐野 健一²、前田 佳代¹、前田 雄一郎¹ (¹理研播磨・前田構造生物化学、²癌研究所・蛋白創製研究部)
- 1P168 ゲル表面におけるアクチン自己組織化による 3 次元ネットワーク成長
浦 剛博¹、角五 彰¹、Gong Jian Ping^{1,2}、長田 義仁¹ (¹北大院理、²科学技術振興機構)
- 1P169 拘束型心筋症原因トロポニン I の構造および機能解析
湯本 史明^{1,2}、盧 群偉³、永田 宏次²、森本 幸生³、田之倉 優²、大槻 磐男¹ (¹慈恵医大・医・生理、²東大院・農生科・応生化、³九大院・医・臨薬)
- 1P170 咀嚼筋ミオシンの力学的特性
大貫 芳樹¹、国岡 由紀²、大槻 美里²、山田 武範²、三枝木 泰丈¹、柳澤 慧二¹ (¹鶴見大・歯・生理、²東京理科大・理・物理)
- 1P171 筋肉タンパクによるナノバイオマシンの創製
敷中 一洋¹、角五 彰¹、古川 英光¹、Gong Jian Ping^{1,2}、長田 義仁¹ (¹北大院理、²(独)科学技術振興機構)
- 1P172 心筋及び骨格筋におけるサルコメア分子構築の力学強度の比較：酵素処理筋原線維の AFM 及び SDS-PAGE による解析

秋山 直生¹、大貫 芳樹²、三枝木 泰丈²、国岡 由紀¹、山田 武範¹ (¹ 東京理科大・理・物理、² 鶴見大・歯・生理)

1P173 牡蛎ミオシン 1 分子の 2 価金属イオンによる構造変化

谷口 美恵子¹、岡田 千真理¹、大西 寛貴¹、矢沢 洋一²、山根 隆¹ (¹ 名大・工・生物機能工学、² 北海道教育大)

1P174 高圧 X 線小角散乱から見た骨格筋 HMM の head-tail junction の柔らかさ

桑本 滋生¹、藤澤 哲郎¹、前田 雄一郎¹、岡本 洋² (¹ 理研・播磨/SPring-8、² 室蘭工大・応用化学)

1P175 平滑筋ヘビメロミオシンの構造変化の X 線溶液散乱解析

杉本 泰伸¹、Kondrashkina Elena²、荒田 敏昭³、相原 朋樹³、武澤 康範¹、Irving Thomas C.²、若林 克三¹ (¹ 阪大院・基礎工、² BioCAT, APS, ANL、³ 阪大院・理)

1P176 電子分光クライオ電子顕微鏡を用いた二枚貝キャッチ筋のキャッチ機構の分子メカニズムの解明

三瀬 大海¹、安永 卓生²、吉雄 麻喜³、山田 章³ (¹ 九工大院・情報工・情報科学、² 九工大・情報工・生命、³ 情報通信研・関西・生体物性)

1P177 中間状態解析用ツールとしての ActoS1 キメラタンパクの作成

Md. S. P. Siddique¹、丸子 裕之¹、宮崎 崇¹、片山 栄作²、上田 太郎³、鈴木 誠¹ (¹ 東北大院工、² 東大・医科研・分子構造解析、³ 産総研・ジーン F)

1P178 電子光学的クライオ電子顕微鏡像の単粒子解析によるアクチン・フィラメントのヘリックスの可視化

成田 哲博¹、安永 卓生²、若林 健之³ (¹ 理研・播磨、² 九工大・情報工学・生物化学システム工学、³ 帝京大・理工・バイオサイエンス)

1P179 細いフィラメントの中性子繊維回折

藤原 悟¹、松本 富美子^{1,2}、弟子丸 俊吾^{1,2} (¹ 原研・中性子利用研究センター、² 理研播磨・構造生物化学)

1P180 3次元クライオ電子顕微鏡像からのアクチン・ミオシン硬直複合体原子モデル構築

安永 卓生¹、野田 和弘²、狩野 要介²、若林 健之³ (¹ 九工大・情報工・生命情報工、² 九工大院・情報工・情報科学、³ 帝京大・理工・バイオサイエンス)

1P181 骨格筋正常収縮時におけるミオシン結合が細いフィラメントの活性化に果たす役割

岩本 裕之 (SPring-8・JASRI)

1P182 骨格筋太いフィラメントの損傷構造とクロスブリッジ双頭構造の X 線解析

大島 勘二¹、武澤 康範¹、杉本 泰伸¹、Thomas C. Irving²、若林 克三¹ (¹ 阪大院・基礎工、² BioCAT, Illinois Inst. Tech)

1P183 A 帯滑り運動系と制御系タンパク質を用いた自励振動現象発生機構の解明

鈴木 団、石渡 信一 (早大・理工・物理)

1P184 収縮中の筋に長さ変化を加えたときの x - 線反射像の変化

田中 秀洋¹、小林 孝和²、武澤 康範³、杉本 泰伸³、大島 勘二³、若林 克三³ (¹ 帝京平成短大、² 芝浦工大、³ 阪大基礎工)

1P185 力発生を阻害した骨格筋活性化時の細いフィラメント構造変化

田村 巧¹、若山 純一¹、八木 直人²、藤澤 哲郎¹、岩本 裕之² (¹ 理研播磨・前田構造生物化学、² SPring-8・JASRI)

1P186 骨格筋力発生時におけるアクチンフィラメントの伸展による X 線子午反射プロフィール

武澤 康範¹、里井 範子¹、小林 孝和²、大島 勘二¹、杉本 泰伸¹、若林 克三¹ (¹ 阪大院・基礎工、² 芝浦工大・工)

1P187 骨格筋スキンドファイバー断面積に対するポリオールの効果

木村 雅子、鈴木 優一、高岸 勝繁、竹森 重 (慈恵医大・生理 1)

1P188 筋長の突然変化に対するレスポンスの理論

上野 陽太郎 (OWL Bio-Science Shop)

生体膜・人工膜 A) 構造・物性

1P189 環状脂質の非対称性はその自己組織化に如何に影響を与えるか?

芝上 基成、後藤 理恵、三由 伸 (産総研)

1P190 生体膜上で起こる相互作用解明のための微視・巨視的観測系の構築 一生存競争における外敵防御の戦略一

菊地 淳^{1,2}、西原 崇¹、佐々木 啓考^{3,4}、福沢 世傑³、橘 和夫³ (¹ 横浜市大院総理、² 理研横浜、³ 東大院理、⁴ 現カリフォルニア州立大)

- 1P191 リゾホスファチジルコリンにより誘起される秩序液体相の巨大リポソームの変形と膜分裂
佐野 涼子¹、 田中 智樹^{1,2}、 山下 裕子¹、 山崎 昌一¹ (¹ 静大・理・物理、² Institute Curie (Paris))
- 1P192 秩序液体相の脂質膜の巨大リポソームと一枚膜ベシクル (LUV) の Triton X-100 存在下での安定性
丹波 之宏¹、 田中 智樹^{1,2}、 矢矧 健史¹、 山下 裕子¹、 山崎 昌一¹ (¹ 静大・理・物理、² Institute Curie (Paris))
- 1P193 巨大リポソーム内でのアクチン/フィラミン A (FLNA) ゲルの構築とその特性
佐野 涼子¹、 大橋 一世²、 伊藤 忠直³、 山崎 昌一¹ (¹ 静大・理・物理、² 千葉大・理・生物、³ 京大・理・生物物理)
- 1P194 Magainin 2 と巨大リポソームの相互作用
丹波 之宏、 Masum Shah Md.、 山崎 昌一 (静大・理・物理)
- 1P195 糖含有中性リン脂質フィルムの水和による効率的な巨大リポソーム形成
湊元 幹太、 藤野 綾、 阪本 大輔、 吉村 哲郎 (三重大・工・分子素材)
- 1P196 FACS を用いたリポソームの物性解析
佐藤 周知¹、 卜部 格¹、 四方 哲也^{1,2,3,4,5} (¹ 阪大院・工・応用生物、² 阪大院・情報科学、³ 阪大院・生命機能、⁴ 科技団・さきがけ 21、⁵ 東大院・総合文化)
- 1P197 GD3 ガングリオシド / コレステロール混合系の構造の温度・塩依存性
平井 春顕¹、 平井 光博¹、 笠原 浩二²、 鈴木 直子²、 湯山 耕平²、 早川 智広³ (¹ 群馬大・工、² 東京都臨床研、³ 理研)
- 1P198 GM1/コレステロール/リン脂質混合系の分子動力学シミュレーション
森 健一¹、 畑 晶之²、 根矢 三郎²、 星野 忠次² (¹ 千葉大院・医薬・創薬生命、² 千葉大院・薬)
- 1P199 ガングリオシド GM3 を含む SOPC 多重層膜の X 線回折
松岡 審爾、 山田 大邦 (札幌医科大学医学部物理)
- 1P200 マイクロビーム X 線を用いたキューティクル内の細胞膜複合体 (CMC) 構造の解析
太田 昇¹、 岡 俊彦²、 井上 勝晶¹、 八木 直人¹、 加藤 知³、 八田 一郎⁴ (¹ Spring-8/JASRI、² 慶応大・理工、³ 関学大・理工、⁴ 福井工大・工)
- 1P201 浸透圧を加えた条件下におけるガングリオシド GM1 / コレステロール混合系の X 線回折
安部 悟、 高橋 浩 (群馬大・工)
- 1P202 MO/DOPA - 混合膜のキュービック相の安定性に対する正電荷を持つペプチドの効果
Masum Shah Md.、 Awad Tarek S.、 Li Shu Jie、 山崎 昌一 (静大・理・物理)
- 1P203 電氣的に中性の脂質膜界面と相互作用するペプチドが MO 膜のキュービック相の構造安定性に及ぼす効果の pH 依存性
Masum Shah Md.、 Awad Tarek S.、 山崎 昌一 (静大・理・物理)
- 1P204 Ca²⁺ が誘起する MO/DOPG-混合膜の一枚膜ベシクル (LUV) からキュービック相への構造転移
Awad Tarek S.、 Masum Shah Md.、 佐野 涼子、 山崎 昌一 (静大・理・物理)
- 1P205 副腎皮質刺激ホルモン ACTH(1-24) の DMPG/DMPC 単一/混合脂質二重膜上での立体構造の固体 NMR を用いた解析
西村 勝之¹、 明賀 博樹²、 成田 宗外²、 吉良 敦史³、 内藤 晶¹ (¹ 横浜国大院・工学研究院、² 横浜国大院・工学府、³ (株) アルバック・技術開発部)
- 1P206 固体 NMR による副腎皮質刺激ホルモン (ACTH) と DMPG/DMPC 混合リン脂質二重膜との相互作用の解析
明賀 博樹¹、 西村 勝之²、 成田 宗外¹、 吉良 敦史³、 内藤 晶² (¹ 横浜国大院・工学府、² 横浜国大院・工学研究院、³ (株) アルバック・技術開発部)
- 1P207 固体 NMR によるソマトスタチン (SS-14) と酸性リン脂質二重膜との相互作用解析
佐々木 順也¹、 西村 勝之²、 吉良 敦史³、 内藤 晶² (¹ 横浜国大院・工学府、² 横浜国大院・工学研究院、³ (株) アルバック・技術開発部)
- 1P208 固体 NMR によるリン脂質二重膜に結合した β -endorphin の二次構造と運動性の解析
原田 亜弥¹、 西村 勝之²、 横山 雅文¹、 吉良 敦史³、 内藤 晶² (¹ 横浜国大院・工学府、² 横浜国大院・工学研究院、³ (株) アルバック・技術開発部)
- 1P209 固体 NMR によるメラニン細胞刺激ホルモン γ_2 -MSH と中性及び酸性脂質膜結合状態における立体構造解析
吉田 祥吾¹、 西村 勝之²、 吉良 敦史³、 内藤 晶² (¹ 横浜国大院・工学府、² 横浜国大院・工学研究院、³ (株) アルバック・技術開発部)

- 1P210 固体 NMR によるボンポリチン 2 DPPC 分散系の膜融合・分断機構の解析
虎谷 秀一、西村 勝之、内藤 晶（横浜国大院・工・機能発現工）
- 1P211 非イオン性界面活性剤を用いた、固体表面におけるリン脂質膜の自発的形成の制御
杉浦 智啓、石黒 亮、亀山 啓一、平松 宏一（岐阜大・工）
- 1P212 光リソグラフィーを用いた脂質二分子膜の微細パターン化技術
森垣 憲一（産総研・セルエンジニアリング）
- 1P213 イオンの吸着による脂質膜界面の電気双極子の分極
Levadny Victor^{1,2}、山崎 昌一¹（¹ 静大・理・物理、²The Scientific Council for Cybernetics, Russian Academy of Sciences）
- 1P214 秩序液体相 (lo 相) の平面 2 分子膜の膜融合法による固体基板上への構築とその特性
佐野 涼子、斉藤 敦子、島内 英樹、山崎 昌一（静大・理・物理）
- 1P215 膜タンパク質の配向制御と評価
山口 直人、小山 行一（桐蔭横浜大・院工）
- 1P216 バクテリオロドプシン蛋白の N 末端ペプチドを基にしたペプチド設計とレチノイン酸との複合薄膜化の試み
後藤 研滋、鳴海 能仁、大石 洋樹、辻内 裕（秋田大・工資・材料工）
- 1P217 ジミリストイルホスファチジルコリン・レチノイン酸複合薄膜の定量的特性解析
伊藤 学、後藤 研滋、辻内 裕（秋田大・工資・材料工）
- 1P218 中性子溶液散乱によるラフトモデル生体膜の構造と水透過の研究
平井 光博¹、小泉 将治¹、平井 春顕¹、笠原 浩二²、湯山 耕平²、鈴木 直子²（¹ 群大・工、² 東京都臨床研）
- 1P219 DPPC-コレステロール混合二分子膜の相挙動；蛍光プローブ Prodan による観測
盛林 伸孝、楠部 真崇、玉井 伸岳、松木 均、金品 昌志（徳島大・工・生物）
- 1P220 高圧蛍光プローブ法によるリン脂質 - コレステロール混合二分子膜の相挙動の解明
玉井 伸岳、カンマニウオン ソンマン、植村 麻衣子、松木 均、金品 昌志（徳島大工）
- 1P221 リン脂質 Dry Film の構造におけるリポソーム形成要因
菱田 真史¹、瀬戸 秀紀¹、吉川 研一¹、Ploysai Kaewsaiha²、松岡 秀樹²（¹ 京大院・理、² 京大院・工）
- 1P222 原子間力顕微鏡による高湿度下での脂質膜の観察 II. DMPC-コレステロール混合系
岡本 淳、江間 健司、八尾 晴彦（東工大・院・理工・物性物理）
- 1P223 分枝鎖型モデル脂質の合成とその物性評価（2） - methyl 分枝鎖が lamellar 構造に与える効果 -
小松 寛^{1,2}、馬場 照彦²、高木 俊之²、金森 敏幸²、酒井 清孝¹（¹ 早大理工、² 産総研バイオニクス RC）
- 1P224 スフィンゴミエリンのリップル相に対するコレステロールの効果
木下 祥尚¹、加藤 知²（¹ 関学大院・理、² 関学大・理工）
- 1P225 微細孔を有する高分子薄膜に支持された脂質二分子膜および再構成膜の形成とその確認
佐藤 隆弘¹、角谷 忠昭¹、辻井 敬巨²、福田 猛²、浅見 耕司²（¹ 京大農、² 京大化研）
- 1P226 アシルアミノリン脂質 DDPC・水系の構造と相挙動の熱履歴依存性
高橋 浩¹、奥村 幸久²、砂本 順三³（¹ 群馬大・工、² 信州大・工、³ 京大・工（名誉教授））
- 1P227 局所麻酔薬と生体モデル膜との相互作用（3） - 不飽和リン脂質二分子膜への分配 -
西本 真琴¹、長山 和史³、秦 隆志³、佐竹 弘²、松木 均¹、金品 昌志¹（¹ 徳大・工・生物、² 徳大・地共、³ 高知高専・物質）
- 1P228 局所麻酔薬と生体モデル膜との相互作用（1） - 麻酔ポテンシーとの相関 -
山崎 奈穂¹、秦 隆志¹、佐竹 弘²、松木 均³、金品 昌志³（¹ 高知高専・物質、² 徳大・地共、³ 徳大・工・生物）
- 1P229 局所麻酔薬と生体モデル膜との相互作用（2） - コレステロールの影響 -
松岡 和彦¹、谷岡 康弘¹、秦 隆志¹、佐竹 弘²、松木 均³、金品 昌志³（¹ 高知高専・物質、² 徳大・地共、³ 徳大・工・生物）
- 1P230 アネキシン 5 で流動性を減少させた人工脂質膜中の 1 分子観測
市川 壮彦¹、井出 徹²、柳田 敏雄³（¹ 阪大院・基礎工、² 科学技術振興機構・戦略創造、³ 阪大院・生命機能）
- 1P231 メリチンの脂質二成分系に及ぼす影響の示差走査熱量測定による研究
兒玉 篤治、大木 和夫、大場 哲彦（東北大・院理・物理）
- 1P232 ウシラクトフェリシンと酸性リン脂質二重膜との特異的相互作用およびその抗菌作用の解明
梅山 万左子、西村 勝之、内藤 晶（横国大院・工）

光生物 A) 視覚

1P233 桿体視細胞のロドプシンを緑錐体視物質に置換したノックインマウスの解析

桜井 啓輔^{1,3}、今井 啓雄^{1,3}、大西 暁士^{1,3}、千坂 修²、七田 芳則^{1,3} (¹京大・院理・生物物理、²京大・院生命、³CREST・JST)

1P234 ノックインマウス視細胞外節膜におけるロドプシンのメタ中間体の崩壊とオプシンの生成過程

今井 啓雄^{1,2}、桑山 成樹^{1,2}、大西 暁士^{1,2}、森住 威文^{1,2}、千坂 修³、七田 芳則^{1,2} (¹京大・院理、²CREST、JST、³京大・院生命)

1P235 長波長感受性錐体視物質における塩素イオンの結合と解離

森住 威文、桑山 成樹、大西 暁士、今井 啓雄、七田 芳則 (京大・院理・生物物理、CREST/JST)

1P236 視細胞円板膜におけるロドプシンのブラウン運動

林 文夫 (神戸大・理・生物学科)

1P237 アゴニスト結合能を持つ無脊椎動物型ロドプシンにおけるレチナル・オプシン相互作用の解析

塚本 寿夫、寺北 明久、小柳 光正、七田 芳則 (京大・院理・生物物理、CREST・JST)

1P238 分子動力学計算によるロドプシンの基底状態および光反応中間体の動的構造

宮川 裕樹¹、篠田 渉²、岡田 哲二³、肥後 順一⁴、櫻井 実¹ (¹東工大・バイオ基盤センター、²産総研・計算科学、³産総研・生物情報、⁴東薬大・生命科学)

1P239 変異蛋白質を用いた多様なロドプシン類の活性化状態の pH 依存性の比較解析

寺北 明久、塚本 寿夫、七田 芳則 (京大・院理・生物物理、CREST/JST)

1P240 代謝型グルタミン酸受容体の G 蛋白質活性化領域における新規構成的活性化変異の同定

山下 高廣、寺北 明久、甲斐 敏裕、七田 芳則 (京大・院理・生物物理、CREST・JST)

1P241 脊椎動物の視覚サイクルシステムの起源 2

岩本 英男、堀江 健生、奥濃 清貴、日下部 岳広、津田 基之 (兵庫県立大・院生命理学・生命科学)

1P242 桿体・錐体それぞれで特異的に発現する遺伝子の解析の試み

松川 淑恵¹、阿萬 喜伸²、橋本 修志^{1,2}、河村 悟^{1,2} (¹阪大院・生命機能、²阪大院・理)

1P243 ニワトリメラノプシンのクローニングと性状解析

鳥居 雅樹、岡野 俊行、仲村 厚志、深田 吉孝 (東大・院理・生物化学)

1P244 タコロドプシンの反応ダイナミクスの研究

井上 圭一¹、松本 久美²、津田 基之²、寺島 正秀¹ (¹京大院・理学系・化学、²兵庫県立大院・生物系・生命科学)

1P245 活性型 GPCR の単離とキャラクタリゼーション：タコ酸性型メタロドプシン

松本 久実、芦田 明美、津田 基之 (兵庫県立大・院生命理学・生命科学)

1P246 低温赤外分光法によるイカロドプシンの構造解析

太田 徹¹、古谷 祐詞^{1,2,3}、寺北 明久^{2,3}、七田 芳則^{2,3}、神取 秀樹^{1,3} (¹名工大院工、²京大院理、³CREST/JST)

1P247 レチノクロムの光反応に伴うタンパク質の構造変化

古谷 祐詞^{1,2,3}、寺北 明久^{2,3}、七田 芳則^{2,3}、神取 秀樹^{1,3} (¹名工大院工、²京大院理、³CREST/JST)

1P248 バクテリオロドプシンの一方向へのプロトン移動はシッフ塩基と水分子との相互作用の変化によっている

前田 章夫^{1,2}、Gennis Robert¹、Balashov Sergei²、Ebrey Thomas² (¹イリノイ大 生化学、²ワシントン大、生物)

1P249 バクテリオロドプシン変異体を用いた「水和スイッチモデル」の検討

水出 紀子、柴田 幹大、神取 秀樹 (名工大院工)

1P250 固体高分解能 NMR による ¹³C Val 標識バクテリオロドプシンの信号帰属と局所運動解析

大嶺 将人¹、川村 出¹、山口 悟²、西村 勝之¹、辻 暁²、斉藤 肇³、内藤 晶¹ (¹横浜国大・院工、²兵庫県立大・院理、³広大・量子生命)

1P251 バクテリオロドプシンの酸性およびアルカリ領域での X 線結晶構造解析

奥村 英夫、村上 緑、神山 勉 (名大院・理・物理)

1P252 時間分解蛍光法による高度好塩菌の光プロトンポンプ作用の観測

梅沢 隆志、大谷 弘之 (東工大院・生命理工)

1P253 ハロロドプシン基底状態が示す光非依存性構造中間体の特性

久保 恵美¹、佐藤 麻希¹、加茂 直樹²、相沢 智康¹、出村 誠¹、新田 勝利¹ (¹北大院・理、²北大院・薬)

1P254 赤外分光法によるファラオニスハロロドプシンの塩素イオンポンプ機構

柴田 幹大¹、宗田 法和¹、佐々木 貴規²、下野 和実³、出村 誠²、加茂 直樹³、神取 秀樹¹ (¹ 名工大院工、² 北大院理、³ 北大院薬)

1P255 ファラオニスハロロドプシンにおける陰イオン依存的な内部結合水とシッフ塩基振動モードの解析

宗田 法和¹、柴田 幹大¹、佐々木 貴規²、下野 和実³、出村 誠²、加茂 直樹³、神取 秀樹¹ (¹ 名工大院工、² 北大院理、³ 北大院薬)

1P256 低温赤外分光法を用いた Anabaena sensory rhodopsin の構造変化の追跡

川鍋 陽¹、古谷 祐詞^{1,2,4}、Kwang-Hwan Jung³、神取 秀樹^{1,4} (¹ 名工大工、² 京大院理、³ Sogang University, Korea、⁴ CREST/JST)

1P257 アミノ酸置換や伝達蛋白質の結合がファラオニスフォボロドプシンのプロトン放出基の pKa に及ぼす影響

岩本 真幸^{1,2,3}、長谷川 千紗¹、須藤 雄気¹、下野 和実¹、荒磯 恒久²、加茂 直樹¹ (¹ 北大院・薬・生物物理、² 北大・先端研、³ 福井大・医・分子生理)

1P258 活性型フォボロドプシン中間体と情報伝達蛋白質との相互作用

須藤 雄気¹、西堀 達哉¹、岩本 真幸²、下野 和実¹、加茂 直樹¹ (¹ 北大・院・薬、² 福井大・医)

1P259 古細菌型ロドプシンの受容波長を規定するアミノ酸残基同定の試み

下野 和実¹、須藤 雄気¹、岩本 真幸²、加茂 直樹¹ (¹ 北大院・薬・生物物理、² 福井大・医)

1P260 トランスジューサタンパクとフォボロドプシンとの結合部位の検討：本来結合しないハロロドプシンも変異により結合出来る

山火 正毅¹、長谷川 千紗¹、須藤 雄気¹、岩本 真幸²、下野 和実¹、加茂 直樹¹ (¹ 北大院・薬・生物物理、² 福井大・医)

1P261 赤外分光法によるフォボロドプシンと情報伝達蛋白質との相互作用解析

鎌田 健太郎¹、古谷 祐詞^{1,2,3}、須藤 雄気⁴、下野 和実⁴、加茂 直樹⁴、神取 秀樹^{1,3} (¹ 名工大院工、² 京大院理、³ CREST/JST、⁴ 北大院薬)

1P262 固体 NMR によるファラオニスフォボロドプシン-トランスデューサーの細胞質側相互作用の解析

川村 出¹、吉田 秀謙²、池田 陽一²、須藤 雄気²、岩本 真幸²、下野 和実²、斉藤 肇³、加茂 直樹²、内藤 晶¹ (¹ 横浜国大・院工、² 北大・院薬・生物物理、³ 広大・量子生命)

1P263 Trp171 を改変したファラオニスフォボロドプシンの低温での光反応

岩佐 達郎¹、阿部 栄祐¹、吉田 秀謙²、下野 和実²、加茂 直樹² (¹ 室蘭工大・材物、² 北大院・薬・生物物理)

1P264 レチナルタンパク質の吸収波長制御に関する量子化学的研究

櫻井 実¹、斉藤 紫野¹、宮川 裕樹¹、岡田 哲二² (¹ 東工大・バイオ基盤センター、² 産総研・生物情報)

1P265 SAC-CI 法によるレチナルタンパク質オプシン依存性の理論的研究

藤本 和宏¹、長谷川 淳也¹、林 重彦²、中辻 博^{1,2} (¹ 京大院・工、² 京大・福井センター)

1P266 低温赤外分光法による *Neurospora* Rhodopsin の光反応機構解析

住井 昌代¹、古谷 祐詞^{1,2,3}、Arandi G. Bezerra Jr.⁴、Stephen Waschuk⁴、Leonid S. Brown⁴、神取 秀樹^{1,3} (¹ 名工大院工、² 京大院理、³ CREST/JST、⁴ グエルフ大・カナダ)

1P267 Resonance Raman Investigation of (6-4)Photolyase : FAD Cofactor Is in a Strong Hydrogen-bonding Environment

Li Jiang^{1,2}、内田 毅^{1,2}、藤堂 剛³、北川 禎三^{1,2} (¹ 総研大・先端科学、² 岡崎統合バイオ、³ 京大・放射線生物)

1P268 低温ではなぜ光反応しないフォトリピン分子が存在するのか？

佐藤 義彰¹、岩田 達也¹、野崎 大¹、徳富 哲²、神取 秀樹¹ (¹ 名工大院工、² 大阪府大先端研)

1P269 フォトリピンのフラビン発色団に対する同位体標識の試み

野崎 大¹、岩田 達也¹、佐藤 義彰¹、佐藤 恭介²、二科 安三²、志賀 潔²、徳富 哲³、神取 秀樹¹ (¹ 名工大院工、² 熊本大院医薬、³ 大阪府大先端研)

1P270 Phy3-2 ドメインの光誘起構造変化に対する Gln1029 と Asn1008 の役割：低温赤外分光法を用いた Q1029L 及び N1008V 変異体の振動解析

野崎 大¹、岩田 達也¹、石川 智子²、藤堂 剛²、徳富 哲³、神取 秀樹¹ (¹ 名工大院工、² 京大放生研、³ 大阪府大先端研)

1P271 ホウライシダフィトクロム 3 における 2 つの LOV ドメインの光反応の相違

岩田 達也¹、野崎 大¹、徳富 哲²、神取 秀樹¹ (¹ 名工大院工、² 大阪府大先端研)

1P272 青色光センサー Phototropin LOV2 付近の光反応構造変化

永徳 丈¹、中曽根 祐介¹、松岡 大介²、徳富 哲²、寺嶋 正秀¹ (¹ 京大院理化学、² 大府大先端研)

1P273 シロイヌナズナ FKF1-LOV ドメインの低温における光反応：FTIR と UV-vis 吸収による測定

直原 一徳^{1,3}、岩田 達也²、松岡 大介¹、藤堂 剛³、神取 秀樹²、徳富 哲¹ (¹ 大阪府大・先端研、² 名工大院・工学系、³ 京大院・医学系)

1P274 フィトクロムの光変換反応にともなう分子構造変化：X線小角散乱による解析

中迫 雅由¹、岩田 達也^{2,3}、井上 勝晶⁴、徳富 哲² (¹ 慶應大・物理、² 大阪府大・先端研、³ 名工大・工、⁴ JASRI/SPring8)

1P275 シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803 の青色光受容体 Slr1694 の光反応サイクル

小野 高明、長谷川 浩司、増田 真二 (理研・PDC・光生物 (1))

1P276 フラビン結合光センサー・BLUF ドメインタンパク質 Tll0078 の光反応中間体 10 K での同定

福島 佳優¹、岡島 公司²、柴田 穰¹、池内 昌彦²、伊藤 繁¹ (¹ 名大院・理、² 東大院・総合文化)

1P277 青色光受容体 AppA の光依存的構造変化：再構成と特異的同位体ラベルによる研究

増田 真二、長谷川 浩司、小野 高明 (理研 PDC・光生物 1)

1P278 フラビンの基準振動解析とラマン分光法による青色光受容タンパク AppA の光反応機構の解明

佐野 亮太¹、海野 雅司¹、増田 真二²、小野 高明²、山内 清語¹ (¹ 東北大・多元研、² 理研 PDC・光生物)

1P279 青色光受容タンパク質 AppA の PpsR との相互作用に関わる分光学的特性

守田 真、福角 勇人、山崎 洋一、上久保 裕生、今元 泰、片岡 幹雄 (奈良先端大・物質)

1P280 M 中間体の形成に伴う Photoactive Yellow Protein のタンパク部分の構造変化：紫外共鳴ラマン分光法による解析

海野 雅司¹、El-Mashotoly Samir¹、熊内 雅人²、濱田 格雄³、徳永 史生²、山内 清語¹ (¹ 東北大・多元研、² 阪大・院理、³ CREST・JST)

1P281 イエロープロテインにおける $\beta 5$ - $\beta 6$ ループの役割

笹山 裕晃、針貝 美樹、上久保 裕生、山崎 洋一、今元 泰、片岡 幹雄 (奈良先端大・物質)

1P282 Photoactive yellow protein における Met100 ループの役割

針貝 美樹、今元 泰、山崎 洋一、上久保 裕生、片岡 幹雄 (奈良先端大・物質)

1P283 マイクロ秒～ミリ秒領域でのイエロープロテインの光反応サイクル

今元 泰、片岡 幹雄 (奈良先端大・物質)

1P284 Ppr(PYP-Phytochrome Related Protein) における PYP ドメインの役割

林 道弘、上久保 裕生、白井 久美子、山崎 洋一、今元 泰、片岡 幹雄 (奈良先端大・物質)

1P285 Photoactive Yellow Protein の Cys 残基を含む発色団モデル化合物の合成と解析

岡本 健太郎、山本 仁、角 俊明、岡村 高明、上山 憲一 (阪大院・理・高分子)

1P286 PYP の光サイクルにおけるダイナミクスの理論的研究

神谷 基司、斉藤 真司、大峯 巖 (名大院理)

1P287 Photoactive Yellow Protein の時間分解蛍光スペクトルの解析

小池 香奈、川口 一朋、木村 明洋、倭 剛久 (名大院・理・物理)

1P288 タンパク質励起状態計算の新手法

川口 一朋、倭 剛久 (名大院・理・物理)

1P289 Photoactive Yellow Protein における動的構造転移：構造変化の loose coupling メカニズム

伊藤 一仁、笹井 理生 (名大院・情報科学・複雑系科学)

1P290 紅色光合成細菌 *Rhodobacter capsulatus* 由来 PYP の相互作用分子の探索

山崎 洋一、上久保 裕生、今元 泰、片岡 幹雄 (奈良先端大・物質)

1P291 紅色非硫黄細菌の光走性と光受容蛋白についての研究

馬渡 亮¹、佐伯 和彦²、久富 修¹、徳永 史生^{1,3} (¹ 阪大院・理・宇宙地球、² 阪大・理・生物、³ (JST) CREST)

放射線生物 / 活性酸素

1P292 ヒト乳癌細胞株におけるエンドサイトーシスへの放射線影響の解析

中島 徹夫 (放医研 放安センター 放射線障害 G)

1P293 コロニーパターン形成におけるバクテリアの協調的運動のシミュレーション

上野 喜宏、森川 良太、林 昌樹 (東葉大・生命科)

1P294 アメーバ細胞の運動戦略

西村 信一郎、笹井 理生 (名大院情報)

1P295 細胞塊が袋をつくる - 多細胞動物の形づくりの基盤

本多 久夫¹、長井 達三²、種村 正美³ (¹兵庫大、²九州共立大、³統計数理研)

1P296 柔らかい機械 (歯車) による伝達、変換、記憶

粟津 暁紀 (東大・理)

1P297 タンパク質間相互作用ネットワークの進化における疎密構造と自己結合するタンパク質の持つ相互作用数の頻度分布との関係

長谷 武志¹、荻島 創一¹、鈴木 泰博^{1,2}、中川 草²、田中 博^{1,2} (¹東京医科歯科大院・生命情報、²東京医科歯科大院・システム情報生物学)

1P298 連続入力値に対して確率的に反応するプリアンネットワーク

中村 卓史 (日大生産工)

1P299 多細胞生物における再帰条件の選択

吉田 寛¹、古澤 力²、金子 邦彦¹ (¹東大・総合文化・関連基礎、²阪大・バイオ情報工学)

1P301 K チャネルに Ca 依存性を導入した修正大沢模型における膜電流ゆらぎ

橋本 昇 (北海道医療大・歯学部・人間基礎科学)

1P302 ピルビン酸脱水素酵素複合体の活性制御機構のモデル化

齊藤 隆太¹、皿井 伸明²、松岡 達² (¹三菱ウエルファーマ株式会社、²京大院・医学研究科)

非平衡・生体リズム

1P303 時計タンパク質 KaiA-KaiC 相互作用の化学量論

林 史夫¹、伊藤 裕基²、藤田 真康¹、岩瀬 亮¹、宇津巻 竜也¹、石浦 正寛¹ (¹名大・遺伝子・植物ゲノム、²日立ハイテク)

1P304 線虫に見る動物の新しい概日時計機構

長谷川 建治¹、三枝 徹²、田中 千貴² (¹北里大学・医、²北里大学院・医療系)

1P305 線虫 *C.elegans* の代謝エネルギーと生物学的時間

須田 斎 (東海大・開発工・生物工)

1P306 クラミドモナスに共存する二つの細胞周期制御機構の相互関係

松村 和典¹、八木 俊樹²、安田 賢二¹ (¹東大院・総合文化、²東大院・理)

1P307 周期閃光刺激時の α 波の位相関係の動特性について

西藤 聖二、大門 弘典、田中 正吾 (山口大・工・電気電子)

1P308 培養心筋細胞を用いた細胞ネットワークの機能解析

小島 健介、金子 智行、安田 賢二 (東大院・総合文化)

1P309 細胞間相互作用の細胞動態への影響

大沼 清¹、古江 美保²、浅島 誠¹、金子 邦彦¹ (¹東大院・総文、²神奈川歯大・生化)

1P310 反応拡散系におけるシグナル伝達系のゆらぎ応答

渡士 誠教¹、金子 邦彦² (¹東大院、総合文化、広域科学、²東大、教養、基礎科第一)

1P311 反応拡散場上での時間差演算：距離検出器

一野 天利^{1,2} (¹京大・VBL、²京大院・理・物理)

1P312 均一環境における遺伝子発現の揺らぎの解析

山田 忠司、定光 信、永久 圭介、古澤 力、清水 浩 (阪大院・情報科学)

1P313 粘菌の誘引・忌避同時刺激に対する判断

高木 清二、上田 哲男 (北大・電子研)

1P314 真正粘菌変形体におけるコヒーレンスの急激な回復過程を示唆する原形質流動パターンの解析

津田 宗一郎¹、郡司 ペギオー幸夫^{1,2} (¹神戸大院・自然科学、²神戸大・理)

1P315 タンパク質相互作用ネットワークの動的形成-遅い緩和と多状態性を踏まえて-

高木 拓明 (阪大院・生命機能・ソフトバイオシステム)

1P316 タンパク質結晶成長における温度変化と不純物により生じる結晶内部の歪み

国田 美穂子、櫻沢 繁 (はこだて未来大学大学院・システム情報科学)

1P317 磁気アルキメデス浮上を利用した高品質タンパク質結晶成長

牧 祥、安宅 光雄 (産総研関西センター)

1P318 超耐熱性をもつ新規酵素ホスホセリン・スルフヒドリラーゼの結晶成長

安宅 光雄、三野 光識、石川 一彦 (産総研)

1P319 ニガウリトリプシンインヒビター (BGTI) の結晶化機構 II :分子内揺動運動の関与

高橋 大輔¹、西本 悦子¹、新貝 敦²、山下 昭二¹ (¹九大院・農・植物資源、²NECソフト)

2日目 (12/14)

蛋白質 A) 構造

2P001 超好熱菌トリプトファン合成酵素 $\alpha_2\beta_2$ 複合体の結晶構造

李 守宰¹、小笠原 京子¹、馬 吉春¹、西尾 和也¹、石田 真巳²、山縣 ゆり子³、月原 富武¹、油谷 克英⁴ (¹阪大蛋白研、²東京海洋大、³熊本大院薬、⁴理研播磨研)

2P002 Structural basis for the recognition of a nuclear export cargo (Kap60p) by an exportin (Cse1p) and RanGTP

松浦 能行、Stewart Murray (MRC-LMB)

2P003 結晶構造に基づいたヒト由来サイトグロビンのリガンド結合機構

牧野 正知^{1,2}、杉本 宏¹、澤井 仁美^{1,2}、河田 則文³、吉里 勝利⁴、城 宜嗣¹ (¹理研播磨、²兵庫県立大院理、³大阪市大院医、⁴広大院理)

2P004 ヘモフィルス・インフルエンザ菌由来、鉄化合物結合タンパク質 HI1472 の X 線結晶構造解析

岸田 寛行¹、西野 綾²、雲財 悟¹、David Roper³、Jeremy Tame¹、朴 三用¹ (¹横市院・総合理・生体超分子システム、²理研・GSC・タンパク質構造・機能研究グループ、³University of Warwick・Department of Biological Science)

2P005 *Bacteroides fragilis* 由来ヘム結合蛋白質 P46 の X 線結晶構造解析

泉 厚志¹、Ben Otto²、Jonathan Heddle¹、朴 三用¹、Jeremy Tame¹ (¹横市院・総合理・生体超分子システム、²Vrije Universiteit・Department of Molecular Microbiology)

2P006 ヒトヘモグロビンの中性子回折による構造研究

森本 幸生¹、朴 三用²、柴山 修哉³、栗原 和男⁴、田中 伊知朗⁵、玉田 太郎⁴、黒木 良太⁴、新村 信雄⁵ (¹京大原子炉、²横浜市大院総、³自治医大、⁴原研中性子、⁵茨城大工)

2P007 [NiFe] ヒドロゲナーゼ成熟化に関する Hyp タンパク質群の結晶学的研究

渡部 聡¹、松見 理恵²、喜田 昭子¹、跡見 晴幸²、今中 忠行²、三木 邦夫^{1,3} (¹京大・院理・化学、²京大・院工・合成/生物化学、³理研・播磨)

2P008 酸化型 [NiFe] ヒドロゲナーゼの Ni 原子に見られる様々な電子状態の X 線構造化学的研究

中原 明香¹、緒方 英明²、小森 博文³、柴田 直樹³、菊池 晶裕⁴、加藤 立久⁵、山内 脩⁶、廣田 俊⁷、樋口 芳樹³ (¹姫路工大・院理、²ドイツ・マックスプランク研、³兵庫県立大・院生命、⁴理研播磨、⁵城西大・院理、⁶関大・工、⁷京都薬大・薬)

2P009 乳酸酸化酵素変異体の X 線結晶構造解析 活性部位の FMN に及ぼす影響

梅名 泰史¹、頼田 和子²、松岡 毅³、阿部 真琴¹、喜田 昭子¹、福井 清²、森本 幸生¹ (¹京大原子炉、²徳島大酵素研、³旭化成ファーマ)

2P010 *P. horikoshii* 由来 L-プロリン脱水素酵素の X 線結晶構造解析

津下 英明¹、川上 竜巳²、櫻庭 春彦²、吾郷 日出夫³、宮野 雅司³、安藝 謙嗣¹、勝沼 信彦^{1,2}、大島 敏久² (¹徳島文理大学・健康科学研究所、²徳島大学・工学部、³理研播磨・構造生物物理)

2P011 高度好熱菌由来 4-oxalocrotonate tautomerase の結晶構造

木田 宗志¹、喜田 昭子¹、三木 邦夫^{1,2} (¹京大・院理・化学、²理研・播磨)

2P012 高度好熱菌由来 amino acid transporter の ATP 結合ドメインの結晶構造

秋山 信彦¹、喜田 昭子¹、三木 邦夫^{1,2} (¹京大・院理・化学、²理研・播磨)

- 2P013 *H. pylori* から分泌される新規分泌 TNF- 誘導タンパク質 (Tip) の X 線結晶構造解析
鶴村 俊治¹、菅沼 雅美²、勝沼 信彦¹、津下 英明¹ (¹ 徳島文理大学・健康科学研究所、² 埼玉県立がんセンター)
- 2P014 好熱菌由来クエン酸合成酵素の熱安定化構造
村上 緑¹、井原 邦夫²、神山 勉¹ (¹ 名大院・理・物理、² 名大・遺伝子実験施設)
- 2P015 水溶液環境下でのディスタンスジオメトリ法によるタンパク質の構造決定
山根 努、池口 満徳、木寺 詔紀、岡村 英保、西村 善文 (横浜市大)
- 2P016 カイコ由来カビプロテアーゼインヒビターの NMR による構造解析
金折 賢二、中石 真名美、谷口 麻衣、亀井 加恵子 (京工繊大・繊維・応用生物)
- 2P017 NMR によるゲルソリンとアミロイド ペプチドの相互作用解析
深澤 創¹、水口 峰之¹、鍋島 裕子¹、中村 敬¹、松浦 篤志¹、菅谷 忠政¹、河野 敬一² (¹ 富山医薬大・薬、² 北大院・理)
- 2P018 NMR 法によるポリグルタミン結合タンパク質-1 の構造解析
高橋 真樹¹、水口 峰之¹、中村 敬¹、岡澤 均^{2,3}、河野 敬一⁴ (¹ 富山医薬大・薬学部、² 東京都神経研・神経機能分子治療、³ 東京医歯大・神経病理・難治疾患研、⁴ 北大院・生物科学)
- 2P019 固体高分解能 NMR による G 蛋白質 G_{i1} の構造解析
大道 弘明¹、戸所 泰人¹、若松 馨²、藤原 敏道¹、阿久津 秀雄¹ (¹ 阪大蛋白研、² 群馬大院工)
- 2P020 固体高分解能 NMR による H⁺ - ATP 合成酵素サブユニット c の二次構造解析
小林 将俊^{1,2}、松木 陽¹、藤原 敏道¹、阿久津 秀雄^{1,2} (¹ 阪大・蛋白研、² JST CREST)
- 2P021 低温高圧下におけるニワトリリゾチームの構造安定性
前野 寛大¹、竹内 亮¹、藤澤 雅夫¹、鎌足 雄司²、赤坂 一之¹ (¹ 近大院・生物理工・生物工、² 理研)
- 2P022 顕微赤外直線偏光二色性測定を用いた 2 - ミクログロブリンアミロイド線維構造の研究
平松 弘嗣¹、後藤 祐児²、内木 宏延³、北川 禎三^{1,4} (¹ 岡崎統合バイオ、² 阪大蛋白研、³ 福井大医、⁴ 総研大)
- 2P023 The structure of the interaction part of the amyloid fibril of beta 2 microglobulin elucidated by IR microscope
呂 明¹、平松 弘嗣²、後藤 祐児³、内木 宏延⁴、北川 禎三^{1,2} (¹ 総研大、² 岡崎統合バイオ、³ 阪大蛋白研、⁴ 福井大医)
- 2P024 サルモネラ菌べん毛繊維のラマンおよびラマン光学活性スペクトル
内山 具典¹、園山 正史²、濱田 嘉昭³、大澤 研二¹ (¹ 群大・院工・ナノ材料、² 名大・院工・応用物理、³ 放送大)
- 2P025 Cell-free expression of prion protein and the structural study using high pressure fluorescence spectroscopy
Gaikwad Jyoti U.、佐々木 健、駒林 広和、森本 康一、赤坂 一之 (近大院・生物理工・生物工)
- 2P026 チオフラビン T を用いたコラーゲン線維形成における シート構造の解析
森本 康一、川端 和也、國井 沙織、赤坂 一之 (近畿大・生物理工・生物工)
- 2P027 炭酸脱水酵素の「かたさ」の分子動力学シミュレーションによる研究
太田 里子¹、Rehana Afrin¹、Mohammad Taufiq Alam²、猪飼 篤¹ (¹ 東工大・院・生命理工、² RAJSHAHI 大学)
- 2P028 原子間力顕微鏡で観測した SS 結合欠損リゾチームのアミロイドプロトフィブリルの構造特性
河野 良平¹、竹内 亮¹、藤澤 雅夫¹、橘 秀樹²、赤坂 一之¹ (¹ 近大院・生物理工・生物工、² 神戸大)
- 2P029 単粒子解析の手法の二次元結晶解析への応用
塩川 耕平¹、田原 義和²、林 雄太郎²、谷 一寿¹、藤吉 好則¹ (¹ 京大院・理学系・生物物理、² 杏林大・医学部・第一生化学)
- 2P030 超並列クラスタ計算機を用いた単粒子解析による膜蛋白質立体構造解析システム
川田 正晃¹、佐藤 主税² (¹ 産総研・グリッド、² 産総研・脳神経)
- 2P031 タンパク質セグメント構造空間の探索
池田 和由^{1,2,3}、富井 健太郎³、肥後 順一^{1,2} (¹ 東薬大・生命・生物情報、² 産総研・CBRC、³ BIRD・JST)
- 2P032 タンパク質から切り出した 50 残基のセグメントから眺めたフォールド空間
伊東 純一^{1,2}、池田 和由^{1,2,3}、肥後 順一^{1,2}、丸山 慶一郎^{1,2} (¹ 東薬大・生命、² JST, BIRD、³ 産総研・生命情報科学研究センター)
- 2P033 残基間平均距離統計に基づくコンタクトマップ (ADM) による植物ヘモグロビンのフォールディング機構の予測解析
中島 俊介¹、Alvarez-Salgado Emma²、Arredondo-Peter Raul²、菊地 武司³ (¹ 倉敷芸科大・産業科技・生命科学、² Sc. of Sci.・Autonomous Univ. of Morelos、³ 立命・情報理工・生命情報)

- 2P034 残基間平均距離統計に基づくコンタクトマップによる サンドウィッチタンパクのフォールディング単位の解析
石塚 由子¹、菊地 武司² (¹ 倉敷芸科大・産業技科・生命化学、² 立命・情報理工学・生命情報)
- 2P035 残基間相対位置分布は蛋白質構造認識に有効か?
宮澤 三造 (群馬大学工学部)
- 2P036 ドロネー四面体コードを用いたタンパク質構造分類
寺本 やえみ¹、甲藤 二郎¹、輪湖 博² (¹ 早大院・理工、² 早大・社会科学)
- 2P037 Langevin 力学と構造 - 配列アラインメントの併用による構造予測の試み
C E T I N H I K M E T、笹井 理生 (名大院・情報科学・複雑系科学)
- 2P038 タンパク質の立体構造予測システム IDDD/ABLE の開発
中村 周吾、石田 貴士、小林 達貴、寺田 透、清水 謙多郎 (東大・院農・応生工)
- 2P039 Wang-Landau MD を用いたタンパク質の構造空間探索
長島 剛宏¹、三井 崇志²、金城 玲¹、西川 建¹ (¹ 遺伝研、² 富士通)
- 2P040 アミノ酸配列からのタンパク質 Disordered 領域予測手法の開発
石田 貴士、寺田 透、中村 周吾、清水 謙多郎 (東大院・農・応生工)
- 2P041 フラグメント組合せ法を拡張した膜タンパク質の立体構造予測
三木 崇史、藤墳 佳見、高田 彰二 (神戸大自然科)
- 2P042 フラグメントアセンブリ法によるタンパク質立体構造予測のための戦略的フラグメント探索
朴 聖俊^{1,2}、千見寺 浄慈²、藤墳 佳見²、高田 彰二² (¹ 東工大院総合理工、² 神戸大理学部)
- 2P043 マルチカノニカル分子動力学法による蛋白質予測構造の精密化
石谷 隆一郎、寺田 透、中村 周吾、清水 謙多郎 (東大・院農・応生工)
- 2P044 数値的解法を用いた表面積・体積・溶媒和自由エネルギーの高速計算
升屋 正人 (鹿児島大・学術情報基盤センター)
- 2P045 球状蛋白分子の構造量におけるカオス的性質の検出
窪田 綏¹、土屋 尚² (¹ Advanced Technology Institute、² 明星大・情報・電子情報)
- 2P046 WW ドメインのフォールディング・シミュレーション
佐藤 大介、寺田 透、中村 周吾、清水 謙多郎 (東大・院農・応生工)
- 2P047 アミノ酸置換に伴うタンパク質の動的構造の変化 - ヒトリゾチーム変異体における基準振動解析 -
猿渡 茂¹、多田 美希子¹、輪湖 博² (¹ 北里大学・理・物理、² 早稲田大学・社会科学)
- 2P048 尿素水溶液中における疎水効果増加の分子機構
石塚 隆記¹、清水 青史²、寺田 透¹、中村 周吾¹、清水 謙多郎¹ (¹ 東大・院農・応生工、² The University of York)
- 2P049 プリオンタンパク質の疾病関連遺伝子置換 P102L のダイナミクスに与える影響について
関嶋 政和¹、本野 千恵¹、野口 保¹、金子 清俊²、秋山 泰¹ (¹ 産総研・生命情報、² 国立精神神経センター・神経研)
- 2P050 マルチカノニカル分子動力学シミュレーションによる Photoactive Yellow Protein の L から M 中間体への変換経路に関する解析
新井 昭平¹、高 己¹、神谷 成敏²、肥後 順一³、櫻井 実¹ (¹ 東工大・バイオ基盤センター、² 生物分子工学研究所、³ 東薬大・生命・生物情報)
- 2P051 マルチカノニカル分子動力学法によるリガンド結合に伴うタンパク質の構造変化メカニズムの解析
寺田 透、中村 周吾、清水 謙多郎 (東大・院農・応生工)
- 2P052 セミフレキシブルドッキングツールの開発と PPAR γ -コアクチベータペプチド間のドッキングへの応用
神谷 成敏、白木 琢磨、児玉 高志、陣上 久人 (生物分子工学研究所)
- 2P053 球面調和関数に基づく基底関数による級数展開を用いた高速ドッキング予測法
角越 和也¹、寺田 透²、中村 周吾²、清水 謙多郎^{1,2} (¹ 東大院・情報理工学系・コンピュータ科学、² 東大院・農・応用生命工学)
- 2P054 Docking Simulation による圧拮抗仮説の検証 : 麻酔薬はタンパク質に結合し、加圧によりはずれる。
磯貝 秀人、瀬戸 倫義、野坂 修一 (滋賀医大・麻酔)

2P055 分子動力学シミュレーションによるヒト血清アルブミン-薬物結合部位の構造解析

藤原 伸一、網崎 孝志 (鳥取大・医)

2P056 Beta2-microglobulin の部分ペプチドのシミュレーション—アミロイド形成の機構解明へ向けて—

西野 正理¹、杉田 有治²、依田 隆夫³、岡本 祐幸^{4,5} (¹ 物材機構・計算センター・ICYS(併任)、² 東大・分生研、³ 長浜バイオ大・生命情報科学、⁴ 分子研・理論、⁵ 総研大・物理科学)

2P057 レプリカ交換法を用いた X 線 1 分子計測法によるたんぱく質の構造解析のシミュレーション

川島 雪生^{1,2}、岡本 祐幸^{1,2,3} (¹ 分子研、² JST CREST、³ 総研大)

2P058 古細菌特有アミノ基転移酵素 GatDE の X 線結晶構造解析

押鐘 浩之¹、深井 周也¹、中間 崇¹、Feng Liang²、Soll Dieter²、濡木 理¹ (¹ 東工大院・生命理工、² Dep. Molecular Biophysics and Biochemistry, Yale Univ.)

2P059 tRNA のチオ化修飾に関与する TusBCD 複合体の結晶構造解析

沼田 倫征¹、深井 周也¹、池内 与志穂²、鈴木 勉²、濡木 理¹ (¹ 東工大院・生命理工、² 東大院・工)

2P060 *A. aeolicus* tRNA^{Ile2} リジシン合成酵素の結晶構造とその反応触媒機構

中西 孝太郎¹、深井 周也¹、池内 与志穂²、相馬 亜希子³、鈴木 勉²、濡木 理¹ (¹ 東工大院・生命理工、² 東大院・工、³ 立教大・理)

ヘム蛋白質

2P061 マウスの目に発現する SOUL タンパク質へのヘム結合性とその配位構造

佐上 郁子¹、佐藤 恵美子²、内田 毅³、佐藤 亮³、北川 禎三³、五十嵐 城太郎²、清水 透² (¹ 京都府大院・農、² 東北大・多元研、³ 岡崎統合バイオ)

2P062 鉄濃度センサー蛋白質 Irr におけるヘムの親和性とその機能発現機構

中垣 恵実¹、馬場 藍¹、石川 春人²、岩井 一宏²、Mark O'Brian³、森島 績¹、石森 浩一郎¹ (¹ 京大院工、² 大阪市大医、³ ニューヨーク州立大学)

2P063 鉄濃度制御蛋白質 IRP2 におけるヘムの結合とその配位環境

遠藤 良輔¹、石川 春人²、岩井 一宏²、森島 績¹、石森 浩一郎¹ (¹ 京大院・工、² 大阪市大・医)

2P064 ヘム PAS センサーの酸化還元にもなう構造変化

小林 一雄¹、田川 精一¹、横田 奈緒²、黒河 博文²、清水 透² (¹ 阪大・産研、² 東北大・多元研)

2P065 共鳴ラマン分光法を用いた CO センサー蛋白質 (NPAS2) の CO 依存的な転写制御機構に関する研究

内田 毅¹、佐藤 恵美子²、鴻渡 亮治²、向山 裕次²、黒河 博文²、佐上 郁子^{2,3}、清水 透²、北川 禎三¹ (¹ 岡崎統合バイオ、² 東北大・多元研、³ 京都府大院・農)

2P066 X線溶液散乱法で見た CooA の転写調節メカニズム

秋山 修志¹、藤澤 哲郎¹、石森 浩一郎²、森島 績²、青野 重利³ (¹ 理研・播磨研究所、² 京大院・工、³ 自然科学研究機構・統合バイオ)

2P067 NO 運搬タンパク質 NP4(ニトロフォルリン 4) の外来性配位子結合機構

宇野 公之、森山 友美子、浜辺 由紀、富杉 佳計、石川 吉伸 (熊本大院・薬)

2P068 ヒト脳由来ニューログロビンの外来性配位子の結合性

宇野 公之、堤 紘子、龍 大輔、清田 浩平、富杉 佳計、石川 吉伸 (熊本大院・薬)

2P069 酸素の脱離に伴うヘモグロビンの構造ダイナミクス

村川 由佳¹、長井 雅子²、水谷 泰久^{1,3,4} (¹ 神戸大院・自然科学、² 法政大・工、³ 神戸大・分子フォト、⁴ JST・さきがけ)

2P070 ヘモグロビンの協同的酸素結合に対するシリカゾルの効果

清水 寛律、今井 清博 (法政大・工・物質化学)

2P071 計算機シミュレーションによるヘモグロビンの構造と機能の研究

妹尾 康喜 (東海大・総科研)

2P072 M 型異常ヘモグロビン間にみられたヘムの構造の相違：共鳴ラマン分光による研究

神 弥生¹、長井 雅子¹、長井 幸史²、今井 清博¹、長友 重紀³、北川 禎三³ (¹ 法政大・工、² 金沢大・医、³ 岡崎統合バイオ)

2P073 整数スピン系 (S=2) を持つヘムタンパク質の EPR による解析：Mn³⁺ - 置換ミオグロビンの場合

堀谷 正樹、村田 知弥、堀 洋 (阪大院・基礎工・生体工学)

- 2P074 UV Resonance Raman Studies on the Trigger of Structural Changes of Myoglobin upon Ligand Binding
高影¹、Pal Biswajit²、林 高史³、原田 勝好³、中川 知之³、北川 禎三^{1,2} (¹ 総研大、² 岡崎統合バイオ、³ 九大院・工学部)
- 2P075 ビスヒスチジン配位型ミオグロビン変異体の X 線結晶構造解析
宇野 公之、清田 浩平、坂本 力治、富杉 佳計、石川 吉伸、池水 信二 (熊本大院・薬)
- 2P076 ファージディスプレイ法を用いた新規人工ヘム蛋白質の構造安定化
野上 薫、高田 耕児、石森 浩一郎、森島 績 (京大院工)
- 2P077 ペルオキシゲナーゼ反応中間体におけるラジカル部位の設計による反応制御
市村 想生¹、当舎 武彦^{1,3}、杉原 洋輔²、北川 禎三³、石森 浩一郎¹、森島 績¹ (¹ 京大院工、² 京大工、³ 岡崎統合バイオサイエンスセンター)
- 2P078 珊瑚由来アレンオキサイド合成酵素と基質の相互作用：共鳴ラマン分光法による研究
当舎 武彦¹、内田 毅¹、Brash Alan R.²、北川 禎三¹ (¹ 岡崎統合バイオ、² ヴァンデルビルト大学)
- 2P079 プチダレドキシシン・P450cam 複合体における¹H-ENDOR 信号の D₂O 効果
石川 格将、近藤 昌幸、堀 洋 (阪大院・基礎工)
- 2P080 Reaction Mechanism of Nitric Oxide Reductase Cytochrome P450nor from *Fusarium oxysporum*
塚本 弘毅¹、渡邊 寿雄²、長嶋 雲兵²、秋山 泰¹ (¹ 産総研・CBRC、² 産総研・GTRC)
- 2P081 ヒト薬物代謝酵素 CYP2C9 のヘム構造と薬物結合性：一塩基多型が及ぼす影響
宇野 公之、渡辺 亮介、繁富 輝明、富杉 佳計、石川 吉伸 (熊本大院・薬)
- 2P082 IDO(Indoleamine 2,3-Dioxygenase) の基質結合性に対するヘム周辺アミノ酸残基の役割
宇野 公之、松浦 明美、細川 智子、津本 麗奈、富杉 佳計、石川 吉伸 (熊大院・薬)
- 2P083 シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803 由来ヘムオキシゲナーゼ-2 の結晶構造
杉島 正一¹、萩原 義徳¹、Zhang Xuhong²、吉田 匡²、右田 たい子³、福山 恵一¹ (¹ 阪大院・理・生物科学、² 山形大・医・生化学、³ 山口大・農・生物機能科学)
- 2P084 シアノバクテリア ヘムオキシゲナーゼ (Syn HO-1) のヘム配位構造
豊嶋 佳尚¹、張 旭紅²、織田 賢二³、杉島 正一⁴、吉田 匡²、小倉 尚志⁵、福山 恵一⁴、右田 たい子¹ (¹ 山口大・農・生機、² 山形大・医・生化学、³ 東大院・総合文化、⁴ 阪大院・理・生物科学、⁵ 兵庫県立大院・生命理学)
- 2P085 顕微分光で観測した高分子量チトクロム分子の X 線照射による還元反応
佐藤 翠¹、森本 幸生^{2,3}、柴田 直樹^{1,3}、小森 博文¹、高山 裕生⁴、小澤 潔⁴、阿久津 秀雄⁴、樋口 芳樹^{1,3} (¹ 兵庫県大・院・理、² 京大・原子炉、³ 理研・播磨、⁴ 阪大・蛋白研)
- 2P086 シトクロム b₅ の DEPC 処理によって明らかにされたアスコルビン酸依存性シトクロム b₅₆₁ の還元機構
中西 伸行¹、武内 総子¹、堀 洋²、岡本 英嗣¹、田村 厚夫¹、鏑木 基成^{1,3} (¹ 神戸大院・自然科学、² 阪大院・基礎工、³ CREST・JST)
- 2P087 硫酸還元菌シトクロム c₃ と [NiFe] ヒドロゲナーゼとの相互作用の解析
八幡 直樹¹、高山 裕生¹、斉藤 貴士¹、小澤 潔²、中原 明香³、緒方 英明³、樋口 芳樹³、阿久津 秀雄¹ (¹ 阪大・蛋白研、² 横浜国大・工、³ 兵庫県大・生命理)
- 2P088 組み換え体の鉄イオウタンパク質を用いたミトコンドリア・チトクロム bc₁ 複合体の再構成
三木 俊明、貴家 康尋、原田 慶恵 (都臨床研・生理活性物質)
- 2P089 ウシ・ヒト雑種チトクロム酸化酵素の培養細胞での発現と抽出
下方 国稔^{1,4}、村山 晴香¹、片山 幸江^{1,4}、末松 誠¹、吉川 信也²、月原 富武³、島田 秀夫¹ (¹ 慶應大・医・医化学、² 兵庫県大・院理、³ 阪大・蛋白研、⁴ (社) バイオ産業情報化コンソーシアム)
- 2P090 細菌 aa₃ 型チトクロム酸化酵素の発現系構築
行武 良哲¹、下方 国稔^{1,3}、片山 幸江^{1,3}、末松 誠¹、村本 和優²、吉川 信也²、島田 秀夫¹ (¹ 慶應大・医・医化学、² 兵庫県大・院理、³ (社) バイオ産業情報化コンソーシアム)
- 2P091 3-オキサトリデシルマンノシドを用いたチトクロム酸化酵素の結晶化
花田 真¹、福本 雅子¹、山本 尚吾¹、杉村 高志¹、青山 浩²、伊藤・新澤 恭子¹、月原 富武³、吉川 信也¹ (¹ 姫工大院・理、² 理研・播磨、³ 阪大・蛋白研)
- 2P092 酸化型ウシ心筋チトクロム酸化酵素の活性中心の構造
青山 浩¹、村本 和優²、菅 倫寛³、平田 邦夫³、山下 栄樹³、伊藤・新沢 恭子²、吉川 信也²、月原 富武³ (¹ 理研・播磨、² 兵庫県立大・院生命理、³ 阪大・蛋白研)

2P093 還元型チトクロム酸化酵素の NO 結合構造と CO 結合構造の精密化

村本 和優¹、青山 浩²、石田 訓康¹、倉内 毅¹、青波 里実¹、山下 栄樹³、伊藤・新澤 恭子¹、月原 富武³、吉川 信也¹ (¹ 兵庫県立大・院生命理、² 理研・播磨、³ 阪大・蛋白研)

2P094 共鳴ラマン分光法による無傷ミトコンドリア中のチトクロム酸化酵素反応中間体の構造追跡

高橋 俊成^{1,2}、小倉 尚志²、吉川 信也² (¹ 東大・院・総合文化、² 兵庫県立大・院・理)

2P095 *Paracoccus denitrificans* チトクロム *c* 酸化酵素の P 中間体の性質と共鳴ラマンスペクトル

池村 賢一郎¹、小倉 尚志¹、向井 政博²、島田 秀夫²、吉川 信也¹ (¹ 兵庫県立大院・生命理・生体物質、² 慶応大・医・医化学)

2P096 Detection of the primary ferrous nitrosyl heme intermediate in the reduction of NO by cytochrome *ba₃* oxidase

Varotsis Costas¹、太田 雄大²、北川 禎三²、Daskalakis Vangelis¹、Gialou Irene¹、Soulimane Tewfik³、Pinakoulaki Eftychia¹ (¹ Univ. of Crete, Dept. of Chem.、² 自然機構・岡崎統合バイオ、³ Paul Scherrer Institute)

核酸結合蛋白質

2P097 一分子解析法を用いた RuvA-RuvB 蛋白質複合体の Holliday 構造 DNA 分岐点移動反応の直接観察

韓 龍雲¹、谷 知己¹、林 真人¹、菱田 卓²、岩崎 博史³、品川 日出夫^{2,4}、原田 慶恵^{1,4} (¹ 都臨床研・生理活性物質、² 阪大・微研、³ 横浜市大院・総合理学、⁴ CREST・JST)

2P098 相同組換えタンパク質 RecA により引き起こされる拡散運動

木村 祐史¹、杵渕 隆²、加畑 博幸³、胡桃坂 仁志⁴、鷲津 正夫¹ (¹ 東大院・工・機械、² 理研・GSC、³ 京大院・医・HMRO・ANGEL、⁴ 早大・理工・電生)

2P099 大腸菌 rRNA シュドウリジン化酵素 RluD と RluC の結晶構造解析

水谷 健二、町田 佳隆、雲財 悟、朴 三用、Jeremy Tame (横市大院・総合理学)

2P100 FFRP 蛋白質の構造と機能 2. X 線結晶法によるリガンドとの相互作用の解析

小池 英明¹、石島 早苗^{1,2}、佐久間 道代¹、皆広 潔美^{1,2}、鈴木 理¹ (¹ 産総研・脳神経情報・DNA 情報、² 科学技術振興機構)

2P101 FFRP 蛋白質の構造と機能 3. FL11 蛋白質と *fl11* プロモーター DNA との相互作用

横山 勝志^{1,2}、小池 英明²、石島 早苗^{1,2}、クロウニ - レスター²、菊地 智子²、鈴木 理² (¹ 科学技術振興機構、² 産総研・脳神経情報・DNA 情報)

2P102 FFRP 蛋白質の構造と機能 1. 極低温電子顕微法による多様な会合体の 3 次元再構成

石島 早苗^{1,2}、小池 英明²、クロウニ - レスター²、徳吉 美恵子^{1,2}、鈴木 理² (¹ 科学技術振興機構、² 産総研・脳神経情報・DNA 情報)

2P103 転写因子とターゲット予測システムの構築

皿井 明倫¹、Ahmad Shandar¹、河野 秀俊² (¹ 九工大・情報工学、² 原研)

核酸 A) 構造・物性

2P104 環状 DNA の高次構造：AFM 観測の scaling 解析

荒木 須美子、中井 唱 (京大院理)

2P105 単一 DNA 鎖の折り畳み構造：トーラスの形態変化

武仲 能子 (京大院・理・物理)

2P106 DNA 変形における Roll と Twist の相互依存

福留 清博 (鹿児島大・医・保健)

2P107 蛍光相関分光法における DNA 鎖長と一分子蛍光強度の定量性との関係

高木 卓也、田村 守、金城 政孝 (北大・電子研・超分子分光)

2P108 蛍光相関分光法による DNA を用いた微細構造物の解析

紀伊 宏昭、田村 守、金城 政孝 (北大・電子研・超分子分光分野)

2P109 融解温度が一樣な DNA に関する Hybridization 反応の速度論的解析

北島 哲郎、瀧ノ上 正浩、陶山 明 (東大院・総文・生命環境系)

2P110 分子力学による DNA の配列依存的構造特性の解析

藤井 聡¹、竹中 繁織¹、河野 秀俊^{2,3}、郷 信広^{2,3}、皿井 明倫⁴ (¹ 九大院・工、² 原研・中性子利用研究セ、³ 原研・計算科学技術推進セ、⁴ 九工大・情報工学)

2P111 連続した T-T ミスマッチを含む DNA オリゴマーの分光学的解析

織田 修司¹、山口 浩¹、根東 義則¹、小野 晶²、 田中 好幸¹ (¹ 東北大院・薬、² 都立大・理・化)

2P112 アンチセンス oligoDNA の結合を指標とした GFPmRNA の 2 次構造解析

柳原 直紀¹、多田隈 尚史¹、石浜 陽¹、船津 高志^{1,2} (¹ 早大院・生命理工、² 東大・薬)

2P113 AGAGG 反復配列における R - ループ形成のメカニズム

鳥海 和也、塚原 琢磨、小笠原 絵美、 花井 亮 (立教大・理)

核酸 B) 相互作用・複合体

2P114 Predictive annotation of DNA-binding residues and proteins based on sequence and structure information

Ahmad Shandar¹、Gromiha Michael²、皿井 明倫¹ (¹ 九州工業大学、² Computational Biology Research Center, AIST, Tokyo)

2P115 転写調節蛋白質 SYCRP1 が *Synechocystis* ゲノム上に結合する部位の G に基づく予測と実験的検証

尾曲 克己¹、吉村 英尚²、鈴木 崇之^{1,4}、高野 光則³、大森 正之⁴、皿井 明倫⁵、陶山 明¹ (¹ 東大院・生命、² 東邦、³ 早稲田、⁴ 埼大・分生、⁵ 九工大・生物情報)

2P116 アミノ酸側鎖-核酸塩基対間の相互作用自由エネルギーマップ: Arg、Lys および His

吉田 智喜¹、相田 美砂子¹、皿井 明倫² (¹ 広島大・院理・化学、² 九工大・情報工)

2P117 タンパク質 - 核酸複合体形成の熱力学量と立体構造

上平 初穂¹、河野 秀俊²、Prabakaran Ponraj³、北島 浩司⁴、皿井 明倫⁴ (¹ 産総研、² 原研、³ 米国立がん研究所、⁴ 九工大・情報工学)

2P118 Latest Developments in ProNIT: Thermodynamic Database for Protein-Nucleic Acid Interactions

Kumar Shaji¹、Prabakaran Ponraj²、上平 初穂¹、Gromiha Michael³、北島 浩司¹、皿井 明倫¹ (¹ 九工大・情報工学、² 生命情報科学セ、³ 産総研)

2P119 Indirect readout in protein-DNA recognition: evaluation of conformational energy of DNA from molecular dynamics simulations

Arauzo-Bravo Marcos¹、Ahmad Shandar¹、藤井 聡²、竹中 繁織²、河野 秀俊³、郷 信広³、皿井 明倫¹ (¹ 九工大・情報工学、² 九大・工学、³ 原研)

2P120 RuvA 4 量体-Holliday 分岐 DNA 複合体の分岐点移動のアンブレラサンプリングシミュレーション

石田 恒¹、郷 信広^{1,2} (¹ 原研・中性子利用研究センター、² 奈良先端大・情報科学)

2P121 再構成クロマチンの凝縮相転移

中井 唱 (京大院・理)

2P122 DNA の折り畳み転移環状と直鎖状構造との顕著な差異

佐藤 祐子¹、濱田 勉¹、久保 康児¹、岸田 綱郎²、松田 修²、吉川 研一¹ (¹ 京大院・理・物理、² 京府医大・微生物学)

2P123 基板表面での 2 本鎖 DNA の熱変性特性の定量的解析

岡野 和宣、折田 一樹、安田 賢二 (東大・院・総合文化)

2P124 塩基性オリゴペプチドによる DNA の折り畳み

森田 宏美¹、櫛本 紀夫¹、秋田谷 龍男²、村田 静昭³、吉川 研一⁴ (¹ 名市大院・薬、² 名城大・薬、³ 名大院・環境、⁴ 京大院・理)

2P125 インフルエンザ・ヘマグルチニン・タンパク質に特異的に結合する RNA アプタマー

Penmetcha Kumar、西川 諭、 川崎 一則 (産総研・生物機能工学)

細胞生物学的課題 (接着・運動・骨格・伝達・膜)

2P126 *Azospirillum brasilence* のべん毛基部体の解析

齋藤 崇¹、水崎 秀明²、相沢 慎一³ (¹ 長岡技科大、² 名市大院、³ JST,CREST)

2P127 べん毛モーターの回転機構

真下 拓史、山口 滋、相沢 慎一 (JST CREST)

2P128 サルモネラ菌べん毛モーターの固定子を形成する MotA/MotB 複合体の精製

小嶋 誠司¹、南野 徹¹、難波 啓一^{1,2} (¹ JST・ICORP・超分子ナノマシン、² 阪大・院・生命機能)

- 2P129 細菌べん毛特異的蛋白質輸送装置サブユニット FlhA 細胞質ドメインの結晶構造
西條 由見子¹、今田 勝巳^{1,2}、南野 徹¹、難波 啓一^{1,2} (¹JST・ICORP・超分子ナノマシン、² 阪大・院・生命機能)
- 2P130 細菌べん毛 type III 輸送シャペロンと基質タンパク質の複合体形成
今田 勝巳^{1,2}、山根 みどり^{1,2}、古川 進朗²、難波 啓一^{1,2} (¹ 阪大院・生命機能、²JST・ICORP・超分子ナノマシン)
- 2P131 フラジェリンとその特異的シャペロン FliS との相互作用解析-2
古川 進朗¹、Samatey Fadel A¹、松波 秀行¹、難波 啓一^{1,2} (¹JST・ICORP・超分子ナノマシン、² 阪大院・生命機能)
- 2P132 べん毛特異的輸送装置の基質認識切り替えにおけるフック長制御蛋白質 FliK の N 末ドメインの役割
南野 徹¹、守屋 奈緒²、難波 啓一^{1,2} (¹JST・ICORP・超分子ナノマシン、² 阪大院・生命機能)
- 2P133 べん毛フックキャップタンパク質 FlgD の変異解析
松波 秀行¹、難波 啓一^{1,2} (¹JST・ICORP・超分子ナノマシン、² 阪大・院・生命機能)
- 2P134 ショートフックを形成するサルモネラ菌べん毛フック遺伝子 *flgE* 突然変異体の機能解析
守屋 奈緒¹、南野 徹²、難波 啓一^{1,2} (¹ 阪大院・生命機能、²ICORP・超分子ナノ P)
- 2P135 Mechanism of flagellar hook bending flexibility revealed by molecular dynamic simulation of protofilament extension and compression
Samatey Fadel¹、北尾 彰朗³、今田 勝巳^{1,2}、松波 秀行¹、長島 重広¹、難波 啓一^{1,2} (¹JST・ICORP・超分子ナノマシン、² 阪大院・生命機能、³ 東大・分生研)
- 2P136 べん毛フックの長さ調節タンパク質 FliK の細胞質内での役割
平野 貴謙¹、柴田 敏史¹、谷 知己²、大西 浩平³、相沢 慎一¹ (¹JST, CREST、² 東京都臨床研 生理活性、³ 高知大学、遺伝子実験施設)
- 2P137 *Pseudomonas aeruginosa fleN* 変異株を用いたべん毛構築数制御の解析
柴田 敏史、相沢 慎一 (JST, CREST)
- 2P138 *Saprospira grandis* の滑走運動装置
石川 直洋、相沢 慎一 (JST, CREST)
- 2P139 Monoterpene Volatiles の *Salmonella typhimurium* に対する抗菌作用と病原性タンパク質分泌への影響
水崎 秀明^{1,2}、山崎 祐未子³、秋光 和也³、相沢 慎一²、嶋田 勝彦¹ (¹ 名市大院、²JST, CREST、³ 香川大・農)
- 2P140 高分子添加に伴う細菌べん毛の推進効率変化と流体力異方性モデル
西鳥羽 恵美¹、曲山 幸生²、工藤 成史¹ (¹ 桐蔭横浜大・工、² 食総研)
- 2P141 スピロヘータの遊泳速度と菌体らせん回転数の同時測定法の開発
曲山 幸生¹、中村 修一²、足立 吉数² (¹ 食総研、² 茨大・農)
- 2P142 大腸菌走化性レセプターの極およびらせん状の局在メカニズム
吉本 誠之¹、塩見 大輔²、本間 道夫¹、川岸 郁朗¹ (¹ 名大院・理学系、² テキサス大・医)
- 2P143 大腸菌走化性における受容体脱メチル化酵素 CheB の局在を介した負のフィードバック制御
坂野 聡美¹、塩見 大輔²、本間 道夫¹、川岸 郁朗¹ (¹ 名大院・理・生命理学、² テキサス大・医)
- 2P144 大腸菌酸化還元走性センサー Aer の細胞内局在と走化性レセプターとの相互作用
小幡 祐美¹、塩見 大輔²、本間 道夫¹、川岸 郁朗¹ (¹ 名大院・院・理・生命理学、² テキサス大・医)
- 2P145 コレラ菌における 45 種の走化性受容体様タンパク質と 3 種の CheA 様キナーゼの共役関係の解析
百武 晃宏¹、伊東 靖晃¹、西岡 典子¹、塩見 大輔²、本間 道夫¹、川岸 郁朗¹ (¹ 名大院・理・生命、² テキサス大・医)
- 2P146 *Vibrio alginolyticus* のもつ二種類のべん毛モーターは単一の CheY により制御される
小嶋 勝、薬師 寿治、本間 道夫、川岸 郁朗 (名大院・理・生命理学)
- 2P147 大腸菌 1 細胞でのエネルギー代謝の定量的解析の試み
梅原 千慶^{1,2}、安田 賢二¹ (¹ 東大院・総合文化、²Stanford Univ., Genome Technology Center)
- 2P148 酵母プリオンタンパク質の 1 細胞内ダイナミクスの解析
綾野 賢¹、野間 繁子^{2,3}、吉田 賢右²、田口 英樹^{3,4}、安田 賢二¹ (¹ 東大院・総合文化、² 東工大・資源研、³ 東大・新領域、⁴JST・さきがけ 21)

- 2P149 培養ラット心筋細胞のカルシウム振動に対するミオシン ATPase 抑制剤の作用
青山 祥一朗¹、石渡 信一² (¹ 早大院・生命理工、² 早大理工・物理)
- 2P150 アクチンフィラメントの重合・脱重合ダイナミクス - HMM による制御 -
松縄 恵理子¹、石渡 信一^{1,2} (¹ 早大院・生命理工、² 早大・理工・生物物理)
- 2P151 filamin A 架橋 F-actin・ネットワーク構造の力学・浸透圧特性
伊藤 忠直¹、山崎 昌一² (¹ 京大・低温・物質科学研究センター、² 静大・理・物理)
- 2P152 カルモジュリンによる平滑筋 IQGAP1 の構造変化と機能調節
畠山 いずみ、吉永 直樹、巖 麗娟、皆川 圭紀、岡本 洋 (室蘭工大・工・応化)
- 2P153 突起領域に依存した MAP4 の微小管結合の協同性の定量的解析
藤井 真人¹、久永 真市²、宝谷 紘一³、伊藤 知彦¹ (¹ 名大・院理・生命理学、² 都立大・院理・生物、³ JST)
- 2P154 The projection domain dependent modification of the activities of the heat-stable MAPs on the microtubule dynamics.
ペルマナ ソフィ¹、久永 真市²、森田 鉄兵¹、宝谷 紘一³、伊藤 知彦¹ (¹ 名大院・理・生命理学、² 都立大院・理・生物、³ CREST, JST)
- 2P155 ウニ卵細胞質分裂における収縮環位置決め問題の理論モデルによる研究
吉垣 知能 (日大 松戸歯学 生理)
- 2P156 神経成長円錐における lasp ファミリータンパク質と fascin の分布
中川 裕之¹、田口 冴子¹、寺崎 朝子²、大橋 一世³、宮本 茂昭¹ (¹ 九工大・情報工・生命、² 千葉大院・自然科学・地球生命圏、³ 千葉大・理・生物)
- 2P157 アポディゼーション位相差顕微鏡法による、アクチンの網目の直接観察
加藤 薫^{1,2}、大瀧 達朗³、鈴木 基弘⁴ (¹ 産総研・脳神経、² JST・さきがけ 21、³ ニコン (株)・コアテクノロジーセンター、⁴ ニコン (株)・インストルメンツカンパニー)
- 2P158 神経成長因子の結合に伴う後根節神経成長円錐の運動反応：その刺激応答連関の 1 分子解析
谷 知己、原田 慶恵 (東京都臨床研 生理活性)
- 2P159 PC12D 細胞における神経成長因子による活性化した受容体の運動パターンとクラスター形成
柴田 晶カール¹、柳田 敏雄^{1,2}、佐甲 靖志^{1,2} (¹ 阪大院・医学系・情報生理、² 阪大院・生命機能・ナノ生体)
- 2P160 光ピンセット法によるラメリポディア運動の解析
境 健一、宮田 英威 (東北大・院・理)
- 2P161 基質の微細線状パターンを認識した細胞運動の方向制御
浅野 由香子、平塚 祐一、上田 太郎 (産総研・ジーンファンクション)
- 2P162 細胞表面アクチン細胞骨格の機能解析
吉岡 恭子、孫 怡、水野 敬文 ((独) 産総研・生物機能工学)
- 2P163 細胞性粘菌の走化性に関する G 蛋白質の細胞内 1 分子イメージング
宮永 之寛¹、上田 昌宏¹、Peter N. Devreotes²、柳田 敏雄¹ (¹ 阪大院・生命機能、² Johns Hopkins Univ.)
- 2P164 走化性における PTEN 局在のポジティブフィードバック機構
松岡 里実¹、上田 昌宏¹、Peter N. Devreotes²、柳田 敏雄¹ (¹ 阪大院・生命機能・ナノ生体科学、² Johns Hopkins University)
- 2P165 脂質組成異常細胞に見られる走化性情報伝達反応の逆転
松岡 里実、上田 昌宏、桑山 秀一、柳田 敏雄 (阪大院・生命機能・ナノ生体科学)
- 2P166 走化性粘菌の濃度勾配検出における順応と増幅に関する研究：ゆらぎの考慮
石井 大介、石川 顕一、中沢 正治 (東大院・工学系・システム量子工学)
- 2P167 ゆらぐシグナルの増幅とウルトラセンシティブなシグナル伝達ネットワーク
柴田 達夫¹、藤本 仰一² (¹ 広大院・理学・数理分子生命、² 東大院・総合文化・広域科学)
- 2P168 細胞性粘菌の走電性における cAMP 刺激の効果
佐藤 雅之、上田 昌宏、桑山 秀一、高木 拓明、柳田 敏雄 (阪大院・生命機能)
- 2P169 粘菌の形態形成に及ぼす磁場の影響
佐久間 茜、山内 禎子、大野 英司、西尾 泉 (青学大・理工・物理)
- 2P170 ゴウリムシの自発的膜電位ゆらぎ発生のメカニズム
原 征寛、中岡 保夫 (阪大院・生命機能)

- 2P171 上皮成長因子受容体の二量体化による過剰応答性のカルシウム応答
上村 武¹、高木 拓明²、柳田 敏雄²、佐甲 靖志² (¹ 阪大院・基礎工、² 阪大院・生命機能・ナノ生体科学)
- 2P172 一分子蛍光観察による上皮成長因子 (EGF) の結合挙動の動力学解析
寺村 裕治、一ノ瀬 純也、柳田 敏雄、佐甲 靖志 (阪大院・生命機能・ナノ生体科学)
- 2P173 全反射蛍光顕微鏡を利用した Protein Kinase C の動態解析
大杉 友^{1,2}、齊藤 健太²、田村 守²、金城 政孝² (¹ 北大院理・化学、² 北大・電子研・超分子)
- 2P174 3次元単粒子追跡法の開発：乳癌細胞における膜表面受容体の運動を立体的に観る
渡邊 朋信¹、樋口 秀男^{1,2} (¹ 東北大学・先進医工、² 東北大学・学際)
- 2P175 ナノ粒子追跡による細胞間相互作用の可視化
高木 直¹、樋口 秀男^{1,2,3} (¹ 東北大院・工学、² 先進医工、³ 学際センター)
- 2P176 トリインフルエンザウイルスの情報処理能力
堺 立也 (川崎医大・微生物)
- 2P177 蛍光相関分光法を用いた細胞内での GFP の並進拡散運動の解析
寺田 尚史¹、多田 限 尚史²、石浜 陽¹、座古 保³、船津 高志³ (¹ 早大院・生命理工、² 東大院・理工、³ 東大院・薬学)
- 2P178 -actin mRNA と zipcode-binding protein 1 の結合・解離のキネティクス
永川 豊広¹、鞍馬 秀輝¹、貴家 康尋²、原田 慶恵²、船津 高志^{1,3} (¹ 早大院・生命理工、² 都臨床研・生理活性、³ 東大・薬)
- 2P179 Analysis of diffusional motion of molecular rulers in nucleoplasm and nucleolus by fluorescence correlation spectroscopy
白 燦基、金城 政孝 (北大電子研超分子分光)
- 2P180 蛍光相互相関分光法による細胞内酵素活性検出
齊藤 健太¹、和田 郁夫²、田村 守¹、金城 政孝¹ (¹ 北大・電子研・超分子、² 福島医大・生体情報研・細胞科学)
- 2P181 多変量解析的手法による蛍光スペクトル分離法の細胞生物学的実験への応用
白川 英樹、宮崎 俊一 (東京女子医大・医・第二生理)
- 2P182 蛍光相関分光法を用いた核内転写因子の解析
三國 新太郎、田村 守、金城 政孝 (北大・電子研・超分子)
- 2P183 新しい in vitro assay 系を用いた細胞質-核間輸送の非対称性
小此木 孝仁^{1,2}、廣島 通夫⁴、椎名 伸之^{1,2}、小瀬 真吾³、今本 尚子³、徳永 万喜洋^{1,2,4} (¹ 遺伝研、² 総研大、³ 理研・細胞核機能、⁴ 理研・免疫センター)
- 2P184 1分子蛍光法による MARCKS の細胞膜近傍の挙動の研究
岩沢 こころ¹、梶川 絵理子¹、小山-本田 郁子¹、笠井 倫志¹、Ritchie Ken¹、三輪 佳宏²、楠見 明弘¹ (¹ 名大院理 SORST-JST 生命理学、² 筑波大学 人間総合科学研究科)
- 2P185 GPI アンカータンパク質ダイマーより形成される定常状態ラフト
鈴木 健一¹、藤原 敬宏¹、Ritchie Ken¹、Edidin Michael²、楠見 明弘¹ (¹ 名大院理 SORST-JST 生命理学、名大高等研究院、² Johns Hopkins University)
- 2P186 レセプター型チロシンキナーゼへの刺激に誘導される受容体取り込みラフトドメインの形成
小林 剛¹、武田 美江¹、村上-田中 瑞奈¹、吉村 昭彦²、楠見 明弘¹ (¹ 名大院理・SORST-JST・生命理学、² 九大・生体防御)
- 2P187 シナプスの刺激依存的な再編成：NMDA 型グルタミン酸受容体の動態観察による解析
吉田 広人¹、中田 千枝子¹、長谷川 理恵¹、漆戸 智恵²、梅田 達也²、岡部 繁男²、楠見 明弘¹ (¹ 名大院・理・SORST-JST・生命理学、名大高等研究院、² 東京医科歯科大)
- 2P188 細胞膜のコンパートメント化構造の一般性
梅村 康浩^{1,2}、村瀬 琴乃^{1,2}、藤原 敬宏^{1,2}、鈴木 健一^{1,2}、飯野 亮太¹、山下 英俊¹、齊藤 美保子¹、Ken Ritchie^{1,2}、楠見 明弘^{1,2} (¹ ERATO/SORST-JST 名大院理、² 名大高等研究院)
- 2P189 エンドサイトーシス初期過程において微小管に依存した小胞輸送はアクチンフィラメントによって促進される
秋山 信治、宮田 英威 (東北大・院理・物理)
- 2P190 酸化 LDL 受容体導入細胞の詳細な顕微鏡観察
松永 茂、謝 秋宏、榊原 祥清、町田 幸子 (独法・食総研)

- 2P191 小胞体からのタンパク質輸送は ER exit site の形成・分解に依存する
山内 忍¹、加納 ふみ¹、田中 亜路¹、近藤 久雄²、村田 昌之¹ (¹ 東大院・総合文化・生命環境、² ケンブリッジ大)
- 2P192 哺乳動物細胞における小胞体ネットワーク構造の細胞周期依存的なダイナミクス (I):小胞体膜切断過程
田中 亜路¹、加納 ふみ¹、近藤 久雄²、山内 忍¹、細川 暢子³、永田 和宏³、村田 昌之¹ (¹ 東大院・総合文化・生命環境、² ケンブリッジ大、³ 京大・再生研)
- 2P193 哺乳動物細胞における小胞体ネットワーク構造の細胞周期依存的なダイナミクス (II): 小胞体膜融合過程
加納 ふみ¹、近藤 久雄²、山内 忍¹、田中 亜路¹、細川 暢子³、永田 和宏³、村田 昌之³ (¹ 東大院・総合文化・生命環境、² ケンブリッジ大、³ 京大・再生研)
- 2P194 ストレスタンパク質からみた機械的ストレスへの適応機構
小黒 麻美¹、桜井 隆史¹、大多和 真由美¹、奥野 誠¹、永田 和宏²、跡見 順子¹ (¹ 東大院・総合文化・生命環境科学系、² 京大・再生医学研)
- 2P195 コフィリンによるアクチン線維の切断/脱重合に対するアクチン線維構造の影響: アクチン線維切断の1分子観察
早川 公英¹、辰巳 仁史^{2,3}、曾我部 正博^{1,2,4} (¹ JST・ICORP・細胞力覚、² 名大・医・第2生理、³ JST・CREST、⁴ 生理研・分子生理)
- 2P196 F-アクチンメッシュワークからの張力依存的なストレスファイバーの形成
平田 宏聡¹、辰巳 仁史^{2,3}、曾我部 正博^{1,2,4} (¹ 生理研、² 名大院・医学系・細胞生物物理、³ CREST・JST、⁴ ICORP・「細胞力覚」・JST)
- 2P197 ストレスファイバー形成過程の可視化:アクトミオシン相互作用の役割
千住 洋介、平田 宏聡、宮田 英威 (東北大院・理・物理)
- 2P198 アクチン細胞骨格構造の再形成過程におけるアクチンファイバーと細胞膜の動的挙動観察
佐藤 克也¹、西島 尚吾²、安達 泰治³、富田 佳宏⁴ (¹ 神戸大院・自然科学・システム機能科学、² 神戸大院・自然科学・機械工学、³ 京都大・工学部・機械、⁴ 神戸大・工学部・機械)
- 2P199 弾性体接着基質上に培養した細胞の運動性と細胞骨格形成の解析
原田 伊知郎、赤池 敏宏 (東工大・生命理工)
- 2P200 弾性体接着基質を用いた肝細胞の形態制御とその機能変動の解析
市川 雅稔、原田 伊知郎、赤池 敏宏 (東工大院・生命理工)
- 2P201 パターニング培養基質による細胞骨格形成制御とその力学特性解析
小国 晶子、原田 伊知郎、赤池 敏宏 (東工大院・生命理工)
- 2P202 温度応答性培養基質を用いた細胞形態制御による骨格形成変化の解析
八巻 和正、原田 伊知郎、赤池 敏宏 (東工大院・生命理工)
- 2P203 ミオシン調節軽鎖のリン酸化に基づいた細胞の張力ホメオスタシス機構
水谷 武臣¹、芳賀 永¹、高橋 正行²、川端 和重¹ (¹ 北大院・理・生物科学、² 北大院・理・化学)
- 2P204 フェムト秒パルスレーザー誘起による A253 細胞内カルシウム濃度上昇
谷村 暢子¹、中林 誠一郎¹、山下 俊一² (¹ 埼玉・理・化学、² 日大・医・生理)
- 2P205 マスト細胞から神経細胞への活性化機構の研究
鈴木 亮、古野 忠秀、中西 守 (名市大院・薬学系)
- 2P206 表皮ケラチノサイトと神経細胞の相互作用
河村 太一、鈴木 亮、古野 忠秀、中西 守 (名市大院・薬学系)
- 2P207 神経細胞とマスト細胞の相互作用に關与する接着分子の研究
古野 忠秀¹、伊藤 彰彦²、北村 幸彦³、中西 守¹ (¹ 名市大院・薬、² 神大院・医、³ 阪大院・医)
- 2P208 神経・マスト細胞相互作用におけるカドヘリンの役割
鈴木 昭夫、鈴木 亮、古野 忠秀、中西 守 (名市大院・薬学系)
- 2P209 アノイーキスを防ぐ培養条件
江本 由美子、今福 千明、太和田 勝久 (九大院・理・生物科学)
- 2P210 脊髄由来細胞増殖抑制因子の精製とその性質 (2)
今福 千明、江本 由美子、太和田 勝久 (九大院・理・生物科学)

2P211 NADPH oxidase 依存性活性酸素の生成と B 細胞の分化誘導

鈴木 友子、平岡 和佳子 (明治大・理工・物理)

生体膜・人工膜 B) ダイナミクス

2P212 せん断流によるベシクルの変形のシミュレーション

野口 博司、Gompper Gerhard (IFF)

2P213 開口型リポソームの形態の理論解析

梅田 民樹¹、末崎 幸生²、滝口 金吾³、宝谷 紘一³ (¹神戸大・海事科学、²佐賀大・医学、³名大院・理学)

2P214 細胞サイズリポソームの光誘起型可逆的形態転移

濱田 勉¹、佐藤 祐子¹、長崎 健²、吉川 研一¹ (¹京大院・理・物理、²大阪市大院・工・生物応用化学)

2P215 インフルエンザヘムアグルチニン由来ペプチドによるジャイアントリポソームの縮小と膜融合の直接観察

稲葉 岳彦¹、野村 典正¹、石川 哲¹、高橋 敬²、宝谷 紘一¹、滝口 金吾¹ (¹名大院・理学・生命、²京大院・化学研)

2P216 絹フィブロインのリン脂質膜に対する作用

都島 美行 (農業生物研・昆虫新素材)

2P217 メリチンの膜トポロジー変換能力：膜への結合様式との関連性

野村 典正、中村 祐己、宝谷 紘一、滝口 金吾 (名大・院理・生命理学)

2P218 マスト細胞の脱顆粒における complexin による制御機構の研究

崎山 祥紀、田所 哲、中西 守、平嶋 尚英 (名市大院・薬)

2P219 Silicon nanoparticles: Application to imaging the motion of single molecules in live cell membranes

Ritchie Ken、後藤 美樹、西村 博仁、楠見 明弘 (ERATO/SORST-JST 名大院理、名大高等研究院)

2P220 膜流動性イメージング法による CHO 細胞でのスフィンゴミエリンとコレステロールの相互作用の研究

武藤 賢志、大場 哲彦、大木 和夫 (東北大・院理・物理)

2P221 神経毒 -ラトロトキシンを用いたマスト細胞における脱顆粒機構の解析

平嶋 尚英、中西 守 (名市大院・薬)

生体膜・人工膜 C) 興奮・チャンネル

2P222 カーボンナノチューブにおけるイオン移動の理論的研究

炭竈 享司、斉藤 真司、大峯 巖 (名大院理)

2P223 非電解質の中心空洞へのアクセスは KcsA カリウムチャンネルの開確率を増大させる

清水 啓史、井上 史子、今野 卓、老木 成稔 (福井大学・医学部・分子生理)

2P224 蜘蛛毒ペプチド GsMTx-4 は電位依存性ゲーティング機構の修飾を通して伸展感受性 bigKca チャンネルを抑制する

唐 瓊 瑶¹、成瀬 恵治^{1,2}、Frederick Sachs^{1,3}、曾我部 正博^{1,2,4} (¹JST・ICORP・細胞力覚、²名大院・医・細胞生物物理、³ニューヨーク州立大・医・生理/生物物理、⁴生理研・分子生理)

2P225 新規人工膜法の開発: バイオセンサーの開発に向けて

井出 徹 (科学技術振興機構)

2P226 機械受容チャンネル・ゲーティング機構の 1 分子解析法の開発

町山 裕亮¹、辰巳 仁史^{1,2}、曾我部 正博^{1,3,4} (¹名大院・医・細胞情報医学、²CREST・JST、³生理研、⁴ICORP・「細胞力覚」・JST)

2P227 筋小胞体ベシクルの有機イオンの透過性

葛西 道生、小林 進哉、藤井 理絵、塚越 寛之、兼川 裕 (龍谷大・理工・物質化学)

2P228 大腸菌機械刺激受容チャンネル MscS のメカノセンサー部位の同定

野村 健¹、吉村 建二郎^{1,2}、曾我部 正博^{1,3,4} (¹科技振・国際共同・細胞力覚、²筑波大院・生命環境・構造生物、³名大院・医・細胞生物物理、⁴生理研・細胞内代謝)

2P229 好アルカリ性細菌の Na⁺ 駆動型べん毛モーターに対するアルギニンの阻害効果

渥美 龍男¹、吉村 文信²、杉山 滋^{1,3} (¹名大・院・理・生命、²愛学・歯・微生物、³(現住所)食総研・計測工学)

2P230 新しい急速液交換法をもちいた、マウス心室筋 Na/Ca 交換電流の活動電位波形への寄与の検討

塩谷 孝夫 (佐賀大・医・生体構造機能)

2P231 無細胞タンパク発現系を用いた機械受容チャネル MscL の合成

吉村 建二郎^{1,2}、野村 健²、曾我部 正博^{2,3,4} (¹筑波大院・生命環境・構造生物、²科技振・細胞力覚、³名大院医・細胞生物物理、⁴生理研・分子生理)

生体膜・人工膜 D) 輸送

2P232 *B.subtilis* の多剤排出蛋白質 EbrAB: EbrB 単独での機能発現について

菊川 峰志¹、奈良 敏文²、宮内 正二²、加茂 直樹²、荒磯 恒久¹ (¹北大・先端研・生体分子機能、²北大院・葉・生物物理化学)

2P233 ミトコンドリアの水の透過性

菌田 武嗣、葛西 道生 (龍谷大院・理工・物質化学)

2P234 ウサギ骨格筋小胞体 Ca²⁺-ATPase は二量体で機能する。

丑丸 真、福嶋 義博 (杏林大・医・化学)

2P235 動物細胞におけるヘムの輸送について

奈良 麻利子¹、佐藤 雅俊²、城 宜嗣³、中村 寛夫^{2,3} (¹日女・理、²横市大院・総合理、³理研)

2P236 ATP 加水分解 G 値は ATPase の行う仕事量を規定しない

福嶋 義博、丑丸 真 (杏林大・医・化学)

生体膜・人工膜 E) 情報伝達

2P237 互いに相同な大腸菌走化性レセプター Tsr と Tar によるアミノ酸リガンド識別機構の解析

田島 寛隆¹、佐久間 麻由子¹、服部 文幸¹、角井 碧²、奈良 敏文²、加茂 直樹²、本間 道夫¹、川岸 郁朗¹ (¹名大・院理・生命理学、²北大・院薬)

2P238 分子動力学シミュレーションを利用した走化性レセプター Tar のリガンド認識機構の解析

堀田 韻虹、田島 寛隆、服部 文幸、本間 道夫、川岸 郁朗 (名大院理・生命理学)

2P239 大腸菌走化性シグナル伝達における受容体のメチル化とダイマー間相互作用の関係

入枝 泰樹、本間 幹啓、本間 道夫、川岸 郁朗 (名大院・理・生命理学)

2P240 固体¹³C NMR による脂質膜表面における PLC-1 PH ドメインの立体構造の解析: 負電荷脂質の影響

辻 暁、杉田 多喜男、上釜 奈緒子、岡田 雅司、八木澤 仁 (兵庫県立大院・生命理)

2P241 固体高分解能 NMR による PRIP-1 PH ドメインの脂質二重膜上における構造の解析

田中 宏明¹、八木澤 仁¹、平田 雅人²、辻 暁¹ (¹兵庫県立大院・生命理、²九大院・歯・細胞工学)

2P242 アミノ酸走性に関与するコレラ菌受容体様タンパク質 Mlp24 の同定

伊東 靖晃、百武 晃宏、西岡 典子、本間 道夫、川岸 郁朗 (名大院・理・生命理)

2P243 ミトコンドリア膜電位維持における cyclophilin D の役割

鈴木 秀幸¹、町田 清隆²、東野 桂子¹、藤田 智沙子¹、長田 裕之²、太田 善浩¹ (¹東農工大・工・生命工、²理研・抗生物質研)

光生物 B) 光合成

2P244 紅色光合成細菌光合成膜の cryo-AFM を用いた LH2, RC-LH1 の観察

飯田 浩史¹、山本 大輔²、古川 昌良³、伊藤 繁²、南後 守³、神山 勉² (¹名市工研、²名大・院理、³名工大・院)

2P245 クライオ原子間力顕微鏡による光合成膜試料の観察

山本 大輔¹、飯田 浩史²、福嶋 有希¹、伊藤 繁¹、南後 守³、神山 勉¹ (¹名大・院理・物理、²名市工研、³名工大・院)

2P246 紅色光合成細菌アンテナ色素タンパク質複合体 LH2 のシリカ多孔体内吸着による安定化

小田 一平¹、柴田 穰¹、梶野 勉²、福嶋 喜章²、岩井 覚司³、伊藤 繁¹ (¹名大院・理・物質、²豊田中研、³豊田自動車)

2P247 光量による紅色光合成細菌 *Rhodospirillum rubrum* のアンテナ系の変化

持田 知弘¹、秋山 満知子¹、伊藤 由加¹、永島 賢治²、原 正之³、若山 樹⁴、星野 貴行⁵、小林 正美¹ (¹筑波大物質工学系、²東京都立大理学部、³大阪府立大先端研、⁴ティッシュエンジニアリング、⁵筑波大応用生物化学系)

2P248 光合成バクテリア反応中心の Bacteriopheophytin から primary quinone への電子移動における非弾性トンネル現象

西岡 宏任¹、河津 励²、木村 明洋¹、倭 剛久¹、垣谷 俊昭³ (¹名大院・理・物理、²Duke U. 化学、³名城大・理工)

2P249 FTIR による光合成水分解反応におけるプロトン放出過程の解析

鈴木 博行¹、杉浦 美羽²、野口 巧¹ (¹筑波大・数理物質科学、²大阪府大・応用生物化学)

2P250 光化学系 II における第二キノン電子受容体 Q_B の閃光誘起 FTIR スペクトル

鈴木 博行¹、長坂 将明¹、杉浦 美羽²、野口 巧¹ (¹筑波大・数理物質科学、²大阪府大・応用生物化学)

2P251 低波数赤外分光法による光合成酸素発生反応中間状態の観測

木村 行宏¹、山成 敏広²、石井 麻子¹、長谷川 浩司¹、小野 高明¹ (¹理研 PDC・光生物 1、²広島大・総合科学)

2P252 split signal とは何だったのか？

三野 広幸、伊藤 繁 (名大院理)

2P253 光化学系 II におけるカロテノイド及びクロロフィル Z を経由する副次的電子移動経路

北嶋 裕一¹、杉浦 美羽²、野口 巧¹ (¹筑波大・数理物質科学、²大阪府大・応用生物化学)

2P254 光化学系 II 反応中心の $chl d$ による色素置換

平野 恵美¹、鞆 達也²、中里 勝芳² (¹日大院・総合基礎・相関理化、²日大・文理・物生シス)

2P255 極低温 ESR によるヘリオバクテリア I 型光合成反応中心の電子移動機構の解明

宮本 良¹、大岡 宏造²、三野 広幸¹、伊藤 繁¹ (¹名大院/物質理学、²阪大院/生物)

2P256 フォルファチジルグリセロールを欠乏させたチラコイド膜における蛍光スペクトルとキネティクスの変化の観測

小村 理行¹、柴田 穰¹、Domonkos Ildiko²、Gombos Zoltan²、和田 元³、伊藤 繁¹ (¹名大院・理・物質理学専攻 (物理系)、²ハンガリー科学アカデミー生物研究センター・植物生体学、³東大院・総合文科研究科・広域科学専攻・生命機能論)

2P257 固体 ^{13}C 2次元 NMR によるクロロゾーム中バクテリオクロロフィル c 会合体の構造解析

江川 文子¹、秋庭 健吾¹、溝口 正²、原 一公³、柿谷 吉則³、小山 泰³、藤原 敏道¹、阿久津 秀雄¹ (¹阪大・蛋白研、²立命館大・理工、³関西学院大・理工)

2P258 紅色光合成細菌由来のカロテノイドにおける励起緩和過程

樋口 倫也¹、三室 守¹、横野 牧生²、村井 陽介²、大前 麻衣子²、秋本 誠志²、山崎 巖² (¹京大院・人間・環境、²北大院・工)

2P259 パパインによる Chl a Chl d 変換の発見

小泉 創¹、渡部 覚¹、後藤 高紀¹、伊藤 由加¹、秋山 満知子¹、宮下 英明²、土屋 徹²、三室 守²、山下 俊³、小林 正美¹ (¹筑波大学 物質工学系、²京都大学院 地球環境学堂、³東京理科大 理工)

2P260 海洋藻類 *Acaryochloris marina* と陸生藻類 *Gloeobacter violaceus* PCC7421 の色素組成

伊藤 由加¹、宮下 英明²、山下 俊³、土屋 徹²、三室 守²、小林 正美¹ (¹筑波大・物質工学系、²京大・院・地球環境学堂、³東京理科大・理工)

2P261 藍色細菌 *Nostoc* ヘテロシスト細胞内部の光化学系 II - 共焦点レーザー顕微分光法による研究

杉浦 花菜、柴田 穰、伊藤 繁 (名大院・理・物質理学)

2P262 クロロフィル d を持つ *Acaryochloris marina* のフィコビルン含量と光化学系の関係

重永 高俊、青山 大輔、中村 洋子、三野 広幸、伊藤 繁 (名大院・理・物質)

2P263 過渡吸収測定によるアナログ PYP の光反応戻り過程の解析

曾田 幸司¹、濱田 格雄²、市田 秀樹³、中村 亮介²、松本 健吾¹、兼松 泰男^{2,3}、徳永 史生^{1,2} (¹阪大院理、²JST-CREST、³阪大 CASI)

2P264 疎水プローブによる PYP M 中間体における構造変化の検出

松本 健吾¹、濱田 格雄²、市田 秀樹³、中村 亮介²、兼松 泰男^{2,3}、徳永 史生^{1,2} (¹阪大院理・宇宙地球、²JST-CREST、³阪大 VBL)

2P265 水素結合ネットワーク改変による光受容蛋白質の蛍光スペクトル解析

濱田 格雄¹、中村 亮介¹、市田 秀樹³、曾田 幸司²、松本 健吾²、兼松 泰男^{1,3}、徳永 史生^{1,2} (¹CREST(JST)、²阪大院理、³阪大 VBL)

2P266 分子動力学計算による Phot-LOV2 ドメインの基底状態と光反応中間体の動的構造

鍋野 海香¹、神谷 成敏²、肥後 順一³、徳富 哲⁴、櫻井 実¹ (¹東工大・バイオ基盤センター、²生物分子工学研・生命情報、³東葉大・生命科学、⁴大阪府大・先端研)

2P267 PpsR の会合状態と DNA 結合能に関する PAS ドメインの役割

福角 勇人、山崎 洋一、上久保 裕生、今元 泰、片岡 幹雄 (奈良先端大・物質)

2P268 紅色硫黄細菌 *Halorhodospira halophila* 由来 NifA のオリゴマー形成に関する研究

對比地 久義、山崎 洋一、上久保 裕生、片岡 幹雄 (奈良先端大・物質)

バイオイメージング

2P269 電子スピン画像法を用いた母子分離ラットにおける急性ストレス後の脳内還元能の評価

横山 秀克¹、森信 繁²、榑木 隆聡^{1,3}、植田 勇人⁴ (¹ 生物ラジカル研究所、² 広島大学医学部、³ 宮崎大学医学部、⁴ 筑波大学医学部)

2P270 投影型 X 線顕微鏡によるスグリゾウムシのマイクロ CT

谷迫 章、吉村 英恭 (明大・理工)

2P271 RecA と DNA の自己集合能を利用した金属ナノワイヤーの製造

西中 太郎、橋本 牧子、中村 陽、熊木 治郎、八島 栄治 (ERATO・超構造プロ)

2P272 脂質二重膜に再構成された膜タンパク質の 1 分子イメージング

田端 和仁¹、山田 - 加藤 康之⁵、井出 徹²、奥野 大地¹、矢部 勇³、西坂 崇之⁴、野地 博之¹ (¹ 東大生産研、² 科技振さきがけ、³ 東大分生研、⁴ 学習院大理、⁵ 立教大理)

2P273 膜流動性画像の 3 次元再構成 (2) PSF の精微化と blind deconvolution

大場 哲彦、麻生 健、大木 和夫 (東北大院・理)

2P274 急速凍結フリーズレプリカ電子顕微鏡像のシミュレーションに基づく蛋白質表面プロファイルの解析

木森 義隆¹、小口 洋介²、市瀬 紀彦³、馬場 則男²、片山 栄作¹ (¹ 東大・医科研・分子構造解析、² 工学院大・電気工学、³ 駒女大・映像コミュニケーション)

2P275 Hilbert 微分電子顕微鏡による細胞内ナノ構造の *in vivo* 観察

永山 國昭¹、Danev Radostin¹、新田 浩二²、金子 康子² (¹ 自然科学機構・岡崎統合バイオ、² 埼玉大・理・生体制御)

2P276 走査型プローブ顕微鏡による染色体及びタンパク質の観察

杉山 滋、七里 元晴、吉野 智之、関口 博史、佐宗 めぐみ、萩原 昌司、大谷 敏郎 (食品総合研究所)

2P277 1 本の DNA に生じる 2 重らせん構造の変化を直接計測する

林 真人¹、原田 慶恵^{1,2} (¹ 東京都臨床研、² CREST・JST)

2P278 マイクロビーズアレイを利用した分子イメージングによる生体分子間相互作用解析法の開発

貴家 康尋¹、小原 収^{3,4}、谷 知己²、原田 慶恵^{1,2} (¹ CREST, JST、² 都臨床研、³ かずさ DNA 研、⁴ 理研 RCI)

2P279 レシオイメージングによるリン酸化チロシンフォスファターゼ活性の細胞成長時の抑制

菊地 和也¹、高草 英生¹、長野 哲雄¹、沢野 朝子²、宮脇 敦史² (¹ 東大院・薬、² 理研・脳セ)

2P280 アクチン、4.1N による IP₃ 受容体タイプ 1 の拡散制御

深津 和美¹、坂内 博子^{1,2}、張 松柏³、中村 秀樹^{1,4}、井上 貴文^{1,3}、御子柴 克彦^{1,2,3,5} (¹ 東大・医科研・脳神経、² 理研・脳センター・発生神経生物、³ 科技構・ICORP・カルシウム振動、⁴ 東大院・理学系・物理、⁵ NTT-IMSUT・神経情報)

2P281 Mechanical Measurement on Green Fluorescent Protein with Atomic Force Microscopy

WANG Tong¹、中嶋 健²、原 正彦¹ (¹ 理研 フロンティア 局所時空間機能、² 東大院 理工 有機高分子)

2P282 斜光照明蛍光顕微鏡による好中球の CD69 分子の細胞膜表面移行のイメージング

山岸 舞¹、村山 研^{2,3}、坂本 明彦¹、新井 孝夫³、鈴木 和男²、船津 高志¹ (¹ 東大・院薬・分析、² 国立感染症研究所・生物活性物質、³ 東京理科大・理工)

2P283 mRNA スプライシング反応の 1 分子蛍光顕微分光観察

石浜 陽¹、多田隈 尚史¹、谷 時雄²、船津 高志^{1,3} (¹ 早大院・生命理工、² 熊大・理・生物科学、³ 東大・薬)

2P284 1 分子蛍光法における 2 色同時共局在観察法の開発

小山 本田 郁子^{1,2}、Ken Ritchie^{1,2}、藤原 敬宏^{1,2}、飯野 亮太¹、村越 秀治^{1,2}、笠井 倫志^{1,2}、楠見 明弘^{1,2} (¹ ERATO/SORST-JST 名大院理、² 名大高等研究院)

2P285 内在性膜蛋白質 FtsH の一分子蛍光観察

大川 潤也¹、奥野 貴士²、小椋 光²、大岩 和弘³、西坂 崇之^{1,4} (¹ 学習院大・物理、² 熊本大・発生医学、³ 情報通信研究機構・生体物性 G、⁴ JST・さきがけ)

2P286 高圧力蛍光顕微鏡の開発

西山 雅祥¹、木村 佳文²、寺嶋 正秀¹ (¹ 京大院・理、² 京大・国際融合創造セ)

2P287 1 分子力学 / 蛍光同時計測顕微鏡の開発

横田 浩章¹、Allemand Jean-Francois¹、Xi Xuguang²、Croquette Vincent¹、Bensimon David¹ (¹ENS, LPS、²ENS de Cachan, LBPA, FRANCE)

2P288 タンパク質の AFM 映像を原子モデルに照らして理解するための解析法

又多 恵子、古寺 哲幸、宮城 篤、安藤 敏夫 (金沢大院・自然科学)

2P289 高速 AFM によるタンパク質分子の動態撮影に資する基板開発

前田 大輔、宮城 篤、古寺 哲幸、安藤 敏夫 (金沢大院・自然科学)

2P290 高速 AFM の性能向上のための改良

伊藤 悠徳、内橋 貴之、安藤 敏夫 (金沢大院・自然科学)

2P291 高速原子間力顕微鏡によるモータータンパク質分子の動態観察

宮城 篤¹、前田 大輔¹、古寺 哲幸¹、大岩 和弘²、安藤 敏夫¹ (¹ 金沢大学院・自然科学研究科、² 通信総合研究所)

2P292 相補的 DNA 鎖間に働く力の直接測定

日比野 政裕、藤川 絢平 (室蘭工大・応用化学)

2P293 AFM を用いた懸濁液 1 マイクロリットルの測定

田中 智史¹、菅澤 祐昭²、森居 隆史²、岡田 孝夫²、阿部 真典³、加藤 徳明³、黒田 玲子^{3,4}、那須 大志¹、永井 正幸¹、梅村 和夫^{1,5} (¹ 武蔵工業大学、² 生体分子計測研究所、³ 東京大学、⁴ JST SORST、⁵ 鴨志田企画)

バイオエンジニアリング

2P294 自己集合した蛋白質を用いた鋳型複製によるナノパターンの作製

山下 英之¹、長岡 真吾¹、松下 智彦¹、西川 武男¹、瀬崎 浩史²、乗岡 茂巳²、和沢 鉄一²、青山 茂¹ (¹ オムロン株式会社・技術本部、² 阪大院・生命機能)

2P295 先鋭化プローブ挿入操作の生細胞に対する侵襲性

中村 史^{1,2}、韓 成雄^{1,2}、小幡谷 育夫¹、中村 徳幸^{1,2}、三宅 淳^{1,2} (¹ 産総研・セルエンジニアリング、² 東京農工大院・工)

2P296 種々の先鋭化プローブを用いた AFM 単一生細胞操作と共焦点顕微鏡観察

小幡谷 育夫¹、中村 史^{1,2}、韓 成雄^{1,2}、中村 徳幸^{1,2}、三宅 淳^{1,2} (¹ 産総研・セルエンジニアリング、² 東京農工大院・工)

2P297 温感性ハイドロゲルを用いたマイクロソーターの改良

杉野 弘和¹、白崎 善隆¹、和田 恭雄²、筒井 謙²、江面 知彦²、庄子 習一³、船津 高志^{1,4} (¹ 早大院・生命理工、² 文部省・早大カスタムナノ、³ 早大・理工・電気情報生命、⁴ 東大院・薬学系・分析化学)

2P298 温感性ハイドロゲルを用いた生体分子ソーターの開発

白崎 善隆¹、泉 俊光²、水野 潤³、庄子 習一²、和田 恭雄³、月田 承一郎⁴、船津 高志⁵ (¹ 早大・生命理工、² 早大・理工・電生、³ 早大・NTF、⁴ 京大・医、⁵ 東大・薬)

2P299 基板上に固定したヘアピン DNA を用いた分子メモリの開発

波多野 佑亮¹、瀧ノ上 正浩^{1,2}、陶山 明^{1,2} (¹ 東大院・総合文化・生命環境、² JST CREST)

2P300 超並列的に動作するヘアピン DNA 分子メモリ

瀧ノ上 正浩^{1,2}、波多野 佑亮¹、陶山 明^{1,2} (¹ 東大院・総文・生命環境、² JST CREST)

2P301 自律的に動作する分子コンピューターによる核酸配列の変換

木賀 大介、持田 哲宏、瀧ノ上 正浩、陶山 明 (東大院・総文・生命環境科学)

2P302 光ピンセットによるゲノム DNA の一分子鎖高次構造制御

小穴 英廣¹、久保 康児²、跡見 晴幸³、今中 忠行³、吉川 研一² (¹ 東大院・工学系、² 京大院・理、³ 京大院・工)

2P303 ゲノム DNA の一分子鎖高次構造制御：FM/AFM による微細構造観察

進藤 恵理¹、久保 康児²、中井 唱²、小穴 英廣³、今中 忠行⁴、跡見 晴幸⁴、樫本 紀夫¹、吉川 研一² (¹ 名市大院・薬、² 京大院・理、³ 東大院・工、⁴ 京大院・工)

2P304 レーザートラップによるコイル DNA の閉じ込め

市川 正敏 (京大院理)

2P305 目的 DNA 断片取得のためのレーザーアブレーション法の開発

黒澤 修^{1,2}、鷺津 正夫² (¹(株) アドバンス、² 東京大学・工・機械工学)

2P306 フェリチン超分子自己組織化における N 末端残基の影響

慶澤 景子¹、岩堀 健治¹、三島 由美子¹、山下 一郎^{1,2} (¹JST・CREST、² 松下電器 先端研)

2P307 *E. coli* 由来 DNA 結合タンパク質 (Dps) の機能解析

三島 由美子¹、山根 みどり¹、山下 一郎^{1,2} (¹JST・CREST、² 松下電器先端研)

2P308 アポフェリチン空洞内への半導体ナノ粒子の作製

岩堀 健治¹、慶澤 景子¹、山下 一郎^{1,2} (¹JST/CREST、² 松下電器 先端研)

2P309 球状タンパク質フェリチンによるインジウムナノ粒子作製

奥田 充宏¹、山下 一郎²、吉村 英恭¹ (¹ 明大院・基礎理工・物理、² 松下電器・先端研)

2P310 Dps の二次元結晶化

園田 克久¹、奥田 充宏¹、鈴木 一臣¹、慶澤 景子²、山下 一郎²、吉村 英恭¹ (¹ 明治大学物理、² 松下電器先端研)

2P311 完全に均一な鉄コアを有するフェリチンの作製

近藤 哲郎¹、奥田 充宏²、小林 悠作¹、園田 克久¹、吉村 英恭¹ (¹ 明治大学物理、² 科学技術振興事業団)

2P312 蛋白質を用いた酸化鉄ナノ粒子の二次元配列化

小林 悠作¹、奥田 充宏²、近藤 哲郎¹、吉村 英恭¹ (¹ 明治大学物理、² 科学技術振興事業団)

2P313 興奮性・非興奮性細胞を用いた心筋細胞の拍動同期制御

金子 智行、小島 健介、鈴木 郁郎、安田 賢二 (東大院・総合文化)

2P314 アガロース薄層に固定したマイクロビーズ上での細胞培養と選択的細胞回収技術の開発

安西 悠、森口 裕之、服部 明弘、金子 智行、安田 賢二 (東大・院・総合文化)

2P315 培養細胞の形態制御法としてのアガロースゲル微細加工技術の開発

森口 裕之、服部 明弘、金子 智行、安田 賢二 (東大院・総合文化・生命環境)

2P316 微細流路での層流現象と遠心力を利用した細胞環境置換法の開発

折田 一樹、服部 明弘、安田 賢二 (東大・院・総合文化)

2P317 光応答性融合蛋白質の設計と創成

藤本 知志、山崎 洋一、上久保 裕生、今元 泰、片岡 幹雄 (奈良先端大・物質)

2P318 半導体表面におけるタンパク質の触媒活性制御

小田 将人、中山 隆史 (千葉大学理学部物理学科)

2P319 マイクロパターンを用いた *Mycoplasma mobile* の運動方向制御

平塚 祐一¹、宮田 真人^{2,3}、上田 太郎¹ (¹ 産総研・ジーン、² 大市大・院理・生物地球、³ 科技振・さきがけ)

3 日目 (12/15)

蛋白質 C) 物性 (安定性、折れたたみなど)

3P001 アルギニンを用いた新規蛋白質可溶化法とその機構解明

梅津 光央²、津本 浩平¹、新田 茂輝¹、阿尻 雅文²、熊谷 泉¹ (¹ 東北大・院工・バイオ工、² 東北大・多元研)

3P002 解離基の付加による蛋白質の溶解度向上法の開発

加藤 淳¹、黒田 裕²、曾田 邦嗣¹ (¹ 長岡技科大・生物系、² 東京農工大・生命工学)

3P003 テラヘルツ時間領域分光法を用いたアラニルアラニン分子結晶における構造変化の観測

山口 真理子、山本 晃司、谷 正彦、萩行 正憲 (阪大レーザー研)

3P004 AC ミクロカロリメトリーによる蛋白質の熱変性における熱容量の測定 I. Pepsinogen

八尾 晴彦、江間 健司 (東工大院・理工・物性物理)

3P005 合成ペプチドのアルコール誘起変性と溶媒クラスター構造との相関

中村 智、吉田 亨次、李 相男、山口 敏男 (福岡大理)

3P006 デノボデザインペプチドおよびタンパク質のヘリックスに及ぼす圧力効果

竹田 直弘¹、竹清 貴浩¹、奥野 明¹、清水 昭夫²、磯貝 泰弘³、加藤 稔¹、谷口 吉弘¹ (¹ 立命館大・理工、² 創価大・工、³ 理研・生体物理化学)

3P007 コラーゲントリプルヘリックス構造の水和状態の解析

西 義則¹、内山 進^{1,5}、土井 正光²、西内 祐二³、中沢 隆⁴、大久保 忠恭¹、小林 祐次¹ (¹ 阪大院・薬、² 和歌山高専、³ ペプチド研、⁴ 奈良女子大・理、⁵ 阪大院・工)

- 3P008 質量分析法によるポリ-L-グルタミン酸ヘリックスの H/D 交換の研究
山本 竜也¹、泉 俊輔^{1,2}、月向 邦彦² (¹ 広大・QuLiS、² 広大院・理)
- 3P009 変性剤によるポリペプチド鎖のヘリックス-コイル転移の統計力学的解析
新庄 正路¹、Li Jinsong¹、清水 昭夫²、加納 文晶³、松村 義隆¹、寺本 明夫⁴、木原 裕¹ (¹ 関西医大・物理、² 創価大・工学・生命情報工学、³ 昭和大・教養・物理、⁴ 立命館大・理工)
- 3P010 蛋白質のフォールディング・エレメント単体の構造特性
新井 宗仁、巖倉 正寛 (産総研・生物機能)
- 3P011 好熱性水素細菌 *Hydrogenobacter thermophilus* シトクロム *c* の大腸菌での発現と安定性
及川 健太¹、中村 昇太²、高山 真一³、長谷川 淳⁴、小林 祐次²、山本 泰彦³、内山 進⁵、三本木 至宏¹ (¹ 広大院・生物圏、² 阪大院・薬、³ 筑波大・化学、⁴ 第一製薬、⁵ 阪大院・工)
- 3P012 高温性水素細菌 *Hydrogenophilus thermoluteolus* cytochrome *c*-552 の構造と安定性の関係
市来 伸一¹、中村 昇太²、大島 淳²、小林 祐次²、長谷川 淳³、内山 進⁴、西原 宏史⁵、水田 啓子¹、三本木 至宏¹ (¹ 広大院・生物圏、² 阪大院・薬学、³ 第一製薬、⁴ 阪大院・工学、⁵ 茨城大・農)
- 3P013 シトクロム *c* の生合成過程におけるチオール・ジスルフィド酸化還元制御の役割
小島 信祐、山中 優、三本木 至宏 (広大院・生物圏)
- 3P014 *Pseudomonas aeruginosa* のシトクロム *c* 551 とその変異体を用いた蛋白質安定化機構の解明
園山 貴文¹、内山 進²、中村 昇太³、大島 淳³、小林 祐次³、三本木 至宏¹ (¹ 広大院・生物圏、² 阪大院・工、³ 阪大院・薬)
- 3P015 シトクロム *c* の天然状態からモルテングロビュール状態への転移に伴うエンタルピー変化の等温酸滴定熱量測定による直接測定
中村 成芳、城所 俊一 (長岡技科大・生物系)
- 3P016 Cytochrome *c* の二次構造に及ぼす圧力効果
池内 ゆず、奥野 明、谷口 吉弘、加藤 稔 (立命館大・理工)
- 3P017 高圧を利用した還元型シトクロム *c* の折り畳み機構における水分子の寄与の解明
木村 哲就、関山 直孝、坂本 光一、森島 績、石森 浩一郎 (京大院・工)
- 3P018 多孔性ゲルを用いたシトクロム *c* の折れたたみ運動のスローモーション解析
柴山 修哉 (自治医大・生理学・生物物理)
- 3P019 フェムト秒レーザー加工を利用した高速混合装置の改良とシトクロム *c* の折り畳み初期収縮の解明
松本 周三¹、屋根 晃¹、後藤 祐児¹、高橋 聡¹、橋田 昌樹²、藤田 雅之³、中島 聡⁴ (¹ 阪大・蛋白研、² 京大・化研、³ レーザー総研、⁴ 阪大・基礎工)
- 3P020 新規一分子測定を用いたシトクロム *c* の折り畳み転移の研究
木下 雅仁¹、後藤 祐児²、高橋 聡² (¹ 京大院・工・分子工学、² 阪大・蛋白研)
- 3P021 Refolding of src SH3 domain protein by CD-stopped-flow at 4
Li Jinsong¹、Baker David²、木原 裕¹ (¹ 関西医大・物理、² Univ. of Washington)
- 3P022 時分割 IR 分光法を使ったアポミオグロビンのフォールディング中間体におけるヘリックス環境
西口 慎吾、後藤 祐児、高橋 聡 (阪大・蛋白研)
- 3P023 ヘムオキシゲナーゼの折れ畳みにみるオリゴマー形成と初期収縮の意義
鶴澤 尊規¹、木村 哲就¹、高橋 聡²、石森 浩一郎¹、秋山 修志³、藤澤 哲郎³、松井 敏高⁴、齋藤 正男⁴ (¹ 京大院・工、² 阪大・蛋白研、³ 理研・播磨研究所 (SPring-8)、⁴ 東北大)
- 3P024 スタフィロコッカリヌクレアーゼの非天然構造における基質認識機構
鬼塚 正義、上久保 裕生、山崎 洋一、今元 泰、片岡 幹雄 (奈良先端大・物質創成)
- 3P025 超好熱菌由来リボヌクレアーゼ HII の構造安定性に対する活性残基の寄与
向山 厚、古賀 雄一、高野 和文、金谷 茂則 (阪大院・工)
- 3P026 イヌ・ミルク・リゾチームのフォールディングの解析
中尾 正治、榎 互介、桑島 邦博 (東京大・院理・物理)
- 3P027 Molten Globule(MG) 状態イヌミルクリゾチーム (CML) のハイドロキシアパタイトに対する吸着挙動
島本 怜史、相沢 智康、安井 雅範、山本 宏子、出村 誠、新田 勝利、河野 敬一 (北大・理・生物科学)

- 3P028 イヌミルクリゾチームの天然、モルテングロビュール状態における体積挙動
渡部 正博、相沢 智康、出村 誠、新田 勝利 (北大院・理・生物科学)
- 3P029 圧縮率からみた高活性 DHFR 変異体の構造・揺らぎ・機能相関
月向 邦彦¹、神山 匡²、片柳 克夫¹、巖倉 正寛³ (¹ 広大院理、² 近大理工、³ 産総研)
- 3P030 低振動数ラマン分光法によるニワトリ卵白リゾチームの立体構造に及ぼす溶媒効果
野口 博章、谷口 吉弘、加藤 稔 (立命館大・理工)
- 3P031 非天然状態にあるタンパク質の残基特異的 HD 交換反応に対する高濃度変性剤の影響 リゾチーム 0SS 変異体と 2SS 変異体の場合
木村 雅也¹、山崎 向太¹、飯村 哲史¹、野田 康夫¹、橘 秀樹²、瀬川 新一¹ (¹ 関学大・理工、² 神戸大・理)
- 3P032 グリセロールが非天然状態にあるタンパク質に与える影響を残基毎に調べる-リゾチーム 0SS 変異体と 2SS 変異体の相違
山崎 向太¹、木村 雅也¹、野田 康夫¹、橘 秀樹²、瀬川 新一¹ (¹ 関学大・理工、² 神戸大・理)
- 3P033 NMR 検出 HD 交換法によるリゾチーム 2 SS 変異体 [6-127, 64-80] の構造解析
土井 学而¹、山崎 向太²、瀬川 新一²、橘 秀樹¹ (¹ 神戸大・理、² 関西学院大・理工)
- 3P034 質量分析計によるリゾチーム 3SS 変異体の SS 結合再生過程の研究 - 再生過程に対するグリセロールの影響
岡本 邦彦¹、野田 康夫¹、橘 秀樹²、瀬川 新一¹ (¹ 関学大・理工、² 神戸大・理)
- 3P035 ヒトリゾチームの中性子結晶構造解析により観測された局在水素及び水和水による部位特異的ペプチド結合の歪み
千葉 かおり^{1,2}、松井 拓郎³、茶竹 俊行⁴、大原 高志²、Ostermann Andreas⁵、田中 伊知朗⁶、油谷 克英⁷、新村 信雄⁶ (¹ 産総研、生物情報セ、² 原研、中性子利用セ、³ 松下電産 (株)、先端技研、⁴ 千葉科大、薬、⁵ ミュンヘン工大、⁶ 茨城大、工、⁷ 理研、播磨)
- 3P036 プロリン置換によるウマ ラクトグロブリンの非天然状態の構造解析
中川 香奈子、徳島 章仁、山田 好輝、池口 雅道 (創価大・工・生物工)
- 3P037 ウマ γ -lactoglobulin の pH に依存する構造変化
大河内 美和、長嶋 嘉代子、山田 好輝、池口 雅道 (創価大・工)
- 3P038 ウマ ラクトグロブリンの低温変性状態の構造解析
山田 好輝、池口 雅道 (創価大・工学・生物工)
- 3P039 ラクトグロブリンのフォールディングコア形成。ウシとウマの比較。
松村 義隆¹、Li Jinsong²、木原 裕³ (¹ 関西医大 院・生物物理、² 関西医大 院・基礎生命科学、³ 関西医大・物理)
- 3P040 緑色蛍光蛋白質 GFP の酸変性と巻き戻り
榎 佐和子¹、佐伯 喜美子¹、榎 互介¹、伊野部 智由^{1,2}、桑島 邦博^{1,2} (¹ 東大院・理、²CREST, JST)
- 3P041 ヒト α -ラクトアルブミンの遷移状態の構造
佐伯 喜美子、鎌形 清人、桑島 邦博 (東大・理・物理)
- 3P042 γ -ラクトアルブミンのモルテン・グロビュール状態の安定化とフォールディング機構
松浦 篤志¹、水口 峰之¹、鍋島 裕子¹、出村 誠²、新田 勝利²、河野 敬一² (¹ 富山医薬大・薬、² 北大院・理)
- 3P043 アルブミンの熱変性に対する SDS の保護効果
森山 佳子、川阪 佳恵、小林 千洋、竹田 邦雄 (岡山理大工)
- 3P044 タンパク質多糖複合体ムチンの溶液中中性子散乱測定
渡邊 康¹、白石 真人¹、大友 李哉² (¹(独) 食総研・素材・タンパク質、² 高エネ機構・物構研・中性子)
- 3P045 天然状態で中間的構造を形成する腸管出血性大腸菌 O157 タイプ III 分泌系蛋白質 EspB
浜田 大三¹、池上 貴久²、柳原 格¹ (¹ 大阪府立母子センター・免疫部門、² 阪大・蛋白研・プロテオミクス)
- 3P046 顆粒球コロニー形成刺激因子 (G-CSF) の熱変性過程への塩濃度の影響
山崎 勝由^{1,2}、井浦 貴文¹、石川 リカ¹、尾崎 幸洋² (¹ キリンピール (株)・医薬カンパニー・生産技術研究所、² 関西学院大・理工・化学)
- 3P047 超好熱菌由来蛋白質の異常な環境にあるアミノ酸残基のフォールディングと安定性に果たす役割
飯村 哲史¹、小笠原 京子²、野田 康夫¹、瀬川 新一¹、油谷 克英³ (¹ 関学大・理工、² 阪大・蛋白研、³ 理研播磨研究所)
- 3P048 コンカテマー GroES の熱力学的安定性と力学的安定性
坂根 勲^{1,2}、元島 史尋³、本郷 邦広^{1,2}、溝端 知宏^{1,2}、河田 康志^{1,2} (¹ 鳥取大・工・生物、² 鳥取大院・医・機

能再生、³ 東工大・資源研)

3P049 1分子計測から見たヌクレオチドの結合による GroEL の揺らぎ変化

宮崎 拓也¹、奥村 泰章¹、河田 康志²、佐々木 裕次¹ (¹SPring-8/JASRI JST/CREST (Sasaki Team)、² 鳥取大・工・生物応用)

3P050 大腸菌で生産される *Pyrobaculum islandicum* 由来のグルタミン酸脱水素酵素の活性化機構

西川 良美¹、郷田 秀一郎¹、米田 一成¹、櫻庭 春彦¹、津下 英明²、勝沼 信彦²、柊 弓絃³、大島 敏久¹ (¹ 徳島大工・生物工、² 徳島文理大・健康科学研、³ 関西医大・物理)

3P051 ミトコンドリア蛋白質の膜透過反応における局所・全体構造安定性と膜透過速度の関連性の解析

佐藤 健大¹、江崎 雅俊¹、Julio M. Fernandez²、遠藤 斗志也¹ (¹ 名大院理・物質理学・生物化学、² シカゴ大学)

3P052 Photoactive yellow protein における配列情報の理解の試み

白井 久美子、山崎 洋一、上久保 裕生、今元 泰、片岡 幹雄 (奈良先端大・物質)

3P053 大腸菌熱ショック蛋白質 ClpB のシャペロン機能における N ドメインと凝集蛋白質の相互作用の役割

田中 直毅、谷 泰史、服部 洋之、多田 朋子、功刀 滋 (京工織・繊維)

3P054 Stretched-exponential によるアポコンカナバリン A の加熱凝集形成の解析

工藤 基徳¹、白木 賢太郎²、高木 昌宏¹ (¹ 北陸先端大・材料、² 筑波大・物理工)

3P055 天然ポリアミンによるリゾチームの加熱凝集抑制

岡野定 雅弘¹、白木 賢太郎²、高木 昌宏¹ (¹ 先端大院・材料科学、² 筑波大・物理工)

3P056 タウ蛋白リピートドメインの繊維性凝集における陰イオンの寄与

今野 卓¹、老木 成稔¹、長谷川 一浩²、内木 宏延² (¹ 福井大・医・分子生理、² 福井大・医・分子病理)

3P057 2 ミクログロブリンのアミロイド線維形成反応に対する熱力学的解析

山本 香織¹、Jozsef Kardos¹、長谷川 一浩²、内木 宏延²、後藤 祐児¹ (¹ 阪大・蛋白研、² 福井大・医学部)

3P058 SS 結合欠損リゾチームのアミロイド様線維形成反応の解析

瀧沢 岳¹、河野 良平²、大川 敏広²、近藤 淳²、吉住 彩香²、森 由華²、赤坂 一之²、橘 秀樹¹ (¹ 神戸大・理、² 近畿大・生物理工)

3P059 アポミオグロビンのアミロイド凝集体形成過程とガングリオシドの効果

小泉 将治¹、平井 光博¹、井上 勝晶²、三浦 圭子² (¹ 群馬大・工、² JASRI)

3P060 イヌミルクリゾチームの変異体を用いたアミロイド線維形成における部分変性状態の役割の研究

野中 康宏¹、渡部 正博¹、相沢 智康¹、水口 峰之²、出村 誠¹、新田 勝利¹ (¹ 北大院・理・高分子、² 富山医薬大・薬・構造生物)

3P061 部分変性ミオシンサブフラグメント-1 によるアミロイド染色陽性球状構造体の形成

小松 英幸、木森 義隆、中川 裕之、児玉 孝雄 (九州工大・情報工・生命情報)

3P062 高圧 FT-IR 分光法によるインシュリン由来凝集体およびアミロイド線維の構造解析

竹田 直弘¹、前田 良輔¹、阿度 和克¹、堀部 智久²、菊池 正和³、谷口 吉弘¹ (¹ 立命館大・理工、² La Trobe Univ.、³ 立命館大・情報理工)

3P063 酵母プリオン Sup35 の形成するアミロイド線維の多型と溶液条件

岸元 愛子¹、長谷川 和也²、鈴木 博文³、田口 英樹⁴、吉田 賢右^{5,6}、難波 啓一^{1,7} (¹ 阪大院・生命機能、² JASRI・SPring-8、³ BERI、⁴ 東大院・新領域、⁵ 東工大院・資源研、⁶ JST・ERATO・ATP システム、⁷ JST・ICORP・超分子ナノマシン)

3P064 ペプチドのナノファイバーへの自己集合とそのバイオマテリアルとしての利用

清園 真功、田中 修平、向井 泰子、川端 正憲、田村 厚夫 (神大院・自然)

3P065 毛髪タンパクと毛髪のセット保持性向上基剤との相互作用に関する研究

伊藤 隆司¹、野尻 昌良¹、大塚 美和²、中村 浩一¹ (¹ 花王 (株) ヘアケア研、² 花王 (株) 構造解析センター)

3P066 ホメオタンパク質に含まれる共通ドメインホメオボックスの分類と代表構造の決定

鎌足 雄司¹、斉藤 講平¹、泉 顕也¹、金野 大助^{1,2}、中村 安里^{1,3}、阿部 孝政¹、清宮 恭子¹、葛西 卓磨^{1,4}、柘尾 尚哉¹、近山 英輔¹、小柴 生造¹、林 文晶¹、廣田 洋^{1,5}、好田 真由美¹、井上 真¹、矢吹 孝¹、青木 雅昭¹、関 英子¹、寺田 貴帆^{1,6}、白水 美香子^{1,6}、田仲 昭子¹、小原 収^{7,8}、菅野 純夫⁹、関 原明¹、篠崎 一雄¹、林崎 良英¹、川井 悟¹、木川 隆則¹、横山 茂之^{1,4,6} (¹ 理研・GSC、² 東大院・総合文化、³ 東京電機大・理工、⁴ 東大院・理、⁵ 横浜市大院・総理、⁶ 理研・播磨、⁷ 理研・RCAL、⁸ かずさ DNA 研)

3P067 ROKKY : 蛋白質立体構造予測の統合サーバー

金文珍¹、古田忠臣²、朴聖俊⁴、古賀信康³、高田彰二^{2,3} (¹ACT-JST、²神戸大・理、³神戸大院・自然、⁴東工大・総合理工)

3P068 Latest developments in ProTherm: Thermodynamic Database for Proteins and Mutants

Bava Abdulla¹、Gromiha Michael²、上平初穂³、北島浩司¹、皿井明倫¹ (¹九工大・情報工学、²生命情報科学セ、³産総研)

3P069 立体構造予測からタンパク質立体構造構築原理を探る

千見寺浄慈¹、藤墳佳見²、朴聖俊³、高田彰二¹ (¹神戸大・理、²神戸大・自然科学、³東工大・総合理工)

3P070 タンパク質の de novo 立体構造予測: CASP6 における成功と失敗

藤墳佳見¹、千見寺浄慈²、朴聖俊^{2,3}、高田彰二² (¹神戸大院・自然科学、²神戸大・理、³東工大・総合理工)

3P071 分子シャペロン環境を模したタンパク質構造探索法の研究: de novo 立体構造予測に向けて

古田忠臣、高田彰二 (神戸大・理)

3P072 格子モデルによるタンパク質二量体の安定性の解析

中西良樹¹、菊池誠² (¹阪大理、²阪大サイバー)

3P073 ペプチドの状態間遷移における水の役割: Transition Path Sampling の応用

小山洋平¹、遠藤正人²、高野光則² (¹東大院・総合文化、²早大・理工・物理)

3P074 蛋白質の折り畳みにおける疎水クラスタ残基の寄与の解析

松本博希¹、Ismail E. Rozi²、次賀慶太郎¹、関安孝¹、曾田邦嗣¹ (¹長岡技科大・生物系、²Eijkman Inst. Molec. Biol.)

3P075 蛋白質の部分比容に対する水和水の寄与

関安孝、曾田邦嗣 (長岡技科大・生物系)

3P076 蛋白分子内部の水素結合の統計解析

椎名智史、原徹明、関安孝、森一樹、曾田邦嗣 (長岡技科大・生物系)

3P077 補償溶質エクトインによるタンパク質第一水和層の水分子滞在時間の増加

優乙石^{1,2}、長岡正隆¹ (¹名大院情報科学、²科学技術振興機構)

3P078 分子動力学計算による水素結合場と低温 X 線結晶構造解析による結晶水の位置の相関

横溝剛¹、中迫雅由¹、肥後順一^{2,3} (¹慶應大・物理、²東薬大・生命、³JST, BIRD)

3P079 タンパク質の折れ畳みに伴う水の並進エントロピーの増加

原野雄一、木下正弘 (京大・エネルギー理工)

3P080 蛋白質の水和熱力学: 3D-RISM 理論によるアプローチ

今井隆志¹、KOVALENKO Andriy²、平田文男³ (¹立命館大・情報理工、²アルバータ大・NINT、³分子研)

3P081 格子タンパク質におけるアミノ酸置換による熱力学量の変化

安部晴男¹、輪湖博² (¹西日本工大・教養、²早大・社会科学)

3P082 生体高分子の構造転移キネティクスにおける Ruggedness による反応加速効果

下野昌宣¹、小松崎民樹² (¹東大・新領域、²神大・地球惑星)

3P083 Protein G のアンフォールディング過程におけるモジュール構造の保存

高橋健一、郷通子 (長浜バイオ大・バイオサイエンス)

3P084 α -ヘアピンを形成する G-peptide の水中のシミュレーションの構造解析

依田隆夫¹、杉田有治²、岡本祐幸^{3,4} (¹長浜バイオ大、²東大・分生研、³分子研、⁴総研大)

3P085 Generalized Born energy の検証: レプリカ交換 MD 法による様々なペプチドの構造サンプリング

亀田倫史 (産総研・CBRC)

3P086 α / β / γ タンパク質のダイナミカル構造形成シミュレーション

佐々木尚¹、笹井理生² (¹名大院・人情、²名大院・情報科学)

3P087 リゾチーム立体構造の安定性に対する S-S 結合欠損の影響を分子動力学計算で予測する C64-C80 欠損体と C76-C94 欠損体の相違

福塚啓二郎¹、岡田興昌²、瀬川新一¹ (¹関学大・理工、²富士ゼロックス・光システム事業開発部)

3P088 分子動力学シミュレーションと実験手法を組み合わせた $(\beta/\alpha)_8$ バレルタンパク質のフォールディング・変性機構の解析

赤沼哲史^{1,2}、宮川博夫^{2,3}、北村一泰^{2,3}、山岸明彦^{1,2} (¹東薬大・生命、²JST・BIRD、³大正製薬)

- 3P089 SH3 ドメインの移状態で見られるエンタルピーバリア：電荷ゼロ全原子モデルでのシミュレーション
三友 大輔^{1,2}、丸山 慶一郎^{1,2}、肥後 順一^{1,2} (¹東京薬科・生命科学、²BIRD, JST)
- 3P090 アデニル酸キナーゼの基質結合に伴う構造変化ダイナミクス
淵上 壮太郎、池口 満徳、木寺 詔紀 (横浜市大院・総合理学)
- 3P091 カルシウムポンプと脂質二重膜の相互作用
杉田 有治¹、池口 満徳²、木寺 詔紀²、豊島 近¹ (¹東大・分生研、²横浜市大・総合理学)
- 3P092 SMP 並列コンピュータを用いたブラウン動力学法によるタンパク質折り畳みの長時間シミュレーション
安藤 格士、山登 一郎 (東理大)
- 3P093 タンパク質のフォールディング軌道の系統樹が明らかにした天然構造へのパスウェイ
太田 元規¹、池口 満徳²、木寺 詔紀² (¹東工大・学国情センター、²横市大・院・総理)
- 3P094 Steered MD 法を用いた蛋白質の大きな構造変化を伴うリガンドー蛋白質ドッキング
巽 理恵¹、中村 春木^{2,3} (¹JBIC・生物情報解析研究センター、²産総研・生物情報解析研究センター、³阪大・蛋白質研)
- 3P095 Multiple Go Model によるタンパク質の大規模な構造変化の解析
岡崎 圭一、古賀 信康、高田 彰二 (神戸大院・自然科学)
- 3P096 Multi-overlap MD シミュレーションによるペプチドの自由エネルギー地形の研究
伊藤 暁¹、岡本 祐幸^{1,2} (¹総研大、²分子研)
- 3P097 タンパク質構造トポロジー形成における局所安定構造の役割：分子動力学シミュレーション
古賀 信康¹、千見寺 浄慈²、高田 彰二² (¹神戸大院・自然科学、²神戸大・理)
- 3P098 非干渉性弾性中性子散乱プロファイルと蛋白質ダイナミクスの相関
徳久 淳師^{1,2}、城地 保昌⁴、上久保 裕生¹、中川 洋³、北尾 彰朗⁴、片岡 幹雄¹ (¹奈良先端大・物質、²原研・RGBF、³奈良先端大・情報、⁴東大・分生研)
- 3P099 分子動力学シミュレーションによる蛋白質の体積揺らぎ動力学
森 一樹、山田 豊、関 安孝、 曾田 邦嗣 (長岡技科大・生物系)
- 3P100 分子動力学シミュレーションによる高圧 NMR 実験の理論的解析
橋本 正典¹、笹井 理生² (¹名大院・人情、²名大院・情報科学・複雑系科学)

蛋白質 F) 蛋白質工学 / 進化工学

- 3P101 N 末端側にリンカーを持つ in vitro virus の開発
上野 真吾、深石 圭、新井 秀直、鈴木 美穂、伏見 譲 (埼玉大・工)
- 3P102 Protein synthesis on bead using in vitro virus: Can immobilized mRNA enhance the translation and folding of protein?
Biyani Manish¹、伏見 譲^{1,2}、根本 直人^{1,3} (¹埼玉バイオ / 埼玉県中小企業振興公社、²埼玉大・工、³産総研・ベンチャー開発戦略研究センター)
- 3P103 In vitro virus を用いた固相上での遺伝子発現
山口 淳一^{1,2,4}、佐々木 亨³、白鳥 美和³、船津 高志²、 根本 直人^{1,3,4} (¹埼玉バイオ/埼玉県中小企業振興公社、²早稲田大・生命理工、³ジェンコム、⁴バイオビジョン・キャピタル)
- 3P104 コード付きペプチドライブラリー (ペプチド *in-vitro-virus*) の作成とプロテアーゼ活性阻害ペプチドの進化的創生
北村 幸一郎¹、木下 保則²、吉田 昼也²、高橋 陽子¹、根本 直人^{1,3}、山本 健二^{1,4}、西垣 功一^{1,2} (¹埼玉バイオ / 埼玉県中小企業振興公社、²埼玉大・工、³産総研・ベンチャー開発戦略研究センター、⁴九大院・歯)
- 3P105 ペプチドブロック欠失・挿入ライブラリーの作成-構造機能相関の研究
吉田 昼也¹、北村 幸一郎²、西垣 功一^{1,2} (¹埼玉大・工・機能、²埼玉バイオ/埼玉県中小企業振興公社)
- 3P106 イーストディスプレイ法を用いたモノクローナル抗体作製法の開発
中川 将利、岡谷 理恵子、東 隆親 (東京理科大・生命研)
- 3P107 抗体ミメティック型人工タンパク質の設計
鈴木 博人^{1,2}、小中原 猛雄¹、森井 尚之² (¹東理大院・理工、²産総研・生物機能)
- 3P108 進化分子工学による subtilisin の低温高機能化
川端 正憲、森本 さゆり、田村 厚夫 (神戸大院・自然科学)

- 3P109 単層 シートに基づく安定な シートペプチドのデザイン
岡本 英嗣、笹川 拓明、中川 とも子、田村 厚夫 (神戸大院・自然)
- 3P110 フェニルアセトアルデヒド還元酵素の高濃度 2-propanol 存在下での基質変換能の改良
牧野 祥嗣、大川 徹、伊藤 伸哉 (富山県大工・生工研セ)
- 3P111 二次構造単位で入れ換えたバルナーゼ変異体の構造形成能、酵素活性、および相互作用
辻 融、柳川 弘志 (慶應大・院理工・生命情報)
- 3P112 球状タンパク質とチューブ状タンパク質を組み合わせた超分子構造体の構築
杉本 健二¹、金丸 周司³、有坂 文雄³、山下一郎^{1,2} (¹JST・CREST、²松下電器・先端研、³東工大・生命理工)
- 3P113 バクテリオフェリチンの2次元結晶の作製と観察
野口 幹、高崎 優香、武田 茂樹 (群大院・ナノ材料)
- 3P114 人工 Cro の溶液構造
磯貝 泰弘¹、伊藤 隆¹、池谷 鉄兵²、太田 元規³ (¹理研・生体金属科学、²産総研・生命情報科学研究センター、³東工大・学術国際情報センター)
- 3P115 二次構造帰属法 ProSSA と蛋白質 CD スペクトルとの相関
小副川 博也、阿南 敬三、金光 和保、大内 将吉 (九工大・情報工・生命情報)
- 3P116 二次構造帰属法 ProSSA とプロテアーゼ切断配列との相関
黄 磊、小副川 博也、金光 和保、大内 将吉 (九工大・情報工・生命情報)
- 3P117 プロペラ構造ホスホトリエステラーゼの発現と二次構造解析
平野 信二、阿部 真樹子、大内 将吉 (九工大・情報工・生命情報)
- 3P118 全原子モデルを用いた新規タンパク質デザインシステムの開発と構造デザインへの応用
伊藤 英夫¹、高田 彰二² (¹神戸大院・自然科学、²神戸大・理)
- 3P119 境界要素法を用いた Avian Pancreatic Polypeptide のボルンエネルギー計算
川上 健、岩永 孝司、高崎 隆行、入佐 正幸 (九工大・情報工)
- 3P120 ナノセカンド MD でタンパク質構造安定性の片鱗を伺い知る
村山 真一¹、森 透¹、西垣 功一^{1,2} (¹埼玉大・工・機能、²埼玉バイオ / 埼玉県中小企業振興公社)
- 3P121 蛋白質内のキャビティー: その検出方法と異種生物間での保存
中井 佐智子、松村 直樹、赤坂 一之 (近大・生物理工・生物工)
- 3P122 タンパク質におけるイオウ原子の新機能: S...O相互作用の進化的保存性の解析
岩岡 道夫、五十棲 規嘉 (東海大・理・化)
- 3P123 タンパク質モジュールとイントロンとの関係再考
野坂 通子、熊本 太郎、NGAHU Antony (佐世保高専・物質工学科)

分子モーター

- 3P124 エネルギー障壁の自律的調節による左右対称性の崩壊と方向性運動の実現
中川 尚子¹、小松 輝久² (¹茨城大理、²学習院大理)
- 3P125 フラッシュイングラチェットの不等式 (易動度でなく微分易動度を測る重要性)
林 久美子¹、佐々 真一¹ (¹東大総合文化、²東大総合文化)
- 3P126 協同性がもたらすブラウンモーターの自律性
江崎 誠治¹、石井 由晴²、柳田 敏雄^{1,2} (¹阪大院・生命機能・ナノ生体、²科技振・ソフトナノマシン)
- 3P127 分子モーターの非平衡熱力学 - 現象論的エネルギー論によるアプローチ
原田 崇広 (京大院・理)
- 3P128 相関する揺らぎによる双方向自由エネルギー変換のモデル
宗行 英朗 (東工大・資源研)
- 3P129 ミオシン分子の弾性的アロステリック効果に関する動力学計算
阿部 彰芳、高野 光則 (早大・理工・物理)
- 3P130 アクトミオシンの粗視化モデルによる分子動力学計算 II
寺田 智樹、笹井 理生 (名大院・情報科学・複雑系)
- 3P131 A preferential landing model for processive 5.5nm steps of myosin-II
Kazuo Kitamura¹、Makio Tokunaga²、Atsuko Hikikoshi Iwane¹、Toshio Yanagida^{1,3} (¹Osaka Univ.、²National Institute of Genetics、³JST)

- 3P132 ミオシン分子の ATPase ポケットに与えた擾乱によってモータードメイン内に原子集団運動が発生する過程についての分子動力学シミュレーション
川久保 達之¹、岡田 興昌²、南 知之³ (¹ 桐蔭横浜大・工、² 富士ゼロックス、³ 富士写真フィルム)
- 3P133 ミオシンモータードメインの構造緩和シミュレーション
高城 史子¹、菊池 誠² (¹ 科技団 CREST、² 阪大サイバー)
- 3P134 リアリスティックな格子モデルによるチューブリンの自由エネルギー構造
検崎 博生¹、菊池 誠² (¹ 阪大院・理、² 阪大・サイバー)
- 3P135 化学機関としての回転分子モーターの理論モデル
佐々木 一夫、伊藤 裕 (東北大院・工・応用物理)
- 3P136 ATP 合成酵素の結晶化
白木原 康雄¹、白鳥 綾¹、村上 聡²、鈴木 俊治³、吉田 賢右³ (¹ 遺伝研、² 阪大産研、³ 東工大生命理学)
- 3P137 好熱菌 F₁-ATPase サブユニットの X 線結晶構造解析
梶原 暢元¹、田中 英明¹、八木 宏昌¹、月原 富武¹、山田 康之²、吉田 賢右³、阿久津 秀雄¹ (¹ 阪大・蛋白研、² 立教大・理、³ 東工大・資源研)
- 3P138 区分標識と残余双極子相互作用を組み合わせた H⁺-ATPase サブユニットの構造解析
八木 宏昌¹、辻本 拓哉¹、山崎 俊夫²、吉田 賢右³、阿久津 秀雄¹ (¹ 阪大・蛋白研、² 理研・GSC、³ 東工大・資源研)
- 3P139 V₁-ATPase のステップ回転
今村 博臣¹、舟本 冴子¹、吉田 賢右^{1,2}、横山 謙¹ (¹ JST・ERATO・ATP システム、² 東工大・資源研)
- 3P140 1 分子 FRET 法により明らかにされた F_oF₁-ATP 合成酵素 サブユニットの構造状態
飯野 亮太^{1,2}、鈴木 俊治^{1,2}、吉田 賢右^{1,2} (¹ 科技振・ERATO、² 東工大・資源研)
- 3P141 Rotation and hydrolysis activities of F₁-ATPase with subunit truncations
Mohammad Delawar Hossain^{1,2,3}、古池 晶¹、牧 泰史¹、足立 健吾¹、Md. Yusuf Ali²、Mominul Huq³、木下一彦¹ (¹ 岡崎統合バイオ、² Shahjalal Univ. of Science and Technology、³ Bangladesh Univ. of Engineering and Technology)
- 3P142 F₁-ATPase における ATP 結合定数の角度依存性
榊原 昇一、野地 博行 (東大・生研)
- 3P143 1 分子 F₁ で計測した高効率の ATP 合成
Rondelez Yannick¹、中嶋 貴子²、Tresset Guillaume¹、山田 康之³、藤田 博之⁴、竹内 昌治⁴、野地 博行² (¹ 東大・生産研・LIMMS/CNRS、² 東大・生産研、³ 立教大・生物、⁴ 東大・生産研・CIRMM)
- 3P144 F₁ モーターに結合した基質の加水分解速度は サブユニットの角度に依存する
渡邊 力也¹、島袋 勝弥²、吉田 賢右²、野地 博行¹ (¹ 東大 生産研、² 東工大・資源研)
- 3P145 極低 ATP 濃度における F₁-ATPase の回転とトルク
榊 直由^{1,2}、下-昆 理恵子¹、伊藤 博康^{3,4}、足立 健吾¹、宗行 英朗⁵、吉田 賢右^{5,6}、木下一彦¹ (¹ 岡崎統合バイオ、² 総研大・物理・機能分子、³ 浜松ホトニクス・筑波研究所、⁴ JST・CREST、⁵ 東工大・資源研、⁶ JST・ERATO)
- 3P146 F₁-ATPase の回転運動の温度依存性 (2)
古池 晶¹、榊 直由¹、足立 健吾¹、伊藤 博康^{2,3}、下-昆 理恵子¹、吉田 賢右⁴、木下一彦¹ (¹ 岡崎統合バイオ、² 浜松ホトニクス・筑波研究所、³ 科技振ソフトナノマシン、⁴ 東工大・資源研)
- 3P147 NC 変異を導入した F₁-ATPase のヌクレオチド結合数と ATPase 加水分解活性
下-昆 理恵子¹、宗行 英朗²、榊 直由¹、足立 健吾¹、古池 晶¹、伊藤 博康^{3,4}、井合 健太郎²、吉田 賢右²、木下一彦¹ (¹ 岡崎統合バイオ、² 東工大・資源研、³ 浜ホト・筑波研究所、⁴ 科技団・CREST)
- 3P148 F₁-ATPase 変異体の 1 分子回転観察: ATP-binding dwell の長さが catalytic dwell に与える影響
島袋 勝弥¹、宗行 英朗²、吉田 賢右^{1,2} (¹ 科技機構・ERATO 吉田プロジェクト、² 東工大・資源研・生物資源)
- 3P149 F₁-ATPase の回転と ATP 結合・解離のメカニズム
足立 健吾¹、西坂 崇之²、島袋 勝弥³、野地 博行⁴、伊藤 博康⁵、大岩 和弘⁶、吉田 賢右^{3,7}、木下一彦¹ (¹ 岡崎統合バイオ、² 学習院・理、³ ERATO"ATP System"、⁴ 東大・生産研、⁵ 浜松ホトニクス&CREST、⁶ 関西先端研究センター、⁷ 東工大・資源研)

3P150 ヌクレオチド非結合型 F₁-ATPase のポテンシャル測定

原 陽子、黒田 綾、野地 博行 (東大 生産研)

3P151 1分子を見ながら力学計測する

西川 宗¹、西川 正俊²、Martin Zulliger³、岩根 敦子³、柳田 敏雄^{1,3} (¹CREST・ソフトナノマシン、² 阪大院・基礎工、³ 阪大院・生命機能)

3P152 蛍光性 CdSe ナノ粒子を用いたモータータンパク質の無負荷・高精度の運動解析法の開発

佐藤 崇¹、渡辺 朋信²、樋口 秀男^{2,3} (¹ 東北大・材料システム、² 東北大・先進医工、³ 東北大・学際センター)

3P153 量子ドットを用いたミオシンVの高分解能蛍光観察系の開発

田中 祐介、木下 達也、小出 博史、安藤 敏夫 (金沢大院・自然科学)

3P154 ミオシンVの足を見る

城口 克之、木下 一彦 (岡崎統合バイオ)

3P155 Motility of myosin-V regulated by dissociation of single calmodulin molecules

Nguyen Hoa Anh^{1,3}、樋口 秀男^{2,3} (¹ 東北大院・農、² 東北大・先進医工、³ 東北大・学際センター)

3P156 Ca²⁺ 存在下でのミオシン V の 1 分子観察

小出 博史、木下 達也、田中 祐介、安藤 敏夫 (金沢大院・自然科学)

3P157 単頭脳ミオシン V から再構成した擬似 HMM の運動

木下 達也、小出 博史、田中 祐介、安藤 敏夫 (金沢大院・自然科学)

3P158 Subtilisin 処理アクチン線維上でのミオシン V のプロセッシブ運動

久保田 寛顕、石渡 信一 (早大院・生命理工)

3P159 ミオシン V ・アクチン間相互作用の 1 分子顕微解析

小口 祐伴¹、石渡 信一^{1,2} (¹ 早大・理工・生命理工、² 物理)

3P160 電子分光クライオ電子顕微鏡法を用いたミオシン VI のリガンド依存構造変化の検出

狩野 要介¹、佐藤 治²、本間 和明²、池辺 礼子²、植山 崇¹、池辺 光男²、安永 卓生¹ (¹ 九工大院・情報工・情報科学、² Univ. of Massachusetts Medical School)

3P161 単頭ミオシン VI への Cargo の結合が運動の連続性を制御する

岩城 光宏^{1,4}、片山 栄作²、池辺 光男³、柳田 敏雄^{1,4} (¹ 阪大院・基礎工・機能創成、² 東大・医科研・分子構造解析、³ Univ. of Massachusetts Medical school、⁴ 阪大院・生命機能)

3P162 軽鎖カルモジュリンは高等植物ミオシン (myosin XI) の大きな 35nm ステップに重要である

富永 基樹¹、小嶋 寛明¹、横田 悦雄²、中森 鈴奈¹、倉富 敏史³、新免 輝男²、大岩 和弘^{1,2} (¹ 関西先端研究センター・生体物性、² 兵庫県立大院・生命理学・生命、³ 長岡技科大院・生物機能)

3P163 シロイヌナズナミオシン MYA1 の運動活性と酵素活性の解析

八久保 有、伊藤 光二、山本 啓一 (千葉大院・自然科学)

3P164 粘菌ミオシン上を滑るアクチン繊維の AMP-PNP 存在下の運動とゆらぎ

坂牧 潤一、羽鳥 晋由、今井 栄一、本多 元、松野 孝一郎 (長岡技科大・生物)

3P165 最速モーター蛋白質の車軸藻ミオシンはアクチンとの結合時間が短い

伊藤 光二¹、櫻山 拓²、須藤 和夫³、山本 啓一¹ (¹ 千葉大・理・生物、² 順天堂大・医・薬理、³ 東大院・総合文化・生命)

3P166 人工ネック領域を持つ単頭車軸藻ミオシンの一分子運動解析

小嶋 寛明¹、伊藤 光二²、木村 成輝¹、山本 啓一²、大岩 和弘¹ (¹ 情報通信研究機構・生体物性、² 千葉大・理・生物)

3P167 車軸藻ミオシンの 1 分子力学測定

- プロセッシブ運動の検討 -

野瀬 宏¹、町山 裕亮²、石島 秋彦^{1,3} (¹ 名大院・工・応用物理、² 名大院・医・細胞生物物理、³ 科技振、さがけ 21)

3P168 化学架橋したアクトミオシン複合体の ATP 分解中の立体構造解析

片山 栄作¹、野中 和哉²、梅木 伸久^{3,4}、吉沢 強志³、小口 洋介²、木森 義隆¹、丸田 晋策³、馬場 則男² (¹ 東大・医科研・分子構造解析、² 工学院大・電気工学、³ 創価大・院・生物工学、⁴ 新潟大・院・自然科学、⁵ 創価大・院・生物工学)

- 3P169 GFP 融合 HMM を用いたアクチン-ミオシン協同的結合の解析
伊知地 香奈¹、黒木 梨加¹、上田 太郎²、徳楽 清孝¹ (¹ 都城高専・物質工、² 産総研・ジーン)
- 3P170 フォトクロミック分子による平滑筋ミオシン ATPase 活性の光制御
山田 正文、丸田 晋策 (創価大・院・生物工学専攻)
- 3P171 ミオシンによるアクチン線維束の伸縮や屈曲運動
滝口 金吾、滝口 陽子 (名大院・理学)
- 3P172 微小管 キネシン間の運動速度を制御する MAP4 アイソフォーム
野口 太郎¹、松島 一幸²、小谷 享²、徳楽 清孝¹ (¹ 都城高専・物質工、² 九工大・情報工)
- 3P173 キネシンヘテロダイマーの運動速度と、キネシン頭部の速い結合解離による「ホッピング」
今福 泰浩¹、トーマス ニール²、太和田 勝久¹ (¹ 九大院・理・生物、² 英国バーミンガム大・物理)
- 3P174 Kinesin thick filament を横切る微小管の滑り運動；速度の角度非依存性
田場 登志希¹、枝松 正樹²、豊島 陽子²、鳥羽 栞²、山田 章³、今福 泰浩¹、太和田 勝久¹ (¹ 九大院・理・生物、² 東大院・総合文化・生命、³ 情報通信研・関西・生体物性)
- 3P175 unc104 キネーシンのコイルドコイル領域の二量化解析
清水 洋輔^{1,2}、森井 尚之² (¹ 筑波大・数理物質、² 産総研・生物機能)
- 3P176 歩行中のキネシン分子内部での構造変化の一分子観察
富重 道雄¹、Nico Stuurman²、Ronald D. Vale² (¹ 東大院・工学系・物理工学、² UCSF・HHMI)
- 3P177 チューブリン Helix12 はキネシンの運動にどのように関与しているか？
内村 誠一^{1,2}、香月 美穂¹、川口 友彰^{1,3}、白井 健郎⁴、長田 裕之⁴、武藤 悦子¹ (¹ 理研・BSI、² 九工大・情報工、³ 長岡技大・生物系、⁴ 理研・抗生物質)
- 3P178 スピンラベル ESR によるキネシンダイマーの 2 つのネックリンカー変位の検出
菅田 和法¹、楠原 寛子¹、中村 志芳¹、植木 正二¹、Fajer Peter G.²、荒田 敏昭¹ (¹ 阪大院・理・生物科学、² フロリダ州立大)
- 3P179 キネシンファミリー分子モーター Kar3 と微小管の複合体の立体構造研究
広瀬 恵子¹、秋丸 恵理佳¹、Endow Sharyn²、Amos Linda³ (¹ 産総研・GFRC、² デューク大、³ MRC・LMB)
- 3P180 高等植物イネキネシンに存在する特徴的ループの構造変化の解析
梅木 伸久¹、中山 義久²、大堀 美智子²、山田 正文²、近藤 和典²、三ツ井 敏明¹、丸田 晋策² (¹ 新潟大院・自然科学、² 創価大院・工・生物工学)
- 3P181 線虫キネシン unc-116 モータードメインの蛍光プローブを用いた生化学的性質の解析
中山 義久、梅木 伸久、近藤 和典、丸田 晋策 (創価大学院・工学研究科)
- 3P182 キネシンの機能部位へのフォトクロミック分子の導入と活性の光制御
大堀 美智子、中嶋 由希、多田 博子、近藤 和典、丸田 晋策 (創価大・工学・生物工学)
- 3P183 特徴的ループ L5 に変異を与えたキネシンの性質
多田 博子、近藤 和典、丸田 晋策 (創価大院・工・生物工学)
- 3P184 超分子側鎖による微小管の機能化とキネシン基板上での運動評価
加藤 和明、後藤 理恵、加藤 薫、古沢 清孝、芝上 基成 (産総研)
- 3P185 単頭キネシンモーター複数分子の振動運動
亀井 敬¹、樋口 秀男^{2,3} (¹ 東北大院・工学系・金属工学、² 東北大・先進医工、³ 東北大・学際センター)
- 3P186 ステリックエントロピー障壁がキネシンのステップ運動の方向性を決める
谷口 雄一¹、西山 雅祥²、石井 由晴³、柳田 敏雄^{3,4} (¹ 阪大院・基礎工・機能創成、² 京大院・理・化学、³ CREST・JST、⁴ 阪大院・生命機能)
- 3P187 電子分光クライオ電子顕微鏡法を用いた細胞質ダイニン重鎖の三次元再構成へ向けて
齊藤 良¹、昆 隆英²、大倉 玲子²、西浦 昌哉²、植山 崇¹、須藤 和夫²、安永 卓生³ (¹ 九工大院・情報工・情報科学、² 東大・総合文化・生命環境、³ 九工大・情報工・生命)
- 3P188 ダイニンストークとキネシンの微小管結合様式の共同性
水野 直子^{1,2}、豊島 陽子¹、吉川 雅英² (¹ 東大院・総合文化、² テキサス大学サウスウエスタンメディカルセンター)
- 3P189 蛍光エネルギー移動 (FRET) 法を用いた、細胞質ダイニンシステムのスイングの検出
最上 聡文¹、昆 隆英¹、伊藤 光二²、大倉 玲子¹、須藤 和夫¹ (¹ 東大院・総合文化・生命環境、² 千葉大・理・

生物)

3P190 細胞質ダイニンの潜在的な機能を有する複数の ATP 加水分解部位について

高橋 良典、枝松 正樹、豊島 陽子 (東大院・総合文化・生命)

3P191 細胞質ダイニンストークと微小管の相互作用

廣田 健介、枝松 正樹、豊島 陽子 (東大院・総合文化・生命)

3P192 細胞質ダイニンの最小モーター領域

西浦 昌哉、昆 隆英、大倉 玲子、須藤 和夫 (東大院・総合文化・生命)

3P193 LIS1、Nudel タンパク質は細胞質ダイニンのモーター活性を協調して制御する

鳥羽 栞¹、豊岡 和人²、広常 真治²、豊島 陽子¹ (¹ 東京大・院・総合文化・生命環境科学、² 大阪市大・医・細胞機能制御)

3P194 変異細胞質ダイニンを用いた AAA1、AAA3 モジュールの機能解析

今村 謙士、昆 隆英、大倉 玲子、須藤 和夫 (東大院・総合文化・生命環境)

3P195 単量体細胞質ダイニン重鎖の連続運動性

島 知弘、昆 隆英、大倉 玲子、須藤 和夫 (東大院・総合文化・生命環境)

3P196 軸系ダイニンの微小管すべり運動に対する ADP 安定結合の役割

井上 裕一¹、大岩 和弘²、真行寺 千佳子¹ (¹ 東大院・理学系・生物科学、² 通総研・生体物性)

3P197 in vitro 運動アッセイ系を用いたクラミドモナス鞭毛ダイニン亜種 f の力学特性の評価

小谷 則遠¹、坂井 由佳子²、小嶋 寛明²、大岩 和弘^{1,2}、榊原 斉² (¹ 兵庫県立大学院 院理 生命、² 関西先端研 生体物性)

3P198 クラミドモナス鞭毛内腕ダイニン c の微小管の負電荷領域から受ける影響および微小管に沿った一次元ブラウン運動

菊本 真人、中森 鈴奈、榊原 斉、大岩 和弘 (情報通信研究機構・関西・生体物性)

3P199 原子間力顕微鏡によるウニ精子鞭毛の長さ方向に沿った弾性分布の測定

国岡 由紀¹、浜崎 淳¹、上村 慎治²、山田 武範¹ (¹ 東京理科大・理・物理、² 東大・総合文化・生命環境)

3P200 X線回折によるウニ精子ベン毛軸系構造の解析

上村 慎治¹、若山 純一^{2,3}、田村 巧^{2,3}、藤澤 哲郎²、岩本 裕之³ (¹ 東大・総合文化・生命環境、² 理研播磨・構造生物化学、³ Spring-8・JASRI)

3P201 マイコプラズマ滑走運動における固形物への結合を担うタンパク質、Gli349 の分子形態

アダン 純¹、上野山 敦子¹、宮田 真人^{1,2} (¹ 大阪市大・院理・生物地球、² 科学技術振興機構・さきがけ)

3P202 マイコプラズマのトリトンモデル作製と、滑走運動エネルギー源の同定

上野山 敦子¹、宮田 真人^{1,2} (¹ 大市大・院理・生物地球、² PRESTO・JST)

3P203 マイコプラズマの滑走運動時における結合対象の同定

永井 良一郎¹、宮田 真人^{1,2} (¹ 大市大・院理・生物地球、² PRESTO・JST)

3P204 細菌べん毛モーター低速回転時のステップ検出

曾和 義幸¹、Alexander Rowe²、薬師 寿治³、本間 道夫³、Richard Berry²、石島 秋彦^{1,4} (¹ 名大院・工、² Oxford 大・物理、³ 名大院・理、⁴ 科技振・さきがけ 21)

3P205 大腸菌べん毛モーター P-リングタンパク質 FlgI に形成される分子内ジスルフィド結合の解析

檜作 洋平、薬師 寿治、川岸 郁朗、本間 道夫 (名大院・理・生命)

3P206 Na⁺ 駆動型べん毛モータータンパク質 PomA の細胞質領域の過剰発現と精製

薬師 寿治、高清水 一慶、本間 道夫 (名大院・理・生命理学)

3P207 Na⁺ 駆動型べん毛モーター固定子タンパク質 PomA と PomB のモーターへの組み込み過程

福岡 創、楠本 晃子、薬師 寿治、本間 道夫 (名大院・理・生命理学)

3P208 X 線結晶構造解析を目指したナトリウム駆動型べん毛モータータンパク質 MotY の精製と結晶化

篠原 明梨¹、佐久間 麻由子²、薬師 寿治^{1,2}、今田 勝巳³、本間 道夫^{1,2} (¹ JST・CREST、² 名大院・理・生命理学、³ 阪大・院・生命機能)

3P209 *Vibrio alginolyticus* における FlhF と FlhG による極べん毛数制御

楠本 晃子¹、神坂 健司²、寺島 浩行¹、篠原 明梨¹、薬師 寿治¹、本間 道夫¹ (¹ 名大・理・生命理学、² 名市大・システム情報科学・生体情報)

3P210 ビブリオ菌 Na⁺ 駆動型べん毛モーターの精製

寺島 浩行¹、薬師 寿治¹、神戸 正臣²、相澤 慎一²、本間 道夫¹ (¹ 名大院・理・生命、²CREST)

化学受容

3P211 酸素センサータンパク質 FixL の自己リン酸化反応と二量体化の関連

田中 敦成^{1,2}、中村 寛夫^{1,2}、城 宜嗣² (¹ 横浜市大院・総合理、² 理研・播磨)

3P212 アメフラシ摂食、吐き出し応答を誘発する海藻アミノ酸成分の探索

藤本 季世¹、衣川 亜衣子²、長濱 辰文³ (¹ 神戸大、理、生物、² 神戸大院、自然、生命科学、³ 東邦大、薬、物理)

3P213 化学刺激に対する大腸菌アスパラギン受容体の分子ダイナミクスと運動ダイナミクスの 1 細胞計測

井之上 一平¹、塩見 大輔²、川岸 郁朗³、安田 賢二¹ (¹ 東大院・総合文化、² University of Texas Medical School、³ 名古屋大院・理)

3P214 イモリ嗅上皮からのリポカリンファミリー遺伝子のクローニングと発現部位の特定

浦野 和雄¹、岡野 恵子²、竹内 義和¹、高橋 司¹、中村 整²、澤田 研¹、岩佐 達郎¹ (¹ 室蘭工大・材料物性、² 電通大・量子物質)

3P215 アカハライモリ嗅覚受容体遺伝子のクローニング

高島 大貴¹、澤田 研¹、中村 整²、岩佐 達郎¹ (¹ 室蘭工大・材料物性、² 電通大・量子物質)

神経・感覚 (細胞・膜蛋白・分子)

3P216 corticosterone がミトコンドリアの電子伝達系に及ぼす直接作用

市川 文登、寺谷 俊昭、青地 桂、太田 善浩 (農工大・工・生命工)

3P217 ラット脳海馬におけるニューロステロイドのシナプスへの効果の電気生理学的解析

大石 悠貴^{1,2}、北條 泰嗣²、小松崎 良将^{2,3}、園木 康大^{2,3}、中嶋 浩平^{2,3}、中西 広典^{1,2}、木本 哲也^{2,3}、川戸 佳^{2,3} (¹ 東大院・理学系・物理、²CREST・JST、³ 東大院・総合文化)

3P218 最隣接熱力学計算法により最適化したプライマーを用いた新規神経調節因子である脳ニューロステロイド合成酵素の網羅的発現解析

石井 寛高^{1,2,3}、園木 康大^{2,3}、古川 愛造^{3,4}、北條 泰嗣³、川戸 佳^{1,2,3} (¹ 東大院・理学系・生物物理、² 東大院・総合文化・生命環境、³CREST・JST、⁴ 国立療養所久里浜病院)

3P219 海馬神経スパインのストレスホルモンによる急性的形態変化

小松崎 良将^{1,2,3}、北條 泰嗣^{2,3}、園木 康大^{2,3}、大石 悠貴^{3,4}、川戸 佳^{2,3} (¹ 明大・理工・物理、² 東大院・総合文化・広域科学、³CREST・JST、⁴ 東大院・理・物理)

3P220 アクチピン A は記憶の中核である海馬で神経スパインを急性的に増加させる

三橋 賢司¹、向井 秀夫³、北條 泰嗣³、浅島 誠²、福井 彰雅²、川戸 佳^{2,3} (¹ 東大院・理学系・物理、² 東大院・総合文化・広域、³ 科技機構・CREST)

3P221 環境ホルモン Bisphenol-A はラット海馬神経細胞のスパイン形態を急性的に変化させる

田辺 伸聡^{1,2}、小松崎 良将^{2,3}、釣木澤 朋和^{1,2}、三橋 賢司^{2,4}、大石 悠貴^{2,4}、村上 元^{1,2}、石井 寛高^{2,4}、木本 哲也^{1,2}、向井 秀夫^{1,2}、川戸 佳^{1,2,4} (¹ 東大院・総合文化・広域科学、²CREST・JST、³ 明治大・理工、⁴ 東大院・理学系・物理学)

3P222 RNA 結合タンパク質 RNG105 によるシナプス刺激依存的な局所的翻訳制御

椎名 伸之^{1,2,3}、新倉 和美¹、徳永 万喜洋^{1,2,3} (¹ 遺伝研、² 総研大、³ 理研・免疫センター)

3P223 神経樹状突起における局所的な翻訳制御のイメージング

宮城 拓^{1,2}、椎名 伸之^{1,2}、徳永 万喜洋^{1,2,3} (¹ 遺伝研、² 総研大、³ 理研・免疫センター)

3P224 神経樹状突起における mRNA 輸送複合体とミトコンドリア rRNA の共局在

新倉 和美¹、椎名 伸之^{1,2}、十川 久美子³、徳永 万喜洋^{1,2,3} (¹ 遺伝研、² 総研大、³ 理研・免疫センター)

3P225 神経細胞樹状突起における微小管依存的な RNA 結合タンパク質 SYNCRIP の輸送 -mRNA 顆粒の構成要素として-

坂内 博子^{1,2}、深津 和美²、水谷 顕洋^{2,3}、夏目 徹⁴、家村 俊一郎⁴、池上 徹²、井上 貴文^{2,3}、御子柴 克彦^{1,2,3,5} (¹ 理研・脳センター・発生神経生物、² 東大・医科研・脳神経、³ 科技構・ICORP・カルシウム振動、⁴ 産総研・生物情報解析、⁵NTT-IMSUT・神経情報)

3P226 神経刺激時のシナプス前末端内 Ca²⁺ 上昇とミトコンドリアの活性化

鈴木 直哉、平田 伸幸 (名大院・理学・物理)

3P227 カエル神経筋接合部における連続刺激による Ca^{2+} 非依存性の神経伝達物質放出増大機構の解明

平田 伸幸¹、豊田 正嗣^{1,2}、鈴木 直哉¹ (¹ 名大院・理・物理、² 名大院・医・細胞情報医学)

3P228 遺伝子ノックダウンと行動解析によるホヤ重力感受遺伝子の同定

津田 基之¹、有銘 預世布¹、稲田 京子¹、櫻井 大介¹、堀江 健生¹、日下部 岳広¹、香村 芳樹²、大月 恒³ (¹ 兵庫県立大院・生命理、² JASRI、³ 大分大)

3P229 CNR/Protocadherin 蛋白質細胞外領域の発現系と立体構造解析

森下 博文^{1,2,5}、柴田 直樹³、海津 正賢^{1,2,5}、村田 陽二¹、池上 貴久⁴、八木 健^{1,2,5}、樋口 芳樹³ (¹ 阪大院・生命機能・心生物学、² 阪大院・医学系、³ 兵庫県立大院・生命理学、⁴ 阪大・蛋白研、⁵ CREST)

3P230 レチノイン酸によって神経分化誘導したマウス胚性幹細胞による機能回復の試み

渡辺 憲史¹、濱田 真理²、鈴木 登²、榊原 学³ (¹ 東海大院・開発工・生物工、² 聖マリアンナ医大・免疫学・病害動物学、³ 東海大・開発工・生物工)

神経回路・脳の情報処理

3P231 海馬シナプスにおける神経ステロイド PREGS によるグルタミン酸放出促進のメカニズム

曾我部 正博^{1,2,3}、陳 玲² (¹ 名大院・医学系・細胞生物物理、² JST・ICORP・細胞力覚、³ 生理研・分子生理)

3P232 女性ホルモンは海馬 CA1 錐体神経細胞のスパイン形態を急性的に変化させる

釣木澤 朋和^{1,2}、川戸 佳^{1,2} (¹ 東大院・総合文化・広域科学、² 科技団・CREST)

3P233 ラット海馬におけるエストラジオールと DES 効果の多電極測定

荻上 真理^{1,2}、高田 則雄^{1,2}、川戸 佳^{1,2} (¹ 東大院・総合文化・広域科学、² 科学技術振興調整費プロジェクト「環境ホルモン記憶学習攪乱の多電極計測」)

3P234 海馬におけるエストロゲン受容体 ER の細胞内分布解析

村上 元¹、小南 思郎³、向井 秀夫^{1,2}、北條 泰嗣¹、木本 哲也^{1,2}、川戸 佳^{1,2} (¹ 東京大学大学院総合文化研究科広域科学専攻、² CREST・JST、³ 広島大学総合科学部)

3P235 エストロゲン受容体 ER 及びニューロステロイド合成酵素群は海馬神経シナプスに局在する

向井 秀夫^{1,2}、小南 思郎³、村上 元¹、北條 泰嗣^{1,2}、William Janssen⁴、John Morrison⁴、川戸 佳^{1,2} (¹ 東京大学大学院総合文化研究科広域科学専攻、² CREST・JST、³ 広島大学総合科学部、⁴ Mount Sinai School of Medicine)

3P236 ラット脳海馬神経細胞における脳ニューロステロイド合成の解析

北條 泰嗣^{1,2}、中嶋 浩平^{1,2}、榎並 太平^{2,3}、木本 哲也^{1,2}、川戸 佳^{1,2,3} (¹ 東大院・総合文化・広域科学、² CREST・JST、³ 東大院・理学系・物理)

3P237 ラット脳海馬におけるストレスステロイド合成機構の解析

園木 康大^{1,2}、石井 寛高^{1,2}、古川 愛造³、川戸 佳^{1,2} (¹ 東大院・総合文化・広域・生命環境系、² 科学技術振興機構・戦略的創造研究推進事業 CREST、³ 国立久里浜病院)

3P238 コルチコステロンがマウス脳海馬におけるカルシウム信号に与える影響 (II)

小山内 裕美¹、佐藤 了¹、荒川 齊仙¹、門間 俊博¹、平野 愛弓¹、斎藤 稔¹、川戸 佳² (¹ 日大院・総合基礎科学・相関理化学、² 東大院・総合文化・広域科学)

3P239 代謝調節型グルタミン酸受容体依存性長期抑圧に対するアラキドン酸およびその代謝産物の関与

城間 晋作、米谷 快男児 (九工大 情報工 生命情報)

3P240 時間認識におけるサル前頭前皮質の神経機構

生塩 研一、千葉 惇、稲瀬 正彦 (近大医・第1生理)

3P241 コオロギ気流感覚系における刺激方向情報の空間的表現と介在ニューロンによる情報抽出メカニズム

小川 宏人¹、岡 浩太郎²、John P. Miller³ (¹ 埼玉医大・医学基礎・生物、² 慶大・理工・生命情報、³ Center for Computational Biology, Montana State University)

3P242 隠し絵知覚と脳の情報的溫度

村田 勉¹、浜田 貴志²、柳田 敏雄^{1,3} (¹ 情報通信機構・関西・脳情報、² Beach Systems、³ 阪大院・生命機能・ナノバイオ)

3P243 脳波から脳血流 BOLD 信号への線形・非線形動態応答

三分一 史和¹、Pedro Valdes-Sosa²、水原 啓暁¹、山口 陽子¹ (¹ 理研 BSI、² キューバ神経科学センター)

3P244 海馬シークタ位相コードによる場所の曖昧性を含む異なるエピソードの学習

我妻 広明¹、山口 陽子^{1,2} (¹ 理研脳センター、² CREST JST)

3P245 構成的アプローチによる神経ネットワークの電気生理学的計測

鈴木 郁郎¹、杉尾 嘉宏¹、金子 智行¹、神保 泰彦²、安田 賢二¹ (¹ 東大院・総合文化・生命、² 東大院・工学系・精密機械)

3P246 神経組織片と神経 1 細胞によって形成したネットワークの電気生理学的計測

柴田 克也、杉尾 嘉宏、鈴木 郁郎、金子 智行、安田 賢二 (東大・院・総合文化)

3P247 粘菌計算機における非同期並列計算過程

青野 真士¹、原 正彦^{1,2} (¹ 理化学研究所・フロンティア研究システム・局所時空間機能、² 東工大院・総合理工学・物質電子化学)

3P248 ミミズの這行セントラルパターンジェネレータの探索

下井 利修¹、水谷 賢史¹、小島 大介¹、北村 美一郎¹、小川 宏人²、岡 浩太郎¹ (¹ 慶大院・理工・生命理工、² 埼玉医大・基礎・生物)

3P249 プラッド運動が誘起する奥行き知覚

中村 隆志、矢野 理恵 (新潟大・人文)

行動

3P250 昆虫の時系列行動データに対する新しい解析法

深野 毅雄¹、郡司 ベギオ^{1,2} (¹ 神大院・理学系・非線形科学、² 神大理・地球惑星科学・非線形科学)

3P251 Amoeba proteus のランダム運動における統計的特性

正木 紀隆、槌屋 嘉実 (東工大・生命理工)

生命の起源・進化

3P252 実験室内分子進化ダイナミクスの熱力学的及び情報論的概念による解釈

相田 拓洋¹、伏見 譲² (¹ 産総研・生命情報、² 埼玉大・工)

3P253 細胞内反応ネットワークの進化における普遍的性質-Scale-free Network の出現について-

古澤 力¹、金子 邦彦² (¹ 阪大院・情報科学、² 東大院・総合文化)

3P254 3次元格子人工化学反応系による原始細胞のモデル化

小野 直亮 (ATR-NIS)

3P255 有限世界内における力学系とその潜在性

笹井 一人、郡司 幸夫 (神戸大院・自然科学研究科・非線形科学)

3P256 自然淘汰型核酸進化実験系におけるプロモータの進化

永安 弘樹、馬 暁涛、上野 泰生、伏見 譲 (埼玉大・工)

3P257 tRNA 遺伝子クラスター [tRNA(Gly)-tRNA(Cys)-tRNA(Leu) を含む] から 16S リボゾーム RNA への進化

村山 佑介¹、瓜生 耕一郎²、斉藤 大允²、石本 由夏¹、大西 耕二^{1,2} (¹ 新潟大院・自然科学・生命食料、² 新潟大・理・生物)

3P258 原初 mRNA および遺伝暗号の起源と進化： ポリ tRNA 学説のさらなる検証

斉藤 大允¹、瓜生 耕一郎¹、村山 佑介²、大島 円香²、須永 亮¹、大西 耕二^{1,2} (¹ 新潟大・理・生物、² 新潟大院・自然科学・生命食料)

3P259 生命の熱水起原を検証するための in situ 紫外可視吸光光度法

川村 邦男 (大阪府大院・工・応化)

3P260 熱水環境下でのアラニンの異性化 アラニン濃度の影響

三宮 貴子、堀江 美奈子、根本 淳史、今井 栄一、本多 元、羽鳥 晋由、松野 孝一郎 (長岡技科大・生物系)

3P261 TCA サイクルに現れる代謝物質の熱水環境中での生成

池谷 良介、根本 淳史、今井 栄一、本多 元、羽鳥 晋由、松野 孝一郎 (長岡技科大・生物)

3P262 熱水環境下での複合分子の生成と物性解析

柴田 広介、小山 昭広、今井 栄一、本多 元、羽鳥 晋由、松野 孝一郎 (長岡技大院・生物系)

3P263 脳内グロビン蛋白質「ニューログロビン」の分子進化

若杉 桂輔^{1,2}、森島 績¹ (¹ 京大院・工学・分子工学、² 科技機構・さきがけ研究 2 1)

3P264 大腸菌と細胞性粘菌の実験室内共生系の形成過程における大腸菌の細胞状態の分布の変化

山田 成人¹、松山 晋一¹、等々力 政彦²、柏木 明子¹、卜部 格²、四方 哲也^{1,2,3,4,5} (¹ 阪大院・情報科学、² 阪大院・工学、³ 阪大院・生命機能、⁴ 東大院・総合文化、⁵ 科技団・さきがけ 2 1)

生命情報科学 A) 構造ゲノミクス

3P265 ProMode - 知見情報の基準振動アニメーションへの反映

輪湖 博¹、大塚 元央²、富澤 裕樹³、加藤 雅樹⁴、猿渡 茂⁵ (¹ 早大・社会科学、² NECソフト(株)、³ (株)サイエンスハウス、⁴ 横浜市大・院総合理・生体超分子、⁵ 北里大・理・物理)

3P266 完全グラフを利用したタンパク質の rigid domain の同定と SCOP への応用

益子 理絵¹、輪湖 博²、山名 早人³ (¹ 早大院・理工・情報、² 早大・社会科学、³ 早大・理工)

3P267 タンパク質の一次元情報から天然構造を再現する

金城 玲^{1,2}、西川 建^{1,2} (¹ 遺伝研・生命情報 DDBJ、² 総研大・遺伝)

3P268 1 回貫通型膜タンパク質ドメイン・アーキテクチャー解析

新居 真吏^{1,2}、福士 貴文¹、水田 智史¹、佐竹 正延^{2,3}、清水 俊夫¹ (¹ 弘前大・理工・電子情報システム工、² 東北大院・生命科学・生命機能、³ 東北大・加齢研・免疫遺伝子制御)

3P269 膜貫通ヘリックス間コンタクトペアの解析

林原 宏之¹、浜田 悟史¹、西尾 卓広²、清水 俊夫¹ (¹ 弘前大・理工・電子情報システム工、² 浜松医大・物理)

3P270 膜貫通タンパク質配列のマルチプルアライメント、可変長ループの定義

太田 照幸¹、木村 隆雄²、西尾 卓広³、清水 俊夫¹ (¹ 弘前大・理工・電子情報システム工、² 青森中央学院大学・経法・経法、³ 浜松医大・物理)

3P271 プロファイル構築法のタンパク質構造認識およびアラインメント精度に及ぼす影響

富井 健太郎 (産総研・CBRC)

3P272 蛋白質分子表面上の物理化学的性質、形状を用いた蛋白質間相互作用の予測法の開発

土屋 裕子¹、木下 賢吾^{1,2}、中村 春木¹ (¹ 阪大・蛋白研、² 科技园さきがけ)

3P273 CoLBA: 相互作用比較を考慮したリガンド結合予測法の開発

広川 貴次¹、秋山 泰² (¹ 産総研・生命情報・分子設計、² 産総研・生命情報・大規模計算)

3P274 all- α 型および all- β 型タンパク質のアミノ酸配列の物理的性質に注目した周期性解析

今井 賢一郎、美宅 成樹 (名大・院工・応用物理)

3P275 SOSUI 精度向上に向けた膜貫通ヘリックス解析とミトコンドリア膜タンパク質解析

辻 敏之、美宅 成樹 (名大院・工・マテリアル理工)

3P276 膜貫通ヘリックス配置予測のためのヘリックス末端側鎖の解析

北井 祐史¹、美宅 成樹² (¹ 東京農工大・工・生命工、² 名大・院工・応用物理)

生命情報科学 B) 機能ゲノミクス

3P277 アレルゲンタンパク質予測に向けたアミノ酸配列断片の組み合わせ解析

朝川 直行¹、手島 玲子²、美宅 成樹¹ (¹ 名大・院工・応用物理、² 国立衛研)

3P278 正電荷コア指標を用いた核移行タンパク質の解析

崎山 則征¹、堀部 貴実子¹、美宅 成樹² (¹ 東京農工大・工・生命工、² 名大・院工・応用物理)

3P279 高精度 7 回貫通型膜タンパク質予測手順の確立と網羅的 GPCR 機能分類・同定

井上 泰仁、清水 俊夫 (弘前大・理工・電子情報システム工)

3P280 G タンパク質共役型受容体がオリゴマー化する際のインターフェース予測手法の開発と、Class A GPCRs への適用

根本 航^{1,2}、藤 博幸² (¹ 奈良先端・情報科学・情報生命、² 京大・化研・バイオインフォマティクスセンター)

3P281 高度に集積した近接 GPCR 遺伝子クラスター (Gene Union)

諏訪 牧子¹、藤 航¹、小野 幸輝^{1,2} (¹ 産総研・CBRC、² 情報数理研究所)

3P282 立体構造情報を利用したタンパク質機能予測法 FCANAL の一般化

鈴木 歩¹、安藤 格士¹、山登 一郎¹、宮崎 智² (¹ 東理大・基礎工・生物工、² 東理大・薬学・薬学)

3P283 選択的スプライシングによる蛋白質立体構造への影響

塩生 真史¹、由良 敬²、萩野 圭³、土方 敦司³、平島 義紀³、中原 拓³、江口 達也³、篠田 和紀³、山口 晶大⁴、高橋 健一⁴、伊藤 剛^{5,6}、今西 規⁶、五條 堀 孝^{6,7}、郷 通子⁴ (¹ 横浜市立大・院総合理・生体超分子、² 原研・計算科学セ・量子生命、³ 名大・院理・生命理学、⁴ 長浜バイオ大・バイオサイエンス、⁵ 農生資研・ゲノム、⁶ 産総研・BIRC、⁷ 遺伝研・DDBJ)

3P284 タンパク質と低分子の相互作用情報のデータベース Het-PDB Navi. の検索機能強化

山口 晶大¹、友田 志郎²、由良 敬³、郷 通子¹ (¹長浜バイオ大・バイオサイエンス、²弘前大・理工・電子情報、³原研・計算科学セ・量子生命)

3P285 デイノコッカス・ラジオデュランスの放射線抵抗性に関する遺伝子探索

由良 敬¹、河野 秀俊^{1,2}、郷 信広^{1,2,3} (¹原研・計算科学セ・量子生命、²原研・中性子利用研究セ・生体物質、³奈良先端大・情報)

3P286 Computational analyses of eRF1 molecular surface that is important for stop codon interactions

Kim Oanh¹、由良 敬¹、郷 信広^{1,2,3}、春本 晃江⁴ (¹原研・計算科学セ・量子生命、²原研・中性子セ・生体物質、³奈良先端大・情報、⁴奈良女大院・人間文化・共生自然)

3P287 リプレッシャーの動力学による理論的研究

牛久保 智宏、井上 渉、依田 充正、笹井 理生 (名大院・情報科学)

3P288 シロイヌナズナにおける低温ストレス下での選択的スプライシングの様相の変化

飯田 慶¹、関 原明²、櫻井 哲也³、佐藤 将一³、秋山 顕治³、豊田 哲郎³、小長谷 明彦³、篠崎 一雄² (¹長浜バイオ大学・バイオサイエンス、²理研 GSC・植物ゲノム、³理研 GSC・ゲノム情報)

生命情報科学 C) 比較ゲノミクス

3P289 自動判定法による転写因子の網羅的同定と比較ゲノム解析

峯崎 善章、西川 建 (国立遺伝研)

3P290 原核ゲノム 44 種におけるタンデムリピートの解析とゲノム進化

水田 智史¹、アプリミティ エイメイティ¹、木村 隆雄²、大沢 研二³、清水 俊夫¹ (¹弘前大・理工・電子情報システム工、²青森中央学院大・経法・経法、³群大院・工・ナノ材料システム工)

生命情報科学 D) 分子進化

3P291 Power Law の進化モデル：トランスクリプトームと遺伝子ファミリー

小笠原 理、久保田 功、大久保 公策 (遺伝研・DDBJ・発現解析)

3P292 高度好塩性古細菌 Haloarcula 属のレチナルタンパク質ファミリーの進化

井原 邦夫 (名大・遺伝子)

3P293 光合成反応中心および古細菌・細菌・菌類オプシンの起源と進化

石本 由夏¹、村山 佑介¹、斉藤 大允²、瓜生 耕一郎²、山崎 雅²、古市 尚高¹、大西 耕二^{1,2} (¹新潟大院・自然科学・生命食料、²新潟大・理・生物)

3P294 主座標分析法に基づくスイレノ目の位置付けについて

瓜生 耕一郎¹、須永 亮¹、合田 正毅²、大西 耕二^{1,2} (¹新潟大・理・生物、²新潟大院・自然科学)

計測

3P295 X線照射時における1分子への力場の確認

佐々木 裕次、奥村 泰章、宮崎 拓也 (SPring-8/JASRI, JST/CREST 佐々木チーム)

3P296 光吸収による蛋白質1分子の構造揺らぎと機能活性

奥村 泰章^{1,2}、宮崎 拓也^{1,2}、佐々木 裕次^{1,2} (¹JST/CREST(佐々木チーム)、²SPring-8/JASRI)

3P297 アンジュレータ放射光の偏光変調を用いた

真空紫外円二色性スペクトルの測定-II

山田 亨¹、渡辺 一寿²、田中 真人³、金子 房恵⁴、北田 朋⁴、太田 佳美⁴、中川 和道⁵ (¹産総研 脳神経情報、²産総研 計測フロンティア、³早稲田大 理工、⁴神戸大院 総合人間科学、⁵神戸大 発達科学)

3P298 銀ナノ粒子による表面増強ラマンイメージング・分光

丸山 芳弘¹、石川 満²、二又 政之³ (¹浜松ホトニクス筑波研、²産総研-四国セ、³産総研-界面ナノ研セ)

3P299 AFM プローブで加えた力学的摂動による GFP の発光変化の観察

児玉 高志¹、大谷 弘之¹、荒川 秀雄²、猪飼 篤² (¹東工大院生体分子機能工学、²東工大院分子生命科学)

3P300 DNA 塩基対を形成する水素結合1個の力計測

廣島 通夫^{1,2}、徳永 万喜洋^{1,2,3} (¹理研・免疫センター、²遺伝研、³総研大)

3P301 走査型プローブ顕微鏡による生体試料観察の課題と可能性

繁野 雅次、二瓶 亜三子、松澤 修、渡邊 直哉、白川部 喜春、井上 明 (SIINT)

3P302 Au(111) 基板に発生するナノバブルの計測

亀田 直樹¹、中林 誠一郎¹、大塚 一郎² (¹ 埼玉大・理・基礎化学、² 奥羽大・歯・生体材料)

3P303 水溶液中でのカーボンナノチューブの可視化

清水 彬生¹、曾和 義幸¹、永井 萌土²、斎藤 弥八¹、新井 史人²、石島 秋彦^{1,3} (¹ 名大院・工・応用物理、² 名大院・工・マイクロ、³ 科技振さがけ 21)

3P304 単一生細胞内 mRNA の経時計測法の改良

河野 博信¹、金 賢徹¹、鈴木 郁郎¹、岡野 和宣¹、長田 俊哉²、猪飼 篤²、安田 賢二¹ (¹ 東大院・総合文化、² 東工大院・生命理工)

3P305 遺伝子発現量の定量的解析を目指したプローブ作製の検討

金 賢徹、岡野 和宣、安田 賢二 (東大院・総合文化)

3P306 ポリマー複製方式によるシングルモード導波路型表面プラズモン共鳴センサーの開発

西川 武男¹、岸本 潤¹、瀬崎 浩史²、松下 智彦¹、山下 英之¹、乗岡 茂巳²、和沢 鉄一²、青山 茂¹ (¹ オムロン株式会社・技術本部、² 阪大院・生命機能)

3P307 哺乳類におけるサーカディアンリズム中枢・視交叉上核の神経細胞の 1 細胞活動電位計測系の開発

杉尾 嘉宏¹、寺園 英之²、鈴木 郁郎¹、金子 智行¹、中嶋 幹郎²、佐々木 均²、神保 泰彦³、安田 賢二¹ (¹ 東大・総合文化・生命、² 長崎大・医学部歯学部附属病院・薬剤部、³ 東大・工学系・精密機械工学)

3P308 大腸菌の成長静止期培養液に対する応答の 1 細胞解析

若本 祐一、安田 賢二 (東大院・総合文化)

3P309 オンチップ細胞培養系を用いた遊泳細胞の成長および運動の同時計測

服部 明弘、梅原 千慶、若本 祐一、安田 賢二 (東大・院・総合文化)

3P310 フォノン分光法を用いた卵割時における弾性不安定性の検出

藤村 嘉彦、吉岡 伸也、木下 修一 (阪大院 生命機能)

3P311 蛍光相関分光法による細胞内マルチポイント同時測定

高橋 保夫^{1,2}、澤田 龍治²、石橋 養親²、三國 新太郎¹、金城 政孝¹ (¹ 北大・電子研、² オリンパス (株))

3P312 基盤に吸着させたミトコンドリアの活性計測

上地 悠紀子、吉岡 久史、三枝 秀彰、太田 善浩 (東農工大院・工・生命)

3P313 ミクロ熱励起・温度計測による新しい細胞機能解析法の開発

Zeeb Vadim¹、鈴木 団²、石渡 信一² (¹ ロシア科学アカデミー生物学研究センター、² 早大・理工・物理)

3P314 近赤外 1 μ m 領域における生体組織の散乱吸収特性の解析

西村 吾朗、田村 守 (北海道大学 電子科学研究所)

3P315 次世代脳機能イメージング技術 (Functional Temperature Magnetic Resonance Imaging) の開発を目指して

精山 明敏^{1,2}、関 淳二³、吉岡 芳親⁴、柳田 敏雄^{1,2,5} (¹ 阪大院・医学系・情報生理、² 情通研・関西・脳情報 G、³ 循環器病センター・生体工学部、⁴ 岩手医大・先端医療研究センター、⁵ 阪大院・生命機能・ナノ生体科学)

その他

3P316 局所的変形をもった細胞に対する低周波交流電場の作用に関する境界要素法計算

関根 克尚¹、長面 佳央理¹、松島 江理¹、浅見 耕司² (¹ 金大・医・保健、² 京大・化研)

3P317 高感度・多周波電子スピン共鳴装置の開発とそれを用いた DNA の研究

保母 史郎^{1,2}、八代 晴彦^{1,2}、萩原 政幸^{1,2} (¹ 横浜市大院・総合理学、² 理研中央研)

3P318 生体物質のマイクロチップ内二次元ハンドリングシステムの開発

辰岡 正康¹、下前 智宏²、渡部 翔太²、白崎 義隆¹、水野 潤³、庄子 習一²、和田 恭雄³、船津 高志⁴ (¹ 早大院・生命理工、² 早大院・ナノ理工、³ 早大 NTF、⁴ 東大薬)